Chapitre 12 : Guide d'utilisation des principales fonctionnalités du logiciel CHIC¹

Harrisson Ratsimba-Rajohn

33 Chemin des Peyrères, 33610 CANEJAN, FRANCE ratsimba@u-bordeaux3.fr http://mizara.ovh.org/recherche

Résumé: Dans ce chapitre, nous avons choisi d'utiliser les données d'une recherche en cours, pour présenter et décrire les étapes et procédures à suivre dans un traitement par le logiciel CHIC dans le but, d'une part, d'obtenir des graphes implicatifs et des représentations des hiérarchies cohésitives et, d'autre part, d'en faciliter la lecture grâce aux diverses options et fonctionnalités de ce logiciel. Nous aborderons par étape la description des données recueillies, leur transformation, le choix des variables supplémentaires, la préparation du fichier-texte au format *.CSV requis par CHIC, les traitements pour obtenir un graphe implicatif en particulier avec la notion de conjonction de prémisses et de seuil d'originalité, le traitement pour obtenir une représentation de la hiérarchie cohésitive, complété par les notions de niveaux significatifs, de contribution de groupes optimaux, de typicalité de variables supplémentaires ou d'individus. Dans un dernier nous aborderons par le traitement de variables sur intervalles.

1 Présentation

A partir d'un exemple de données, nous allons, dans cette partie, regarder les manières de manipuler CHIC afin d'obtenir des résultats d'analyses implicatives.

Les données collectées, sur lesquelles nous allons illustrer les manipulations sont issues d'une recherche² relative à l'utilisation des images en didactique de la biologie. Dans cette recherche on avait distingué deux types d'images : nous appellerons le premier "infographie" et le second "schéma". Brièvement, derrière "infographie" a été mise une représentation suffisamment proche de la "réalité" d'un processus cellulaire biologique et derrière "schéma" a été mise une représentation graphique suffisamment simplifiée et schématique de ce même processus. La recherche qui a été menée consistait à étudier la manière dont des étudiants en

- 295 - RNTI-E-16

¹ Acronyme C.H.I.C pour désigner le logiciel : Classification Hiérarchique, Implicative, Cohésitive

² Dahmani H.R., (2008-2009) *Recherche en cours dans le cadre de sa thèse*, ENS (Ecole Normale Supérieure), Laboratoire de Didactique de la Biologie, Kouba, 16000, Alger, Algérie), sous la direction de P. Schneeberger, Equipe du DAESL (Laboratoire de Didactique, d'Anthropologie, d'Epistémologie et des Sciences du Langage), Université Bordeaux II, 33000, Bordeaux, France (http://pagesperso-orange.fr/daest/index.htm), et en partenariat avec Dr I Kramer, chercheur à l'Institut Européen de Chimie et de Biologie de Bordeaux. (http://www.cellbiol.net/home/index.php)