



Tecnológico de Monterrey

Inteligencia Artificial Avanzada para la Ciencia de Datos 1

Adrián Galván Díaz
Escuela de Ingeniería y Ciencias
Instituto Tecnológico y de Estudios Superiores de Monterrey
Querétaro, México
A01704076@tec.mx

Abstract — Este proyecto se enfoca en la implementación manual de un algoritmo de regresión logística utilizando gradiente descendiente, sin la asistencia de marcos de trabajo o bibliotecas externas. El objetivo principal fue desarrollar un modelo capaz de predecir con precisión si un hongo es comestible o venenoso, basándose en un conjunto de datos categóricos que describe 23 especies de hongos de las familias Agaricus y Lepiota. A través de un riguroso Análisis Exploratorio de Datos (EDA), se preparó y transformó el set de datos, lo que permitió la creación y evaluación del modelo de clasificación. Los resultados obtenidos demostraron un alto porcentaje de precisión, confirmando la eficacia del algoritmo en la tarea de clasificación. Este proyecto no solo ofrece una contribución significativa al entendimiento y aplicación de algoritmos de Machine Learning sin frameworks, sino que también establece una base sólida para la escalabilidad de técnicas de clasificación en conjuntos de datos categóricos complejos.

Keywords — Regresión Logística, Gradiente Descendiente, Análisis Exploratorio de Datos (EDA), Machine Learning (ML), Inteligencia Artificial (IA), Split Test, Matriz de Confusión, Épocas/Epochs, Learning Rate, Parámetros, Hiperparámetros, Python, Instancias, Clase(s), Features, Entropía Cruzada

I. INTRODUCCIÓN

La inteligencia artificial (IA) ha evolucionado significativamente desde sus inicios a mediados del siglo XX [1]. Originalmente, la IA se centraba en la creación de sistemas que pudieran realizar tareas que normalmente requerirían inteligencia humana, como la resolución de problemas y el procesamiento del lenguaje natural. Con el tiempo, la IA se ha diversificado en varios subcampos, siendo el aprendizaje automático o machine learning (ML) uno de los más prominentes. ML se refiere a la capacidad de las máquinas para aprender de datos y mejorar su rendimiento sin ser programadas explícitamente para cada tarea específica [2].

El desarrollo del aprendizaje automático comenzó con el reconocimiento de patrones y se ha expandido para incluir

una amplia gama de técnicas que permiten a los sistemas aprender y tomar decisiones basadas en datos. Hoy en día, ML se clasifica principalmente en tres categorías: aprendizaje supervisado, no supervisado y por refuerzo.

Aprendizaje supervisado: Involucra entrenar un modelo en un conjunto de datos etiquetado, donde la respuesta correcta es conocida. Es ideal para tareas de clasificación y regresión. [3]

Aprendizaje no supervisado: Se utiliza cuando los datos no están etiquetados y el objetivo es identificar estructuras ocultas o patrones en los datos, como en la agrupación o reducción de dimensionalidad. No necesita de intervención humana en el proceso de aprendizaje. [3]

Aprendizaje por refuerzo: Implica entrenar un modelo para tomar decisiones secuenciales a través de un sistema de recompensas y castigos, comúnmente utilizado en áreas como el control robótico y los videojuegos. [3]

Hoy en día, la IA y el ML tienen un impacto profundo en diversos sectores, desde la medicina hasta la industria, mejorando procesos, optimizando recursos y generando soluciones innovadoras.

A. Contexto general

En el contexto de este proyecto, los algoritmos de machine learning, en particular los de clasificación, son fundamentales para resolver problemas de decisión binaria. Este proyecto se enfoca en el uso de un algoritmo de regresión logística, una técnica de aprendizaje supervisado, para predecir si un hongo es comestible o venenoso basándose en sus características observables.

La regresión logística es uno de los métodos más comunes para problemas de clasificación binaria, mientras que la regresión lineal se utiliza generalmente para problemas de predicción continua. La capacidad de estos modelos para hacer predicciones precisas y basadas en datos los convierte en herramientas esenciales en la toma de decisiones en diversas áreas.

Aplicar machine learning al análisis de hongos, una rama de la biología, permite no solo avanzar en la identificación precisa de especies, sino también abrir la puerta a aplicaciones en otras áreas biológicas, como la clasificación de plantas, la detección de enfermedades en cultivos, y el análisis de patrones de comportamiento animal.

B. Base de Datos

El conjunto de datos utilizado en este proyecto proviene del UC Irvine Machine Learning Repository [4], un recurso ampliamente reconocido y de acceso público. Esta base de datos contiene descripciones de muestras hipotéticas de 23 especies de hongos pertenecientes a las familias Agaricus y Lepiota. En total, la base de datos cuenta con 8124 instancias y 22 atributos, todos nominalmente valorados. A continuación, se listan las variables:

