

Import

En primer lugar, se importan todas las librerías que se utilizarán.

```
In (1): import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
import sys
import random
from sklearn.svm import SVC
import seaborn as sns
import math
```

Carga de datos

Los datos son cargados utilizando al librería "Pandas", de los archivos train.csv y test.csv. Luego se transforman en objetos "numpy" para facilitar su operación.

Se juntan las columnas de los arrays `X_train` y `y_train` en `samples_array`, para poder mezclar los datos sin perder la relación entre ellos.

```
In (2): train_df=pd.read_csv("/data/train.csv", sep=',', usecols=range(1,4))
test_df = pd.read_csv("/data/test.csv", sep=',', usecols=range(1,4))

print("Cantidad de datos de entrenamiento = " + str(len(train_df.index)))
print("Cantidad de datos de prueba = " + str(len(test_df.index)))
train_df.head()
```

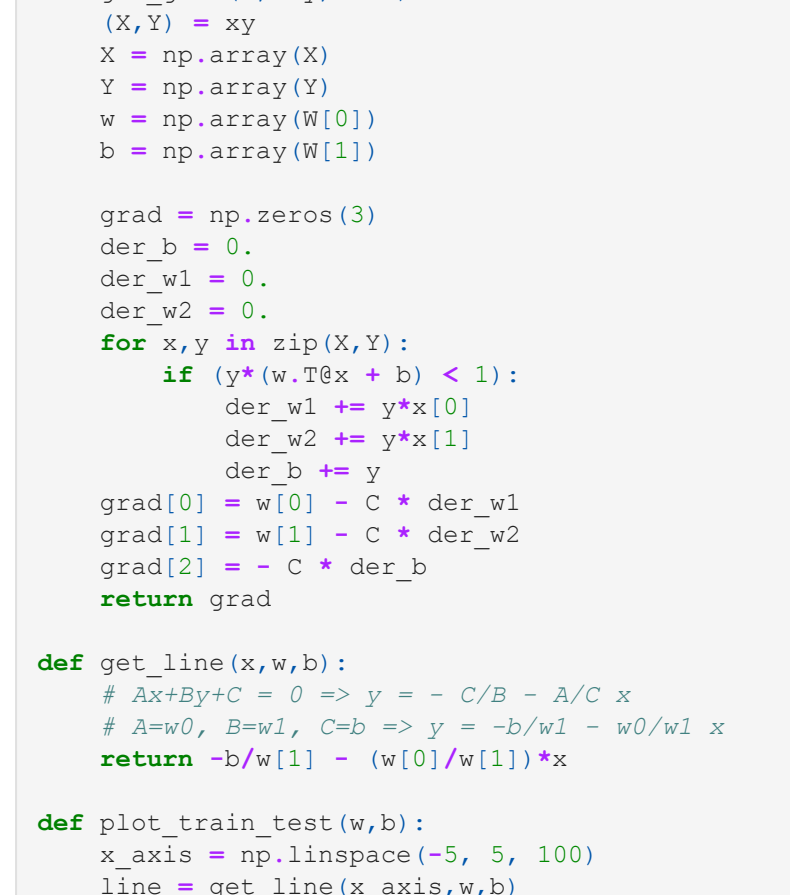
Cantidad de datos de entrenamiento = 320
Cantidad de datos de prueba = 80

```
Out(2):      V1      V2 label
0   -0.939381  -0.395176   -1.0
1   -2.999302  -1.082222   -1.0
2   2.154991  -2.355406    1.0
3   1.434488  -0.755739   -1.0
4   -0.974404  -0.878194    1.0
```

```
In (3): train= train_df.to_numpy() # Train set
test= test_df.to_numpy() # Test set

X_train= train[:,0:2]
y_train= train[:,2].astype(int)
X_test= test[:,0:2]
y_test= test[:,2].astype(int)
```

```
In (4): from matplotlib.cm import ScalarMappable
# Se crea la clase de colores
fig, ax = plt.subplots(1,1)
ax.scatter(X_train[:,0], X_train[:,1], alpha=0.5,cmy_train, cmap='jet')
ax.set_xlabel('V1')
ax.set_ylabel('V2')
# Fig class, colorbar(scn)
```



Funciones

Se definen funciones necesarias para la el cálculo del gradiente descendente.

