Algorithmen und Datenstrukturen

Kürzeste Wege und Minimaler Spannbaum

Dr. Christian Rössl

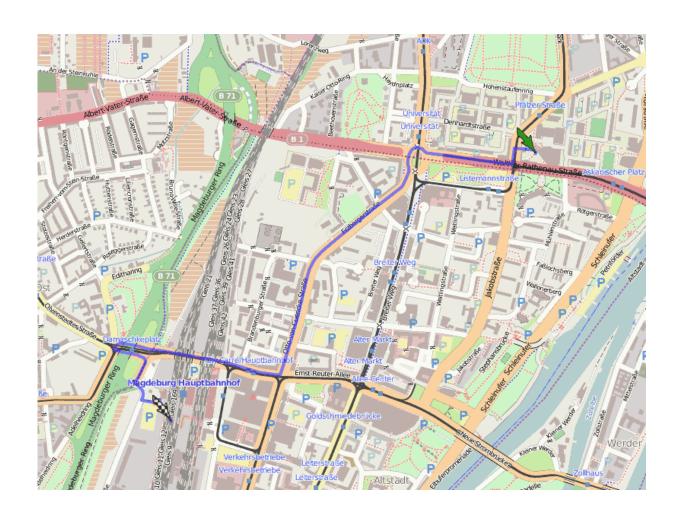




Überblick

- Grundlegende Algorithmen: Tiefen- & Breitensuche
- Topologisches Sortieren
- Kürzeste Wege
- Fluss in Netzwerken

Motivation

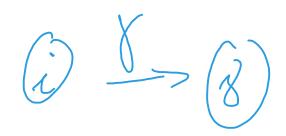


Breitensuche

- Finde kürzesten Wege in gewichteten Graphen
- Länge von Wegen = Summe der Kantengewichte



- \circ Weglänge gemessen in Anzahl Kanten bzw. $orall e \in E: \gamma(e) = 1$
- Berechnet kürzeste Wege vom Startknoten zu allen erreichbaren Knoten
- Zur Erinnerung: DFS mit Stack → BFS mit Queue



Priority First Search (PFS)

- Idee: Modifiziere die Breitensuche zu einer Bestensuche
- Besuche als n\u00e4chsten immer den n\u00e4chstgelegenen Knoten,
 d.h. w\u00e4hle immer den Knoten mit dem geringsten Abstand zum Startknoten
- Wir können diese Wahl mit Hilfe einer Priority Queue effizient gestalten:
 Priorität eines erreichten Knotens = bereits zurückgelegter Weg dorthin
- D.h. aus BFS mit Queue wird *priority first search* PFS mit Priority Queue

Anwendung der PFS

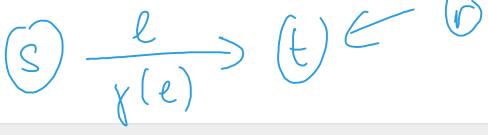
- Algorithmus von **Prim** (1957) zur Berechnung *minimaler Spannbäume*
- Algorithmus von **Dijkstra** (1959) zur Berechnung kürzester Wege
- Beide PFS: Ersetze Queue durch Priority Queue
 - Wähle jeweils Knoten mit kleinster Priorität aus
 - D.h. Knoten mit der geringsten Distanz zum Startknoten
- Wichtiger Unterschied zur BFS:

Ein schon erreichter aber noch nicht abgearbeiteter Knoten (in Front/PQ) könnte auf einem kürzeren Weg erreicht werden!

- o D.h. es muss möglich sein, Prioritäten von beliebigen Knoten in PQ zu aktualisieren
- "Heap alleine reicht nicht!"

Algorithmus von Dijkstra

- Feld d[] misst Distanzen, die PQ als Prioritäten verwendet
 Initialisierung mit ∞ ⇔ Knoten nicht markiert
- Feld p [] speichert shortest path tree (Elternknoten)