TABLA 1. TABLA DE VARIABLES

Nombre de la Variable	Descripción	Valores Posibles
cap-shape	Forma del sombrero	bell (b), conical (c), convex (x), flat (f), knobbed (k), sunken (s)
cap-surface	Superficie del sombrero	fibrous (f), grooves (g), scaly (y), smooth (s)
cap-color	Color del sombrero	brown (n), buff (b), cinnamon (c), gray (g), green (r), pink (p), purple (u), red (e), white (w), yellow (y)
bruises	Presencia de moretones	bruises (t), no (f)
odor	Olor	almond (a), anise (l), creosote (c), fishy (y), foul (f), musty (m), none (n), pungent (p), spicy (s)
gill-attachm ent	Adherencia de las branquias	attached (a), descending (d), free (f), notched (n)
gill-spacing	Espaciado de las branquias	close (c), crowded (w), distant (d)
gill-size	Tamaño de las branquias	broad (b), narrow (n)
gill-color	Color de las branquias	black (k), brown (n), buff (b), chocolate (h), gray (g), green (r), orange (o), pink (p), purple (u), red (e), white (w), yellow (y)

stalk-shape	Forma del tallo	enlarging (e), tapering (t)
stalk-root	Raíz del tallo	bulbous (b), club (c), cup (u), equal (e), rhizomorphs (z), rooted (r), missing (?)
stalk-surface -above-ring	Superficie del tallo sobre el anillo	fibrous (f), scaly (y), silky (k), smooth (s)
stalk-surface -below-ring	Superficie del tallo bajo el anillo	fibrous (f), scaly (y), silky (k), smooth (s)
stalk-color-a bove-ring	Color del tallo sobre el anillo	brown (n), buff (b), cinnamon (c), gray (g), orange (o), pink (p), red (e), white (w), yellow (y)
stalk-color-b elow-ring	Color del tallo bajo el anillo	brown (n), buff (b), cinnamon (c), gray (g), orange (o), pink (p), red (e), white (w), yellow (y)
veil-type	Tipo de velo	partial (p), universal (u)
veil-color	Color del velo	brown (n), orange (o), white (w), yellow (y)
ring-number	Número de anillos	none (n), one (o), two (t)
ring-type	Tipo de anillo	cobwebby (c), evanescent (e), flaring (f), large (l), none (n), pendant (p), sheathing (s), zone (z)
spore-print-color	Color de la impresión de las esporas	black (k), brown (n), buff (b), chocolate (h), green (r), orange (o), purple (u), white (w), yellow (y)
population	Población	abundant (a), clustered (c), numerous (n), scattered (s), several (v), solitary (y)
habitat	Hábitat	grasses (g), leaves (l), meadows (m), paths (p), urban (u), waste (w), woods (d)

II. ANÁLISIS EXPLORATORIO DE DATOS

El objetivo principal del Análisis Exploratorio de Datos (EDA) es conocer y comprender la estructura del conjunto de datos utilizado en este proyecto. Este proceso incluye la

identificación de valores nulos, la visualización de la distribución de las variables mediante gráficas, y la utilización de técnicas estadísticas como una matriz de correlación para tomar decisiones informadas sobre las variables más relevantes para el modelo. La finalidad del EDA es preparar los datos de manera adecuada para la construcción y evaluación del modelo de Machine Learning.

A. Transformación de los Datos

Para preparar los datos para el modelo de Machine Learning, se realizó una transformación de las variables categóricas utilizando One Hot Encoding [5]. Dado que las variables en el dataset no tenían una composición vectorial, sino que eran meramente clasificatorias (colores, formas), el One Hot Encoding fue la técnica más adecuada para este caso. De esta forma se transformaron las variables donde cada una representa la presencia o ausencia de valor. Por ejemplo: bruises (1. bruises_t, 2. bruises_f) (Tabla 1 y Figura 2).

B. Revisión de los Datos

Durante la revisión de los datos, se identificó la presencia de valores nulos en la variable stalk_root, que representa la forma de la raíz del tallo. Esta variable contenía 2480 valores nulos, lo que representa una proporción significativa del total de 8124 instancias en el dataset. Los valores nulos estaban representados por un signo de interrogación (?). A continuación, se graficó la distribución de esta variable para entender mejor su comportamiento en el dataset.

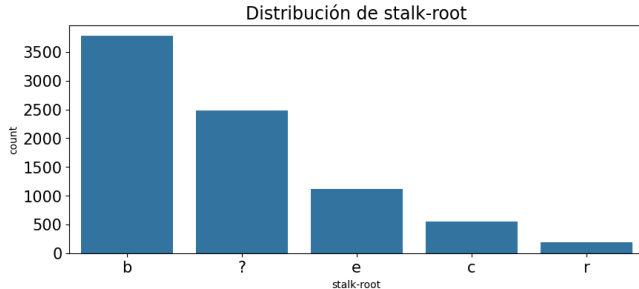


Fig. 1. Gráfico de barras para "stalk_root"

Como se observa en la Figura 1, una gran porción de los datos cuenta con un stalk_root indefinido. Inicialmente, se consideró la posibilidad de eliminar estas instancias, pero se optó por realizar un análisis más profundo a través de una matriz de correlación.

La matriz de correlación reveló una correlación positiva significativa de 0.784 entre los valores nulos en stalk_root_? y el color de las branquias negras (gill_color_b). Esta correlación sugiere que los valores nulos en stalk_root no son completamente aleatorios, sino que podrían estar asociados a características importantes de los hongos, posiblemente relacionados con morfologías específicas que afectan tanto la raíz como el color de las branquias. Por lo tanto, se decidió conservar estos valores nulos en el dataset, ya que podrían contener información útil para la predicción.

Como última observación, se encontró una correlación negativa fuerte de -0.78 entre la ausencia de olor (odor_n) y la comestibilidad de los hongos, indicando que los hongos

sin olor tienden a ser comestibles. Esta información fue considerada valiosa y se mantuvo para su inclusión en el modelo.