La función `loss` calcula la función costo `J`, que debe minimizarse.

La función `get_grad` devuelve las tres componentes del gradiente de la función costo (w1,w2,b). Las derivadas son calculadas de la siguiente forma:

`get_grad`

La función `get_line` devuelve una recta para w y b.

`plot_train_test` plotea los puntos de train y test, divididos por la recta correspondiente a w y b.

```
In (5): def loss(w, xy, C=1):
    (X,Y)= xy
    X = np.array(X)
    Y = np.array(Y)
    w = np.array(W(0))
    b = np.array(W(1))

    acum = 0
    for i in zip(X,Y):
        acum += max(0,1-y*(w.T@x+b))
    return -5 * (np.linalg.norm(w)**2.) + C * acum

def get_grad(w, xy, C=1):
    (X,Y)= xy
    X = np.array(X)
    Y = np.array(Y)
    w = np.array(W(0))
    b = np.array(W(1))

    grad = np.zeros(3)
    der_w = 0.
    der_b = 0.
    for i in zip(X,Y):
        if (y*(w.T@x+b) < 1):
            der_w += y*x[0]
            der_w2 += y*x[1]
            der_b += y
        grad[0] = w[0] - C * der_w1
        grad[1] = w[1] - C * der_w2
        grad[2] = C - der_b
    return grad

def plot_train_test(w,b):
    x_axis = np.linspace(-5, 5, 100)
    line = get_line(x_axis,w,b)
    fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1, 2, figsize=(20,10))
    ax1.scatter(X_train[:,0], X_train[:,1], alpha=0.5, cmy_train, cmap='jet')
    ax1.plot(x_axis, line, linewidth=2)
    ax1.set_xlabel('V1', size=20)
    ax1.set_ylabel('V2', size=20)
    ax2.scatter(X_test[:,0], X_test[:,1], alpha=0.5, cmy_test, cmap='jet')
    ax2.plot(x_axis, line, linewidth=2)
    ax2.set_xlabel('V1', size=20)
    ax2.set_ylabel('V2', size=20)

def SGD_update(w, b, grad, alpha):
    w[0] = w[0] - alpha*grad[0]
    w[1] = w[1] - alpha*grad[1]
    b = b - alpha*grad[2]
    return w,b

def run_SGD(w_ini=1.,b_ini=0.,C=1.,learning_rate=0.001,
            batch_size=100,epoch=100,best_j=-1):
    w = np.array(w_ini)
    b = np.array(b_ini)

    j_train = []
    best_j = -1
    count_error = 0
    first_time = True
    num_samples = samples_array.shape[0]

    for ep in range(epoch):
        # Mezcla los datos y toma muestra de tamaño batch_size
        batch_samples = samples_array[0:min(batch_size,num_samples)]
        x_batch = np.array(batch_samples[:,0:2])
        y_batch = np.array(batch_samples[:,2])

        # Obtengo el gradiente y actualizo los parámetros
        grad = get_grad(w,b), xy=x_batch,y_batch, C=C
        w,b = SGD_update(w, b, grad, alpha = learning_rate)

        # Acumulo los errores
        j_train.append(loss(w,b), xy=(x_batch,y_batch), C=C)
        j_train.append(loss(w,b), xy=(x_train,y_train), C=C)

        # Corte automático
        if (patient==0):
            if (not(first_time)):
                if j_train[-1] < best_j:
                    best_j = j_train[-1]
                    count_error = 0
                else:
                    count_error += 1
                    if (count_error >= patient):
                        print("Función J no mejoró por "+str(count_error)+" épocas => STOP")
                        break
            else:
                first_time = False
                best_j = j_train[-1]

    return w, b, j_train
```

Implementación de Stochastic Gradient Descent (SGD)

En la siguiente sección se implementa el gradiente descendente estocástico para encontrar los valores óptimos de w y b que minimizan la función costo `J`.

La función `SGD_update` realiza la actualización de las variables w1, w2 y b, en función del gradiente calculado.