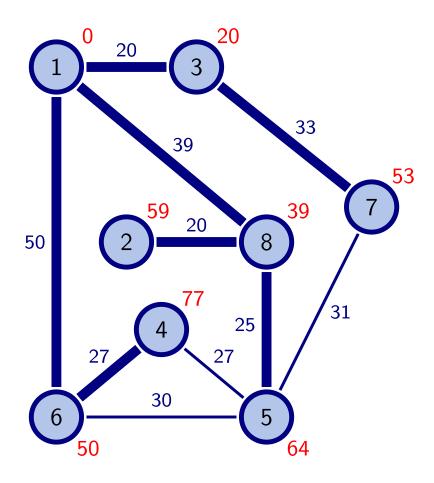
```
. . .
 while not open.is_empty() do
       s = open.pop()
      for each edge e in outgoing(s) do
          t = destination(e)
          pr = d[s] + y(e) # t's "priority"
          if not (d[t] < \infty)
                                       # "tentative distance"
              d[t] = pr
              p[t] = s
                                        # not seen yet
              open.push(t)
          elseif open.contains(t) and pr < d[t]</pre>
                                        # "tentative distance"
              d[t] = pr
              p[t] = s
              open.lower(t)
                                       # lowered priority: update PQ
          end
 end end
end
```

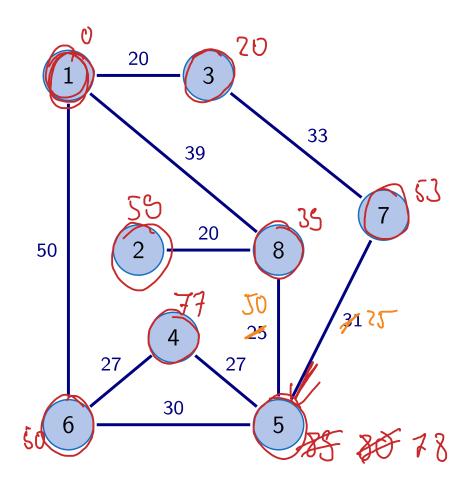
Algorithmus von Dijkstra kürzer

Initialisierung mit allen Knoten in PQ mit Prioritäten 0 an s_0 und ∞ sonst

```
function dijkstra(s0)
 for each node n do
     d[n] = \infty
     p[n] = -1
 end
 d[s_0] = 0
 open = create queue(nodes,d) # all nodes (use bottom-up heap construction)
 while not open.is empty() do
    s = open.pop()
    for each edge e in outgoing(s) do
        t = destination(e)
        pr = d[s] + \gamma(e) # assume \infty + \gamma = \infty
        if open.contains(t) and pr < d[t] then</pre>
            d[t] = pr # "tentative distance"
            p[t] = s
            open.lower(t) # lowered priority: update PQ
        end
 end end
end
```

Beispiel: PFS





Nochmal mit variierten Gewichten z.B. 50 statt 25 (8 ightarrow 5), dazu: 25 statt 31 (7 ightarrow 5)

Demo

- aud.example.graph.Traversal
- Abstrakte Basisklasse PriorityFirstSearch implementiert Grundalgorithmus PFS
- Varianten implementieren Methode priority()
 - DijkstraShortestPaths
 - PrimMinimumSpanningTree

Bemerkungen zum Algorithmus

- PFS in dieser Form = Algorithmus von Dijkstra
- Beachte mögliche Aktualisierung von Distanzen
 - o d[t] wird erniedrigt, Elternknoten p[t] wird angepasst
 - Aktualisierung der PQ durch durch open lower(t)
- Berechnen der kürzesten Distanzen d[] zu allen Knoten und des shortest path tree (SPT) p[]
- Pfade in SPT zur Wurzel = kürzeste Wege zum Start s_0
- Alternativ: kürzester Weg zwischen zwei Knoten, d.h.
 - Erster Knoten = Startknoten
 - Abbruch, sobald der zweite Knoten abgearbeitet wurde

Backtracking

- PFS berechnet den SPT p [] simultan mit Distanz d []
- Mit Hilfe von p [] können wir den kürzesten Wege zum Start zurückverfolgen
- Allgemeines Prinzip: backtracking ("Rückverfolgung")
 - 1. Suche z.B. nach einer optimalen Konfiguration
 - z.B. Tiefensuche, Breitensuche, Heuristik (oft trial-and-error)
 - 2. Danach Zurückverfolgen des Weges (Entscheidungen, algorithmische Schritte) bis zum Startpunkt D.h. "Abspielen in Umgekehrter Reihenfolge" = Weg zur Lösung

Backtracking nach PFS

• Zurückverfolgen des Wegs von Knoten n zum Startknoten s_0

```
function backtrack(n)
   while n ≠ so do
        output(n)
        n = p[n]
   end
   output(so)
end
```