C. Carga de Datos

Inicialmente, contábamos con una base de datos con 8124 instancias, 22 features o variables independientes y 1 columna de clasificación de clase. Después de la transformación y revisión de los datos contamos con la misma cantidad de instancias y nuestra columna de clasificación de clase pero con 118 features diferentes, cada una representando un valor presente dentro de una variable. Como se mencionó anteriormente, se transformaron las variables donde cada una representa la presencia o ausencia de valor, esto se puede observar al ver la variable cap-shape en la Tabla 1 y en la Figura 2.

class	cap-shape_b	cap-shape_c	cap-shape_f	cap-shape_k	cap-shape_s	cap-shape_x
1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.0
0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.0
0	1.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.0
0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.0

Fig. 2. Representación visual de la transformación de los datos

III. MODELO

A. Justificación

a) Regresión

La regresión logística es un tipo de modelo de clasificación utilizado para predecir la probabilidad de que una observación pertenezca a una de dos categorías posibles [6]. A diferencia de la regresión lineal, que es adecuada para problemas de predicción continua, la regresión logística es ideal para situaciones donde la variable de resultado es binaria, como en este caso, donde queremos predecir si un hongo es comestible o venenoso.

La función central en la regresión logística es la función sigmoide, que mapea cualquier valor real a un rango entre 0 y 1, permitiendo interpretar el resultado como una probabilidad. La fórmula de la función sigmoide se muestra en la Figura 3 [6].

$$f(x) = \frac{1}{1 + e^{-x}}$$

Fig. 3. Fórmula de una sigmoide

El uso de regresión lineal en este contexto no sería adecuado porque la regresión lineal asume una relación lineal entre las variables independientes y la variable dependiente. Sin embargo, en un problema de clasificación binaria, esta suposición no se sostiene, ya que el rango de salida de la regresión lineal no se limita a 0 y 1, como lo hace la función de una sigmoide (Figura 4) [6].

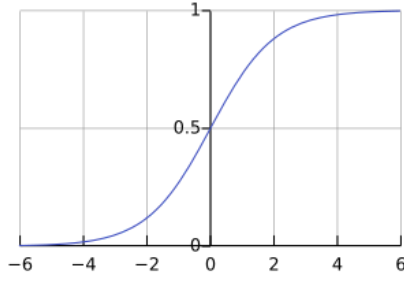


Fig. 4. Función representativa de una sigmoide

b) Gradiente Descendiente

El gradiente descendiente es un algoritmo de optimización utilizado para minimizar la función de pérdida, ajustando los parámetros del modelo (en este caso, los pesos w y el sesgo b). En cada iteración, el algoritmo calcula la pendiente de la función de pérdida con respecto a los parámetros y ajusta estos parámetros para reducir el error. El objetivo de este algoritmo es reducir la pendiente de la función de pérdida y acercarse a 0 de esta manera reduciendo el “costo” (Figura 5) [7].

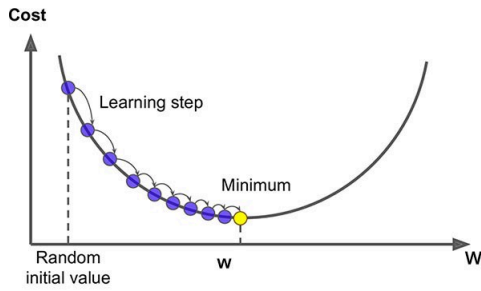


Fig. 5. Representación visual del funcionamiento del gradiente descendiente.

c) Entropía Cruzada

La entropía cruzada es una medida de la diferencia entre dos distribuciones de probabilidad. En el contexto de la regresión logística, se utiliza como función de pérdida para evaluar qué tan bien el modelo está prediciendo las probabilidades correctas, de esta manera la función de gradiente descendiente nos ayuda a disminuir el error de manera iterativa (Figura 7) [10]. La fórmula de la entropía cruzada para un modelo de clasificación binaria se puede ver en la Figura 6 [8, 9].

$$-\frac{1}{N} \sum_{i=1}^N y_i \cdot \log(p(y_i)) + (1 - y_i) \cdot \log(1 - p(y_i))$$

Fig. 6. Fórmula de la entropía cruzada

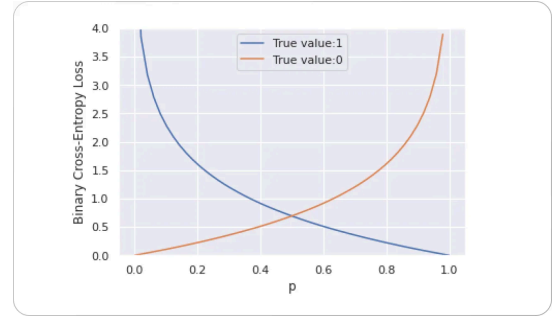


Fig. 7. Representación visual de la entropía cruzada.

B. Preparación de los Datos

En la preparación de los datos, es crucial separar el conjunto de datos en tres subconjuntos: entrenamiento, validación y prueba. Esto es debido a que cuando se lleva a cabo un entrenamiento con el mismo conjunto de datos de prueba no sabrás cómo funcionará el algoritmo con datos con los que no se entrenó el modelo, es decir, los datos reales. El proceso de separar los datos, conocido como split test, implica dividir los datos en dos partes [11]. El conjunto de validación se utiliza para evaluar el modelo durante el entrenamiento y ajustar los hiperparámetros (como la tasa de aprendizaje y el número de épocas). Este enfoque permite prevenir problemas como el sobreajuste, ya que proporciona una evaluación del modelo en datos no vistos, permitiendo así realizar ajustes antes de la evaluación final en el conjunto de prueba. Este proceso se lleva a cabo en dos etapas:

1. El conjunto de datos original se divide en dos partes
 - 80% de los datos se utilizan para el conjunto de entrenamiento y validación (train_val).
 - 20% de los datos se utilizan para el conjunto de prueba (test).
2. El conjunto train_val se divide nuevamente
 - 75% de train_val se utiliza para el entrenamiento (train).
 - 25% de train_val se utiliza para la validación (validation).

