Cząstki elementarne i oddziaływania

projekt

Matter Antimatter Differences

Agnieszka Obłąkowska-Mucha

http://home.agh.edu.pl/~amucha/ Katedra Oddziaływań i Detekcji Cząstek D11 p. 106 LHCb collaboration (2017). Matter Antimatter Differences (B meson decays to three hadrons) - Data Files. CERN Open Data Portal. DOI:10.7483/OPENDATA.LHCB.AOF7.JH09

Plan analizy

- Wybieramy ciekawy proces fizyczny.
 - W LHCb przeważnie jest to rozpad mezonów i barionów zawierających kwark c lub b.
 - Wybieramy np. produkcję i rozpad mezonu B^{\pm} .
- Sprawdzamy w <u>Particle Data Group</u> sposoby rozpadu
- Szacujemy szanse obserwacji w spektrometrze LHCb (tryger)
- Przygotowujemy kryteria selekcji.
- Przeprowadzamy analizę.
- Publikujemy wynik.

BOTTOM MESONS

(
$$B = \pm 1$$
)
 $B^+ = u \ \overline{b}, B^0 = d \ \overline{b}, \overline{B}^0 = \overline{d} \ b, B^- = \overline{u} \ b,$
similarly for B^* 's

$$oldsymbol{B}^{\pm}$$
 $I(J^P)$ = $1/2(0^-)$

Fraction (Γ_i / Γ)

Inclusive modes

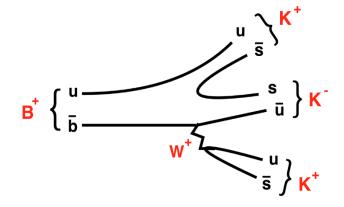
Γ_{37}	D^0X	$(8.6\pm0.7)\%$
Γ_{38}	$\overline{D}^0 X$	$(79\pm4)\%$
Γ_{39}	D^+X	$(2.5\pm0.5)\%$
Γ_{40}	D^-X	$(9.9\pm1.2)\%$
Γ_{41}	$D_s^+ X$	$(7.9^{+1.4}_{-1.3})\%$
Γ_{42}	$D_s^- X$	$(1.10^{+0.40}_{-0.32})\%$
Γ_{43}	$arLambda_c^+ X$	$(2.1^{+0.9}_{-0.6})\%$
Γ_{44}	$\overline{\Lambda_c} X$	$(2.8^{+1.1}_{-0.9})\%$
Γ_{45}	$\overline{c}X$	$(97\pm4)\%$
Γ_{46}	cX	$(23.4^{+2.2}_{-1.8})\%$
Γ_{47}	$c \overline{c} X$	$(120\pm6)\%$

Rozpady mezonów pięknych

The B⁺ and B⁻ mesons have a short average lifetime (10⁻¹² s) and decay via the weak force into other particles..

The B⁺ and B⁻ mesons are not observed directly in the detector, due to their short lifetime. Even travelling at close to the speed of light, and accounting for the effects of relativity, they only travel for a few mm in the detector before decaying. The charged kaons have long enough lifetimes (10⁻⁸s) that do pass through the LHCb detector. We measure the properties of these kaons in the detector, for example determining their momentum and identifying them, and it is the measurements of these kaons we will use for the analysis.

$$B^+ \to K^+K^-K^+$$
$$B^- \to K^+K^-K^-$$



LHCb Open Data

 Γ_{413} $K^+K^-K^+$ $(3.40 \pm 0.14) \times 10^{-1}$

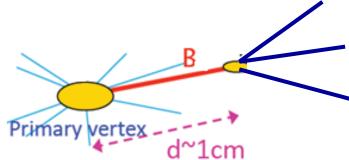
Dlaczego ten rozpad jest stosunkowo rzadki? Jakich rozpadów mezonów B spodziewamy się najczęściej?

Rozpady mezonów pięknych

- Mezon B^{\pm}
 - może być wyprodukowany bezpośrednio w zderzeniach proton-proton,
- Znajdujemy parametry, które wybiorą z ogółu przypadków rozpad: $B^{\pm} \rightarrow K^{+}K^{-}K^{\pm}$.