Greedy Algorithmus

- PFS ist ein typischer Greedy-Algorithmus
 - von engl. greedy = gierig
 - häufiger Ansatz für Optimierungsalgorithmen hier: kürzeste Wege
- greedy = Wähle in jedem Schritt die aktuell günstigste Möglichkeit
- D.h. Entscheidung anhand lokaler Kriterien
- Beachte: Mit diesem Prinzip erreichen wir i.a. nur lokale Minama und verharren dort
- Für Priority First Search
 - Nimm Knoten mit kürzester Entfernung aus PQ
 - Revidiere ggf. vorhergehende Berechnung
 - PFS findet global kürzeste Wege

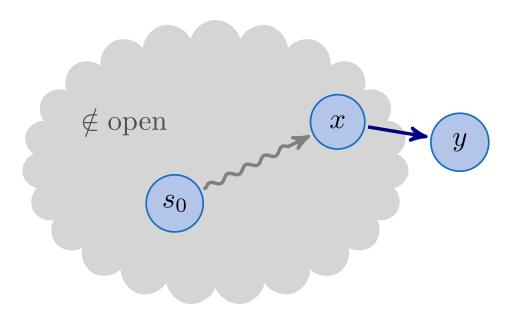
Dijkstra-Algorithmus

- Der Algorithmus von Dijkstra berechnet kürzeste Wege,
 - o d.h. er erreicht tatsächlich ein **globales Optimum**
 - ... obwohl er ein Greedy-Algorithmus ist

Dabei gibt es eine wichtige Einschränkung – wir werden gleich sehen, welche & warum

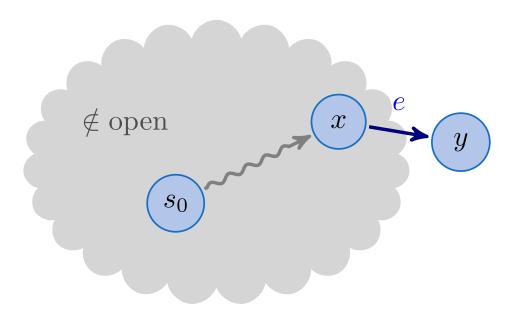
- Wir wollen diese Aussage beweisen
- ullet Dabei bezeichnen $d(s_0,v)$ und d[v] die tatsächliche und die $\overline{
 m berechnete}$ Distanz
- ullet Zu Beginn sind alle Knoten in der PQ open mit $d[s_0]=0$ und $d[v]=\infty$ für $v
 eq s_0$

Beweis zum Dijkstra-Algorithmus



- Knoten im grauen Bereich sind abgearbeitet
- z.z.: Sobald ein Knoten v aus der PQ open entnommen wird, gilt $d[v] = d(s_0, v)$

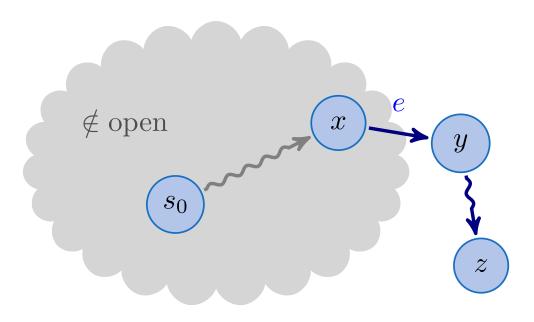
Betrachte Relaxation



Relaxation = Entfernen einer Kante e - und damit einer "Bedingung" aus dem System

```
if d[x] + \(\nabla(e) < d[y]\)
    d[y] = d[x] + \(\nabla(e)\)
end</pre>
```

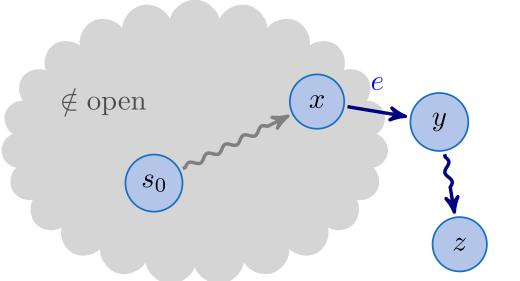
Ansatz für Widerspruchsbeweis



- ullet Annahme: z ist der erste Knoten, der aus open entnommen wird mit $d[z]>d(s_0,z)$
- ullet Damit gibt es einen kürzesten Pfad von s_0 nach z sonst wäre $d(s_0,z)=\infty=d[z]$
- Sei y der erste Knoten auf diesem Pfad, der nicht in open ist, sei x sein Vorgänger im Pfad, so dass $x \stackrel{e}{ o} y$