C. Descripción del modelo

En el código se plantearon las funciones y métodos necesarios para llevar a cabo esta implementación. A continuación, describimos las funciones y parámetros utilizados en el modelo, organizándolos en una tabla para mayor claridad (Tabla 2).

TABLA 2. TABLA DE FUNCIONES

Nombre	Función	Descripción
sigmoid(z)	Mapea cualquier valor real a un rango entre 0 y 1 usando la función sigmoide.	Permite que el modelo prediga probabilidades entre 0 y 1.
GD (x, y, w, b)	Implementa el gradiente descendiente para actualizar los pesos y el sesgo.	Optimiza los parámetros del modelo minimizando la función de pérdida a través de iteraciones.
loss (x, y, w, b)	Calcula la pérdida utilizando entropía cruzada. Los errores son guardados en un arreglo para posteriormente graficarlos.	Proporciona una medida del error del modelo en cada época, que es minimizada durante el entrenamiento.
predict(x, w, b)	Predice la clase de nuevas instancias basándose en los parámetros entrenados.	Utiliza la salida de la función sigmoide para clasificar las instancias como 0 (comestible) o 1 (venenoso).

Parámetros:

Pesos (w): Inicializados en 0 y actualizados durante el entrenamiento.

Sesgo (b): Inicializado en 0 y actualizado junto con los pesos.

Hiperparámetros:

Learning Rate: Tasa de aprendizaje, que controla qué tan grandes son los pasos del gradiente descendiente. Inicializado en 0.01.

Epochs: Número de iteraciones para ajustar los pesos del modelo. Una época equivale a una vuelta completa a la base de datos.

IV. RESULTADOS INICIALES

El modelo fue entrenado en dos configuraciones diferentes, utilizando 3000 y 6000 epochs. Los resultados muestran que con un mayor número de epochs, el modelo logra una mejor precisión en el conjunto de prueba.

Precisión en el conjunto de prueba (3000 epochs): 97.85%

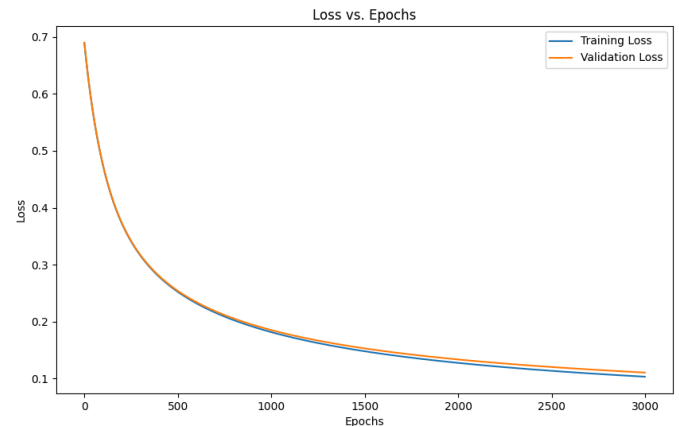


Fig. 8. Gráfica de pérdida a lo largo del tiempo 3000 epochs

Precisión en el conjunto de prueba (6000 epochs): 98.34%

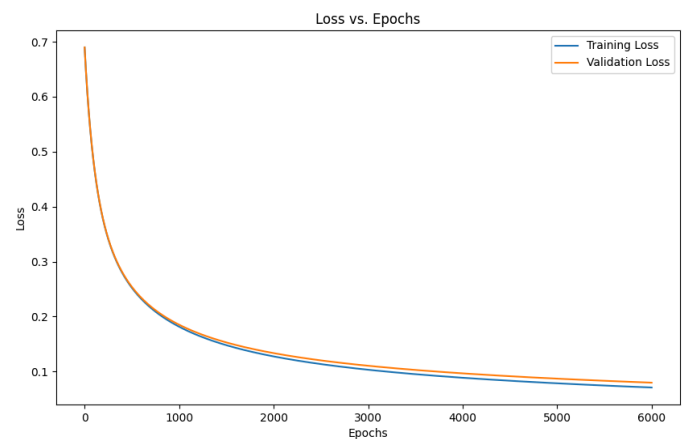


Fig. 9. Gráfica de pérdida a lo largo del tiempo 6000 epochs

Para la evaluación del modelo se decidió graficar una matriz de confusión para ambas pruebas de entrenamiento [12].