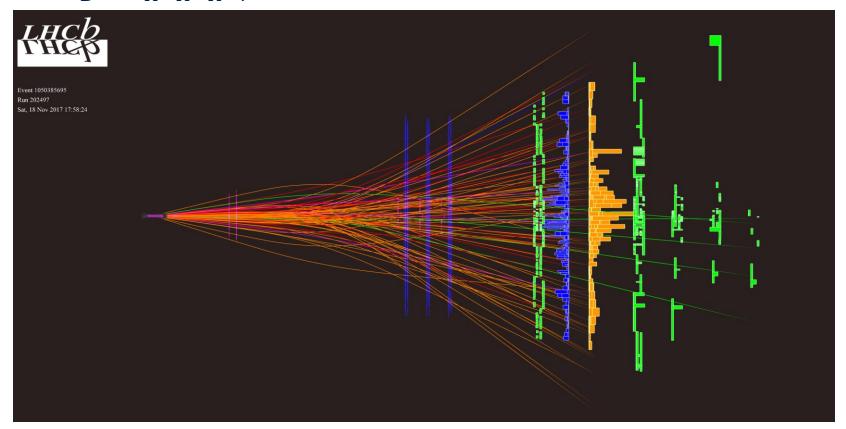
$$pp \rightarrow B^{\pm} + X$$

 $B^{\pm} \rightarrow K^{+}K^{-}K^{\pm}$

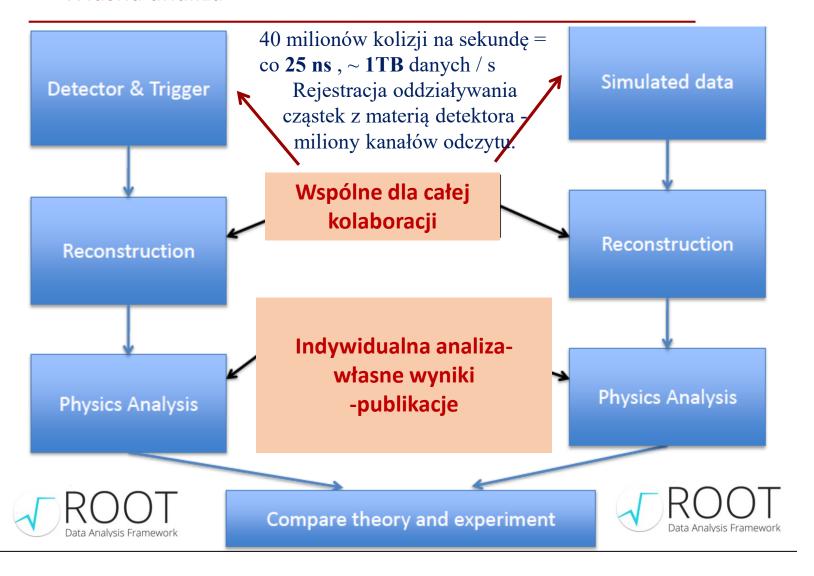


Rozpady mezonów pięknych

- Mezon B^{\pm}
 - może być wyprodukowany bezpośrednio w zderzeniach proton-proton,
- Znajdujemy parametry, które wybiorą z ogółu przypadków rozpad: $B^{\pm} \rightarrow K^{+}K^{-}K^{\pm}$.



Własna analiza

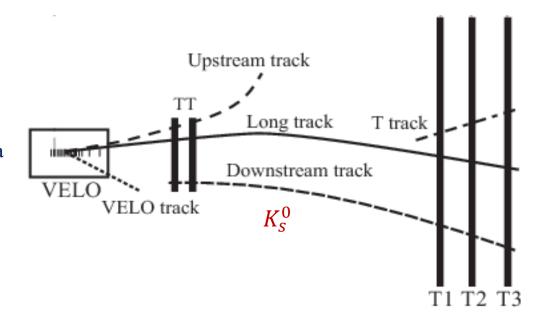


Parametry śladów

- Metodą filtrów Kalmana uzyskujemy parametry śladu. Dla konkretnego miejsca o współrzędnej "z", wyznaczane są:
 - współrzędne x i y
 - nachylenia dx/dz, dy/dz
 - stosunek q/p (ładunku do pędu), czyli długość pędu i znak ładunku.
 - χ^2 dopasowania śladu
- Rekonstruowany jest punkt (wierzchołek) oddziaływania protonów (może ich być wiele) i punkty rozpadu cząstek wtórnych.
- Dla każdego śladu obliczane prawdopodobieństwo PID.

PROBLEMY:

- Niektóre ślady zaczynają się poza VELO (K_s^0 , Λ).
- Do jednej cząstki przypisane jest kilka zrekonstruowanych śladów (duchy).
- Jedna cząstka rekonstruowana jest jako kilka śladów (klony).



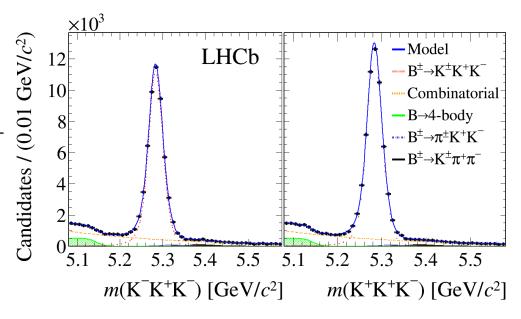
Analiza fizyczna

- Analizę przeprowadzimy na przygotowanym zbiorze danych rzeczywistych i MC.
- Zbiór z danymi ma strukturę Ntupla (n-krotki).
- Ntupel jest właściwie bazą danych, do której kierujemy zapytania, np:
 - narysuj pęd dodatnio naładowanej cząstki,
 - narysuj masę cząstek o pędach powyżej 1 GeV, itp.
- Zapytania piszemy w C++ (lub Pythonie) w architekturze ROOT.
- Efekt końcowy: rozkład masy (np.) z dopasowaniem.