Konstruiere Widerspruch

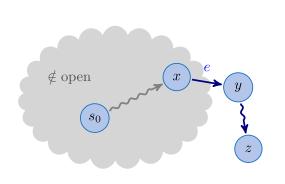
Annahme: $d[z]>d(s_0,z)$ "als $\dfrac{\textit{erster}}{\textit{erster}}$ abgearbeiteter Knoten"



Es gilt

$$egin{aligned} d[x] &= d(s_0,x) \ \ d[y] &= d[x] + \gamma(e) \ \ &= d(s_0,x) + \gamma(e) \ \ &= d(s_0,y) \end{aligned}$$

Annahme: $d[z] > d(s_0, z)$ "als $\frac{\textit{erster}}{\textit{erster}}$ abgearbeiteter Knoten"



Es gilt

$$d[x]=d(s_0,x)$$

$$egin{aligned} d[y] &= d[x] + \gamma(e) \ &= d(s_0,x) + \gamma(e) \end{aligned}$$

$$= d(s_0, y)$$

z kommt aus PQ open

$$\Rightarrow d[z] \leq d[y]$$

•
$$d(s_0, y) + d(y, z) = d(s_0, z)$$

Denn Teile von kürzesten Wege sind selbst kürzeste Wege.

Wir fassen zusammen:

• Es gilt

$$egin{aligned} d[z] &\overset{PQ}{\leq} d[y] = d(s_0,y) \ &\leq \underline{d(s_0,y) + d(y,z)} \ &= d(s_0,z) \end{aligned}$$

- ullet Das ist ein **Widerspruch** zur Annahme $d[z]>d(s_0,z)$
- ullet Damit kann es keinen solchen Knoten z geben, für den die Annahme gilt
- Daraus folgt die Behauptung:
 Sobald ein Knoten v aus der PQ open entnommen wird, gilt $d[v] = d(s_0, v)$

Stimmt das immer?

$$egin{aligned} d[z] & \leq d[y] = d(s_0,y) \ \leq \ d(s_0,y) \ + \ d(y,z) \ & = d(s_0,z) \end{aligned}$$

Die Ungleichung

$$d(s_0, y) \le d(s_0, y) + d(y, z)$$

gilt nur dann, wenn wir $d(y,z) \geq 0$ zusichern können

Der Dijkstra-Algorithmus berechnet kürzeste Pfade, wenn gilt

$$orall e \in E \,:\, \gamma(e) \geq 0$$

D.h. alle Kantengewichte sind nicht-negativ.

Minimum Spanning Tree (MST)

Als *Spannbaum* oder *spanning tree* eines ungerichteten (und zusammenhängenden) Graphen bezeichnet man einen Teilgraphen, der (1.) ein Baum ist und (2.) alle Knoten des Graphen enthält.

Ein Spannbaum eines gewichteten Graphen heißt minimaler Spannbaum oder minimum spanning tree (MST), wenn die Summe der Kantengewichte minimal ist. D.h. es gibt keinen weiteren Spannbaum mit geringerem Gesamtgewicht.

• Der MST ist i.a. nicht eindeutig!

Kürzeste Wege und MST berechnen mit PFS

- Algorithmus von Dijkstra zur Berechnung kürzester Wege
 - Wähle Knoten mit kürzester Distanz
 - Priorität = aggregierte Wegstrecke

pr = d[s] + v(e)

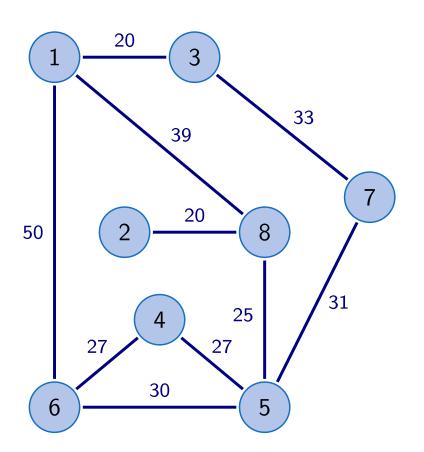
- \circ Minimiere Länge von Pfaden im Spannbaum \rightarrow SPT
- Algorithmus von Prim zur Berechnung des MST
 - Wähle Knoten, der über kürzeste Kante erreichbar ist
 - Priorität = Kantenlänge