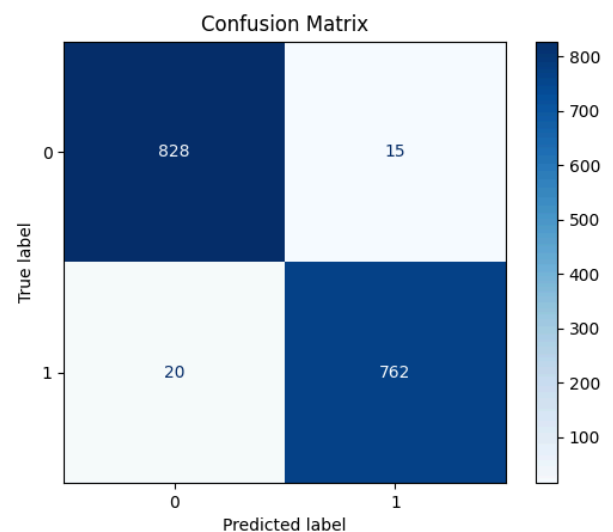


Fig. 10. Gráfica de matriz de confusión 3000 epochs

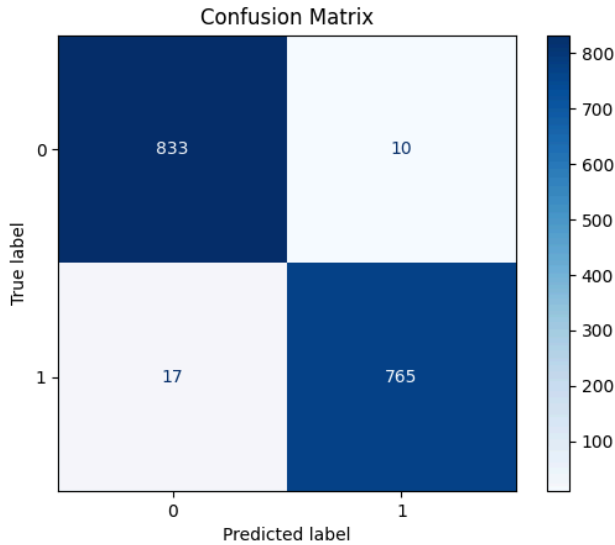


Fig. 11. Gráfica de matriz de confusión 6000 epochs

1. 3000 Epochs

TP (True Positives): 828
 TN (True Negatives): 762
 FP (False Positives): 15
 FN (False Negatives): 20

2. 6000 Epochs

TP (True Positives): 833
 TN (True Negatives): 765
 FP (False Positives): 10
 FN (False Negatives): 17

El aumento en las epochs resulta en una ligera reducción de errores, como lo demuestran las matrices de confusión, con menos falsas predicciones cuando se utilizan 6000 epochs. Sin embargo, la mejora es mínima, lo que sugiere que el modelo podría estar acercándose a su límite de rendimiento con este conjunto de datos. De igual manera, el modelo tiene un muy buen desempeño con ambos conjuntos de epochs, con más de 97% de precisión en ambos casos.

A. Diagnóstico final

Después del entrenamiento del modelo, se realizó un diagnóstico final para evaluar el ajuste del modelo utilizando el análisis de la varianza y el sesgo.

La varianza mide la sensibilidad del modelo a los cambios en los datos de entrenamiento. Un modelo con alta varianza tiende a sobreajustarse a los datos de entrenamiento, mostrando un buen rendimiento en este conjunto pero un rendimiento pobre en el conjunto de validación. El sesgo, por otro lado, mide los errores sistemáticos que comete el modelo. Un alto sesgo indica que el modelo no está capturando bien la relación en los datos, lo que resulta en un subajuste.

Para evaluar el ajuste del modelo, se implementó un diagnóstico final basado en la comparación de las pérdidas (losses) en los conjuntos de entrenamiento y validación.

Este diagnóstico se llevó a cabo al final del proceso de entrenamiento, calculando las pérdidas finales de todos los conjuntos.

Underfitting (Alto Sesgo, Baja Varianza): Si se observan errores altos en ambos el conjunto de entrenamiento y el conjunto de validación, indica que el modelo no está capturando bien las relaciones en los datos, tanto en el entrenamiento como en la validación. [13, 14]

Overfitting (Bajo Sesgo, Alta Varianza): Si el error en el conjunto de entrenamiento es bajo pero el error en el conjunto de validación es significativamente mayor, esto indica que el modelo está sobreajustado, capturando ruido en los datos de entrenamiento pero fallando en generalizar a nuevos datos. [13, 14]

Appropriate Fitting: Si los errores son moderadamente bajos en ambos conjuntos de datos, esto indica que el modelo está capturando bien las relaciones en los datos y generaliza adecuadamente. [13, 14]

B. Porcentajes de precisión

Para complementar el diagnóstico final y entender mejor el fitting de nuestro modelo, se realizaron tres pruebas con diferentes cantidades de épocas: 1000, 3000 y 6000 epochs. Este enfoque nos permite analizar cómo las épocas afectan el desempeño del modelo y determinar si estamos ante un caso de subajuste (underfitting), sobreajuste (overfitting) o ajuste adecuado (appropriate fitting).

Como se mencionó en la sección anterior, si tanto los errores en el conjunto de entrenamiento como en el de validación son altos, es probable que tengamos un problema de sesgo (bias), donde el modelo no está capturando adecuadamente las relaciones en los datos. Un error muy bajo en el conjunto de entrenamiento y un error en el conjunto de validación significativamente mayor podría estar indicando un problema de varianza (variance) o sobreajuste (overfitting). Por último, si los errores en todos los subconjuntos de datos son similares y bajos, podemos concluir que el modelo tiene un ajuste adecuado (appropriate fitting). [15]

La pregunta que tenemos en este momento y queremos resolver es cómo sabemos qué tan altos o bajos están los errores comparados uno con otros. Queremos observar si con el cambio de épocas logramos identificar un cambio significativo en los valores como para poder inferir un número de diferencia descriptivo entre errores que nos permita identificar un mal ajuste. Si los errores a lo largo de las 3 pruebas se comportan igual en todos los subconjuntos de datos entonces inferimos que el modelo tiene ajuste adecuado en todos los casos a pesar de la cantidad de épocas.