`run_SGD` realiza un loop de la cantidad de épocas pasadas como parámetro. En cada ciclo se toma una muestra aleatoria del conjunto de datos, de tamaño batch size. Se calcula el gradiente con ese batch y se actualizan los valores de w y b.

Finalmente, se verifica si hubo mejora en la función costo (J). Si J se mantiene sin mejorar por 'patient' épocas, se corta la ejecución.

```
In (6): def SGD_update(w, b, grad, alpha):
    w[0] = w[0] - alpha*grad[0]
    w[1] = w[1] - alpha*grad[1]
    b = b - alpha*grad[2]
    return w,b

def run_SGD(w_ini=1.,b_ini=0.,C=1.,learning_rate=0.001,
            batch_size=100,epoch=100,best_j=-1):
    w = np.array(w_ini)
    b = np.array(b_ini)

    j_train = []
    best_j = -1
    count_error = 0
    first_time = True
    num_samples = samples_array.shape[0]

    for ep in range(epoch):
        # Mezcla los datos y toma muestra de tamaño batch_size
        batch_samples = samples_array[0:min(batch_size,num_samples)]
        x_batch = np.array(batch_samples[:,0:2])
        y_batch = np.array(batch_samples[:,2])

        # Obtengo el gradiente y actualizo los parámetros
        grad = get_grad(w,b), xy=x_batch,y_batch, C=C
        w,b = SGD_update(w, b, grad, alpha = learning_rate)

        # Acumulo los errores
        j_train.append(loss(w,b), xy=(x_batch,y_batch), C=C)
        j_train.append(loss(w,b), xy=(x_train,y_train), C=C)

        # Corte automático
        if (patient==0):
            if (not(first_time)):
                if j_train[-1] < best_j:
                    best_j = j_train[-1]
                    count_error = 0
                else:
                    count_error += 1
                    if (count_error >= patient):
                        print("Función J no mejoró por "+str(count_error)+" épocas => STOP")
                        break
            else:
                first_time = False
                best_j = j_train[-1]

    return w, b, j_train
```

A continuación, se usa el descenso del gradiente para encontrar los valores óptimos de w y b. En primer lugar, se definen los valores iniciales de w y b y los parámetros:

- learning_rate: tasa de aprendizaje
- batch_size: tamaño del lote
- epoch: cantidad de épocas
- patient: si la función costo (J) no mejora por 'patient' épocas, se corta la ejecución

Luego, se computa el gradiente y se grafica el error de train.

En este ejemplo, la cantidad de épocas se configura en un número extremadamente alto, para que se realice el corte automático de la ejecución, basado en patient.