Measurements of CP violation in the three-body phase space of charmless B± decays R. Aaij *et al.* (LHCb Collaboration)

Phys. Rev. D 90, 112004 – Published 11

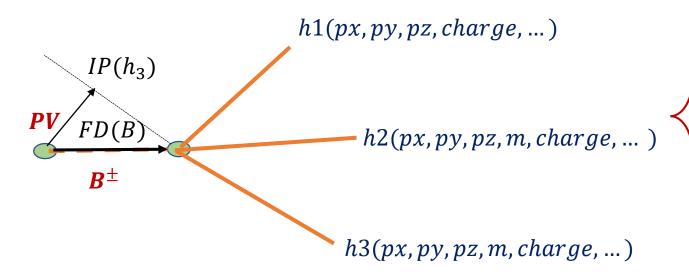
December 2014



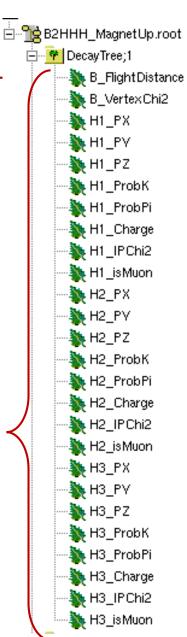
A.Obłąkowska-Mucha WFIIS AGH UST Kraków

Struktura ntupla

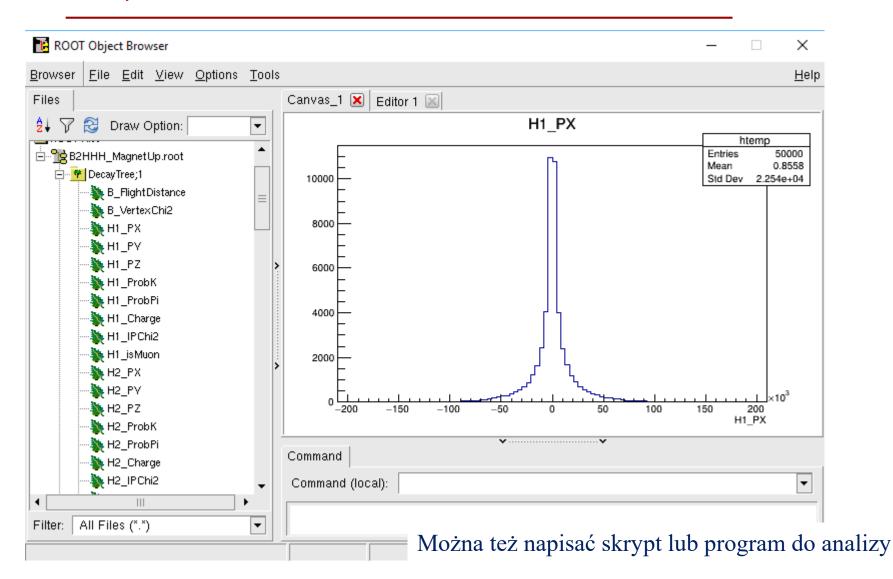
- PX, PY, PZ odpowiednio współrzędne pędu i masa, w jednostkach naturalnych.
- ProbK, ProbPi prawdopodobieństwo identyfikacji cząstki jako K,
 Pi
- IPChi2 różnica χ^2 dopasowania wierzchołka ze śladem h_3 i bez niego; dla śladów pochodzących z PV powinna być niewielka
- Flight Distance (FD) -droga przebyta w detektorze



Dokładny opis zmiennych: opis



Wyklikana analiza



A.Obłąkowska-Mucha WFIIS AGH UST Kraków

10

Opis projektu

Project

You will start by reconstructing the momentum, energy and mass of the B meson using the measured momenta of the kaons. You will then look for differences in the rates at which the B⁺ decay process and the B⁻ decay process happen: this would be a difference in the behavior of matter and anti-matter (CP violation).

Ocenie podlega:

- sposób przeprowadzenia selekcji: próby różnych kryteriów, różne kombinacje ładunków, szukanie przypadków z nieprawidłową identyfikacją.
- sposób napisania programu: prosty skrypt, napisanie funkcji, klasy do selekcji, użycie TLoretnzVector, etc.
- sposób opisu: wstęp teoretyczny (krótki, ale sensowny), poprawność wykonania rysunków, porównanie z wartościami tablicowymi, wnioski.