1. 1000 Epochs

Final Training Loss: 0.1817
 Final Validation Loss: 0.1853
 Final Test Loss: 0.1912

Precisión en el conjunto de entrenamiento: 95.61%
 Precisión en el conjunto de validación: 95.57%
 Precisión en el conjunto de prueba: 95.14%

2. 3000 Epochs

Final Training Loss: 0.1033
 Final Validation Loss: 0.1105
 Final Test Loss: 0.1116

Precisión en el conjunto de entrenamiento: 97.83%
 Precisión en el conjunto de validación: 97.48%
 Precisión en el conjunto de prueba: 97.60%

3. 6000 Epochs

Final Training Loss: 0.0710
 Final Validation Loss: 0.0797
 Final Test Loss: 0.0780

Precisión en el conjunto de entrenamiento: 98.42%
 Precisión en el conjunto de validación: 97.78%
 Precisión en el conjunto de prueba: 98.28%

C. Interpretación

Las diferentes pruebas realizadas proporcionan una visión integral sobre el comportamiento del modelo y su ajuste. A medida que se incrementa el número de épocas, se observa una mejora consistente en la precisión (Figura 12) y un ligero aumento en los valores de pérdida (Tabla 3), lo que nos permite inferir el fitting del modelo.

En la prueba con 1000 épocas, el modelo alcanzó una precisión del 95.14% en el conjunto de prueba, con valores de pérdida más altos en comparación con las pruebas de 3000 y 6000 épocas. Este rendimiento sugiere que el modelo podría no haber tenido tiempo suficiente para aprender completamente de los datos, lo que puede indicar un subajuste (underfitting).

Aumentando a 3000 épocas, se observa una mejora significativa en la precisión, alcanzando el 97.60% en el conjunto de prueba. La pequeña diferencia entre las pérdidas en los conjuntos de entrenamiento, validación y prueba sugiere que el modelo está bien ajustado, sin embargo, esta diferencia es mayor a la prueba anterior.

Finalmente, con 6000 épocas, el modelo logra su mejor rendimiento, alcanzando una precisión del 98.28% en el conjunto de prueba. Los valores de pérdida entre los conjuntos de entrenamiento, validación y prueba se separan un poco, lo que puede indicar que el modelo está tendiendo hacia un sobreajuste (overfitting).

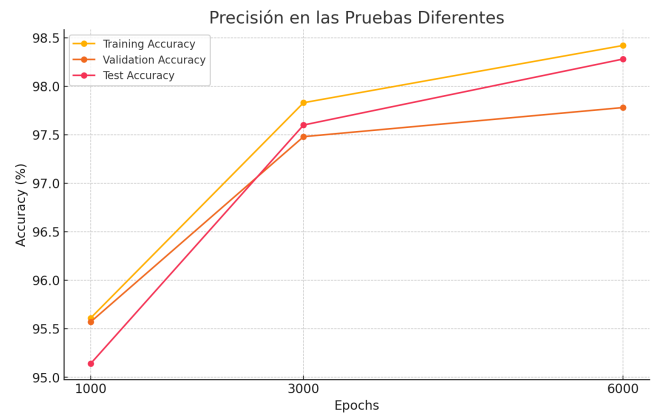


Fig. 12. Gráfica precisión a lo largo de las pruebas

TABLA 3. TABLA DE DIFERENCIA DE ERRORES

Prueba	1	2	3
Training Loss	0.1817	0.1033	0.071
Validation Loss	0.1853	0.1105	0.0797
Diferencia	0.0036	0.0072	0.0087

V. MEJORA DE MODELO

Como se pudo observar en los resultados iniciales el análisis de las pérdidas y precisiones sugiere que el modelo está ajustado correctamente. El único problema es que al aumentar el número de épocas, el modelo no muestra una mejora positiva en la diferencia de las pérdidas del conjunto de entrenamiento y validación a pesar de que los errores si disminuyen.

Dado el diagnóstico, se decidió optar por probar un ajuste en la tasa de aprendizaje. La tasa de aprendizaje es un hiperparámetro crucial en el proceso de optimización mediante gradiente descendiente, ya que controla el tamaño de los pasos que el algoritmo toma para minimizar la función de pérdida. Si la tasa de aprendizaje es demasiado baja, el modelo puede aprender de manera excesivamente lenta, lo que impide que alcance un rendimiento óptimo en un tiempo razonable. Por otro lado, si la tasa de aprendizaje es demasiado alta, el modelo puede oscilar alrededor del mínimo global o incluso divergir. Con el objetivo de prueba y mejorar la capacidad del modelo, se decidió ajustar la tasa de aprendizaje para optimizar el proceso de entrenamiento de 0.01 a 0.1. [13]

A. Resultados

El modelo nuevamente fue entrenado en dos configuraciones diferentes, utilizando 3000 y 6000 epochs, dejando a un lado la prueba de 1000 epochs.