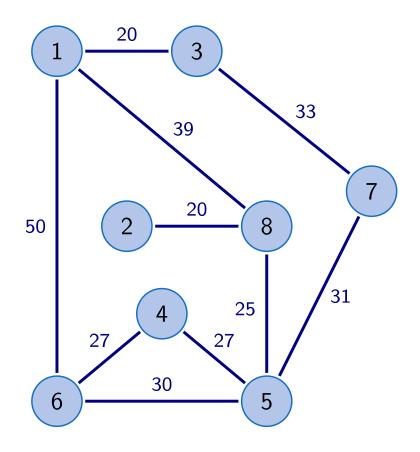
- $pr = \gamma(e)$
- Minimiere Summe der Kantengewichte im Spannbaum → MST
- Aufwand für PFS (mit binärem Heap) ist $O(|E| \log |V|)$
- "Länge" jeweils gemessen in Kantengewichten γ

Algorithmus von Prim

```
function prim(so)
 for each node n do
     d[n] = \infty
     p[n] = -1
 end
 d[s_0] = 0
 open = create queue(nodes,d) # all nodes (use bottom-up heap construction)
 while not open.is empty() do
    s = open.pop()
    for each edge e in outgoing(s) do
        t = destination(e)
        pr = y(e) # assume \infty + y = \infty
        if open.contains(t) and pr < d[t] then</pre>
            d[t] = pr
            p[t] = s
            open.lower(t) # lowered priority: update PQ
        end
 end end
end
```

Beispiel

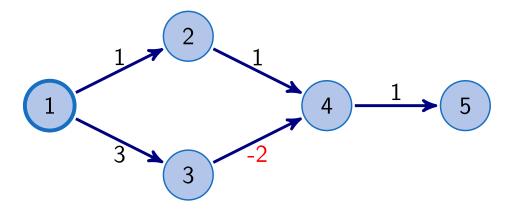




Verschiedene Startknoten: Die Summe der Kantengewichte im MST ist jeweils gleich

Negative Kantengewichte in gerichteten Graphen

- Dijkstras Algorithmus funktioniert nur für **nicht-negative** Kantengewichte!
- Beispiel: Knoten 4 wird zuerst über 2 erreicht



- Negative Gewichte können sinnvoll sein: z.B. stelle Gewinne & Kosten dar
- Durch "Umwege" können Kosten gesenkt werden
 - Voraussetzung: Entscheidung anhand globaler Betrachtung
 - Grundsätzlich nicht möglich mit Greedy-Algorithmus

Bellman-Ford Algorithmus

- Berechnet kürzeste Wege
 - Negative Kantengewichte sind dabei erlaubt
 - Aber keine Zyklen mit negativen Gewicht! In diesem ist der k\u00fcrzeste Weg undefiniert!
 Deshalb betrachten wir hier nur gerichtete Graphen!

• Idee

- \circ Betrachte in jedem Schritt alle Kanten $e=(s,t)\in E$ "simultan"
- \circ Aktualisiere dabei Kosten zum Erreichen von t über s
- \circ Wiederhole |V| Schritte, danach muss jeder (erreichbare) Knoten erreicht worden sein
- Aufwand O(|V||E|)

Bellman-Ford Algorithmus

```
function bf(s₀)
  for each node n do
      d[n] = \infty; p[n] = -1
  end
  d[s_0]=0;
  for |V| iteration do
    # for all edges (s,t)
    for each s in V do
        for each e in outgoing(s) do
            t = destination(e)
            if d[t] > d[s] + \gamma(e)
                 d[t] = d[s] + \gamma(e)
                 p[t] = s
             end
    end end
  end
end
```

- Variante: Früher Abbruch außen, sobald keine Änderung in Iteration innen
- Variante: Betrachte in jeder Iteration nur Knoten, wo sich etwas ändern könnte

Referenz

- Saake & Sattler Kapitel 16.4.1, 16.4.2 & 16.4.5
- Goodrich, Tamassia & Goldwasser Kapitel 10.1 & 10.2
- Cormen et al. Kapitel 23 & 24
- Sedgewick & Wayne Kapitel 4.3 & 4.4