Warsztat

Analizę można wykonać serwerze **lhcbd1**, który znajduje się naszej Katedrze i jest widoczny poprzez sieć wydziałową, np. taurus.

Szczegóły logowania do kont podane są na zajęciach.

Pliki z danymi do analizy (wstępnie wybrane rzeczywiste przypadki zebrane przez LHCb i dane symulacyjne), znajdują się w repozytorium: /data4/edu/ceo/2022/:

```
B2HHH_MagnetDown.root
B2HHH_MagnetUp.root
PhaseSpaceSimulation.root
```

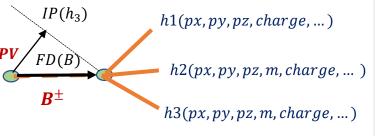
Zaczynamy!

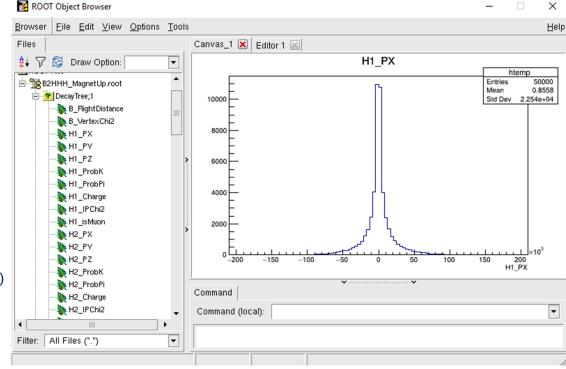
1. Zazwyczaj przy pierwszym kontakcie z plikiem z danymi, chcemy po prostu zobaczyć "co jest w środku". W tym celu uruchamiamy ROOT z plikiem z danymi.

> root B2HHH_MagnetUp.root
 root [1] TBrowser t
 root [4] .q

okno z podglądem danych

tak kończymy pracę w roocie





Analiza

1. Analizę danych wykonujemy poprzez napisanie odpowiedniego programu. Przykładowy program z najprostszą analizą wykonamy (w roocie) poprzez:

```
root [2] .x Bmeson.cpp
```

```
void Bmeson()
   gROOT->Reset();
      TChain* Bchain = new TChain("DecayTree");
                                                                   Wczytywanie
      Bchain->Add("B2HHH MagnetDown.root");
                                                                   pliku z danymi
      TChain* Bchain = new TChain("PhaseSpaceTree");
                                                                   i jego struktury
      Bchain->Add("PhaseSpaceSimulation.root");
                                                                   ("drzewa")
      TTree* BDK tree = Bchain;
                  hh12 px, hh12 py, hh12 pz, hh12 m;
      Double t
      Double t h1 e, h2 e, h3 e;
      Double t hh13 px, hh13 py, hh13 pz, hh13 m;
                                                                             Deklaracja
      Double t
                  hhh px, hhh py, hhh pz, mass 3ka;
                  h1 px, h1 py, h1 pz, h1 probK, h1 probPi, h1 isMuon,
                                                                             potrzebnych
      Double t
h1 char, h1 IPChi2;
                                                                             zmiennych
           (...)
      BDK tree->SetBranchAddress("H1 PX", &h1 px);
      BDK tree->SetBranchAddress("H1 PY", &h1 py);
      BDK tree->SetBranchAddress("H1 PZ", &h1 pz);
```

Program do analizy c.d.

```
Int t NBINS=100;
    Double t GeV=0.001;
    Double t min mass1 = 1.;
    Double t max mass1 = 2.5;
    Double t min mass2 = 1.;;
    Double t max mass2 = 2.5;
                                                                           Deklaracja
    Double t min Bmass = 5.;
                                                                           histogramów
    Double t max Bmass = 6;
    Double t m ka = 493.7;
TH1D* HH12_m= new TH1D( "HH12_mass", "HH12_mass ",NBINS, min_mass1, max_mass1):
TH1D* HH13_m= new TH1D( "HH13_mass", "HH13_mass ",NBINS, min_mass2, max_mass2);
 TH1D* mass 3ka hist= new TH1D("mass 3ka", "mass 3ka", NBINS, min Bmass, max Bmass)
Int t Evt tot = Bchain->GetEntries();
  Int t Evt tot=10000;
    Double t mass h12, mass h13;
```

}

Program do analizy c.d.

Właściwa analiza.

Tutaj dla każdego przypadku można dokonać obliczeń, nałożyć kryteria, a na końcu wczytać wartość do histogramu.

Program do analizy c.d.

Deklaracja pola na rysunek (kanwy), wykonanie rysunku histogramu

```
TCanvas* mass_B_can=new TCanvas("mass_B_can", "mass_B_can", 0, 0, 800, 600);
    mass_B_can->cd(1);
    mass_3ka_hist->Draw();
} // main
```