Precisión en el conjunto de prueba (3000 epochs): 99.88%

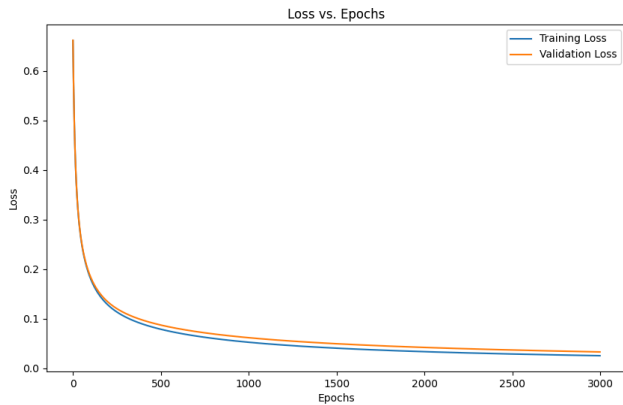


Fig. 13. Gráfica de pérdida a lo largo del tiempo 3000 epochs

Precisión en el conjunto de prueba (6000 epochs): 99.88%

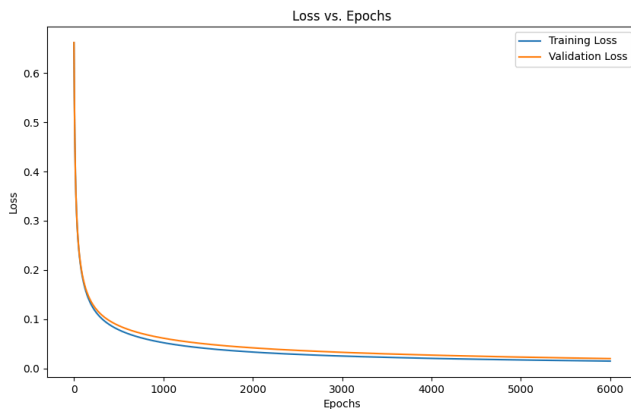


Fig. 14. Gráfica de pérdida a lo largo del tiempo 6000 epochs

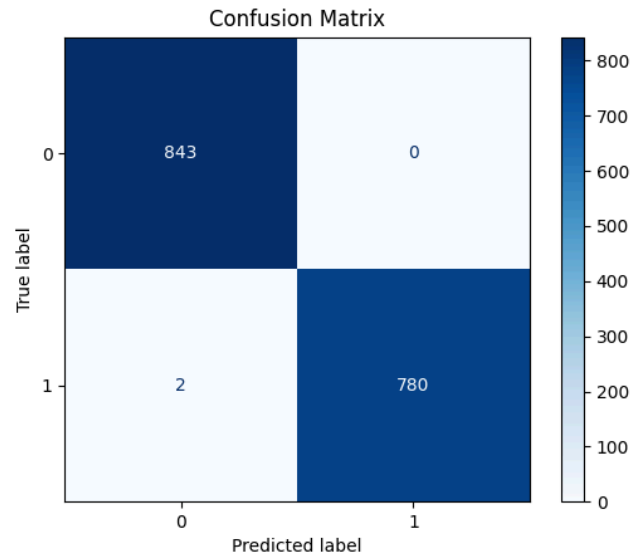


Fig. 15. Gráfica de matriz de confusión 3000 epochs

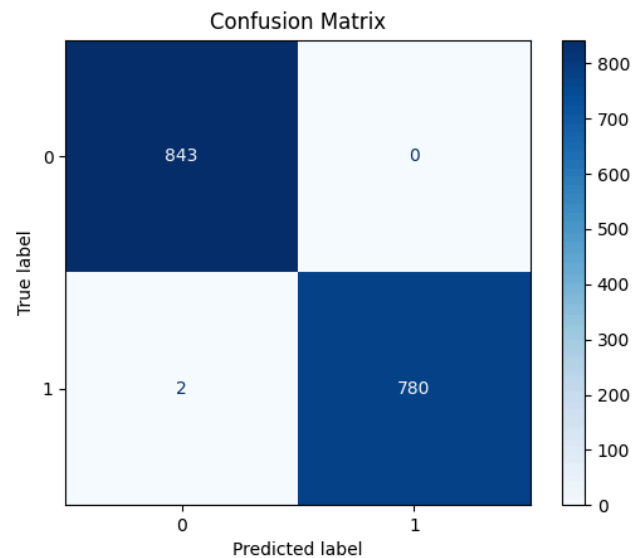


Fig. 16. Gráfica de matriz de confusión 6000 epochs

1. 3000 Epochs

TP (True Positives): 843
TN (True Negatives): 780
FP (False Positives): 0
FN (False Negatives): 2

2. 6000 Epochs

TP (True Positives): 843
TN (True Negatives): 780
FP (False Positives): 0
FN (False Negatives): 2

La matriz de confusión para ambos casos revela una mínima cantidad de errores, con solo 2 falsos negativos y ningún falso positivo, lo que nos indica que el modelo ha logrado una mejora final. Aumentar la tasa de aprendizaje a 0.1 ha permitido que el modelo se ajuste de manera más efectiva a los datos, resultando en un mejor rendimiento.

B. Diagnóstico final

Después de realizar un ajuste en la tasa de aprendizaje de 0.01 a 0.1, los resultados obtenidos mostraron una mejora en el rendimiento del modelo en ambos casos, logrando una precisión del 99.88% en el conjunto de prueba, lo que representa una mejora notable en comparación con los resultados anteriores. A continuación se presentan los errores y porcentajes de precisión de este segundo modelo.

1. 3000 Epochs

Final Training Loss: 0.0252
Final Validation Loss: 0.0327
Final Test Loss: 0.0288

Precisión en el conjunto de entrenamiento: 99.84%
Precisión en el conjunto de validación: 99.63%
Precisión en el conjunto de prueba: 99.88%

2. 6000 Epochs

Final Training Loss: 0.0150
Final Validation Loss: 0.0200
Final Test Loss: 0.0174

Precisión en el conjunto de entrenamiento: 99.84%
Precisión en el conjunto de validación: 99.63%
Precisión en el conjunto de prueba: 99.88%

A través de las pruebas realizadas con 3000 y 6000 épocas, se observa una notable consistencia en los porcentajes de precisión en los tres subconjuntos de datos. La precisión en el conjunto de prueba alcanza un máximo de en ambos casos, mientras que la diferencia de errores en los conjuntos de entrenamiento y validación disminuyen a medida que aumentamos las épocas. Esta consistencia y patrón indica que el modelo ha alcanzado un nivel óptimo de ajuste, donde el incremento en las épocas ya no produce mejoras en la precisión y se disminuyeron los errores de los conjuntos sin aumentar la diferencia entre ellos. (Tabla 4)

TABLA 4. TABLA DE DIFERENCIA DE ERRORES ACTUALIZADA

Prueba	1 (1k epochs - 0.01 lr)	2 (3k epochs - 0.01 lr)	3 (6k epochs - 0.01 lr)	1 (3k epochs - 0.01 lr)	2 (6k epochs - 0.01 lr)
Training Loss	0.1817	0.1033	0.071	0.0252	0.0150
Validation Loss	0.1853	0.1105	0.0797	0.0327	0.02
Diferencia	0.0036	0.0072	0.0087	0.0075	0.005

C. Interpretación

La modificación en la tasa de aprendizaje ha demostrado ser una mejora efectiva en el ajuste del modelo. Los nuevos resultados indican que el modelo ha alcanzado un nivel

óptimo de ajuste, manteniendo la misma precisión en el modelo así como en los valores obtenidos en la matriz de confusión. Esta falta de mejora adicional en la matriz de confusión refuerza la conclusión de que el modelo ha alcanzado su capacidad máxima de entrenamiento.

VI. CONCLUSIONES

En este proyecto, se implementó manualmente un algoritmo de regresión logística utilizando gradiente descendiente para clasificar hongos como comestibles o venenosos. A lo largo del desarrollo del modelo, se realizaron varias iteraciones y ajustes, incluyendo el análisis del fitting del modelo y la optimización de la tasa de aprendizaje.

Los resultados finales muestran que el modelo ha alcanzado un ajuste adecuado (appropriate fitting), con una precisión del 99.88% en el conjunto de prueba tanto con 3000 como con 6000 épocas, sin signos de sobreajuste o subajuste. La mejora en la tasa de aprendizaje fue crucial para lograr este rendimiento, permitiendo al modelo capturar de manera efectiva las relaciones en las diferentes variables.

Este proyecto no solo demuestra la capacidad del modelo para realizar predicciones precisas en problemas de clasificación binaria, sino que también subraya la importancia de la optimización de hiperparámetros y la evaluación continua del modelo para garantizar su rendimiento óptimo. Con estos resultados, el modelo se presenta como una herramienta robusta y confiable para la clasificación de hongos, con potencial para ser aplicado en otros contextos biológicos.

REFERENCIAS

[1] Evolución de la Inteligencia Artificial. (s. f.). Iberdrola. <https://www.iberdrola.com/innovacion/evolucion-inteligencia-artificial>

[2] ¿Qué es machine learning? | Definición, tipos y ejemplos | SAP. (s. f.). SAP. <https://www.sap.com/latinamerica/products/artificial-intelligence/what-is-machine-learning.html#:~:text=El%20machine%20learning%20es%20un,experiencia%20sin%20ser%20programadas%20expl%C3%ADcitamente.>

[3] Richardson, D. (2024, 8 mayo). La IA y el ML y su importancia para las empresas. Blog de Red Hat. <https://www.redhat.com/es/blog/what-ai-ml-and-why-does-it-matter-our-business#:~:text=La%20inteligencia%20artificial%2C%20el%20aprendizaje,es%20las%20funciones%20del%20sistema.>

[4] UCI Machine Learning Repository. (s. f.). <https://archive.ics.uci.edu/dataset/73/mushroom>

[5] Novack, G. (2024, 30 abril). Building a One Hot Encoding Layer with TensorFlow - Towards Data Science. Medium. <https://towardsdatascience.com/building-a-one-hot-encoding-layer-with-tensorflow-f907d686bf39>

[6] ¿Qué es la regresión logística? - Explicación del modelo de regresión logística - AWS. (s. f.). Amazon Web Services, Inc. <https://aws.amazon.com/es/what-is/logistic-regression/>

[7] Andrés, D., & Andrés, D. (2023, 18 enero). Gradiente descendente - ML Pills. ML Pills - Machine Learning Pills. <https://mlpills.dev/machine-learning-es/gradiente-descendente/>

[8] The cross-entropy error function in neural networks. (s. f.). Data Science Stack Exchange. <https://datascience.stackexchange.com/questions/9302/the-cross-entropy-error-function-in-neural-networks>

[9] Binary Cross Entropy: Where to use log loss in model Monitoring. (2023, 9 junio). Arize AI. <https://arize.com/blog-course/binary-cross-entropy-log-loss/>

[10] Shah, D. (2024, 2 julio). Cross entropy loss: intro, applications, code. V7. <https://www.v7labs.com/blog/cross-entropy-loss-guide>

- [11] How To Choose The Right Test Options When Evaluating Machine Learning Algorithms. (s. f.). Machine Learning Mastery. <https://machinelearningmastery.com/how-to-choose-the-right-test-options-when-evaluating-machine-learning-algorithms/>
- [12] Markham, K. (2024, 4 junio). Simple guide to confusion matrix terminology. Data School. <https://www.dataschool.io/simple-guide-to-confusion-matrix-terminology/>
- [13] GeeksforGeeks. (2024, 11 marzo). ML | Underfitting and Overfitting. GeeksforGeeks. <https://www.geeksforgeeks.org/underfitting-and-overfitting-in-machine-learning/>
- [14] NStatum. (2022, 12 agosto). Underfitting & overfitting - explained [Video]. YouTube. <https://www.youtube.com/watch?v=o3DztvnfAJg>
- [15] Anarthal. (2020, 15 julio). Underfitting, overfitting and model complexity. Anarthal Kernel. <https://anarthal.github.io/kernel/posts/underfitting-overfitting/>