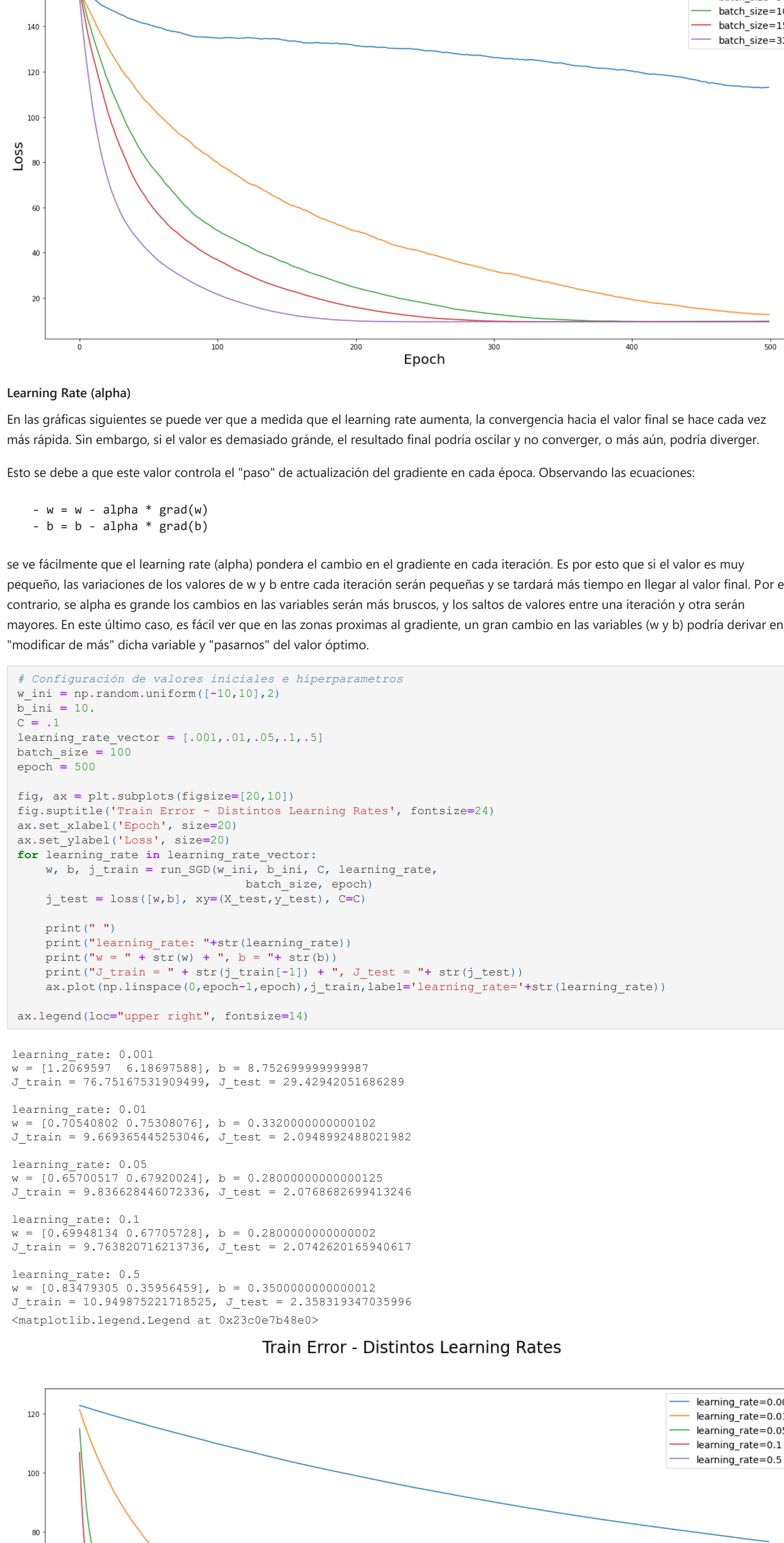
```
In (7): # Configuración de valores iniciales e hiperparámetros
w_ini = np.random.uniform([-10,10],2)
b_ini = 10.
C = 1.
learning_rate = 0.01
batch_size = 100
epoch = 10000
patient = 800

w, b, j_train = run_SGD(w_ini, b_ini, C, learning_rate,
                        batch_size, epoch, patient)
j_test = loss(w,b), xy=(X_test,y_test), C=C
print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
print("J_train = " + str(j_train[-1]) + ", J_test = " + str(j_test))

fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.set_xlabel('Epoch', size=20)
ax.set_ylabel('Loss', size=20)
ax.plot(np.linspace(0,epoch-1,epoch),j_train,label='batch_size = learning_rate')
ax.plot(np.linspace(0,len(j_train)-1,len(j_train)),j_train)

plot_train_test(w,b)
```

Función J no mejoró por 80 épocas => STOP
w = [0.64479568 0.57518654], b = 0.33500000000000095
J_train = 10.13666606394219, J_test = 2.1230250296619837



Modificación de parámetros de entrenamiento

A continuación se modifican los parámetros de entrenamiento, y se observa como varían los resultados. Los parámetros a modificar son:

- Batch Size
- Learning Rate
- Regularización (C)

La cantidad de épocas en cada prueba se mantiene constante en 500, (sin corte anticipado) para tener una mejor comparación de los resultados.

Batch Size

Se realiza el entrenamiento con distintos tamaños de batch. Se puede observar que a medida que el tamaño de batch aumenta, el error converge más rápido y con menos ruido al valor final.

Particularmente, cuando el tamaño del batch es muy chico, el gradiente tiene más probabilidades de dar como resultado una dirección errónea, debido a que se están utilizando pocos datos para su cálculo. Es por esto que el valor de loss (J) puede aumentar entre una época y otra, y converge con más ruido hacia el valor final.

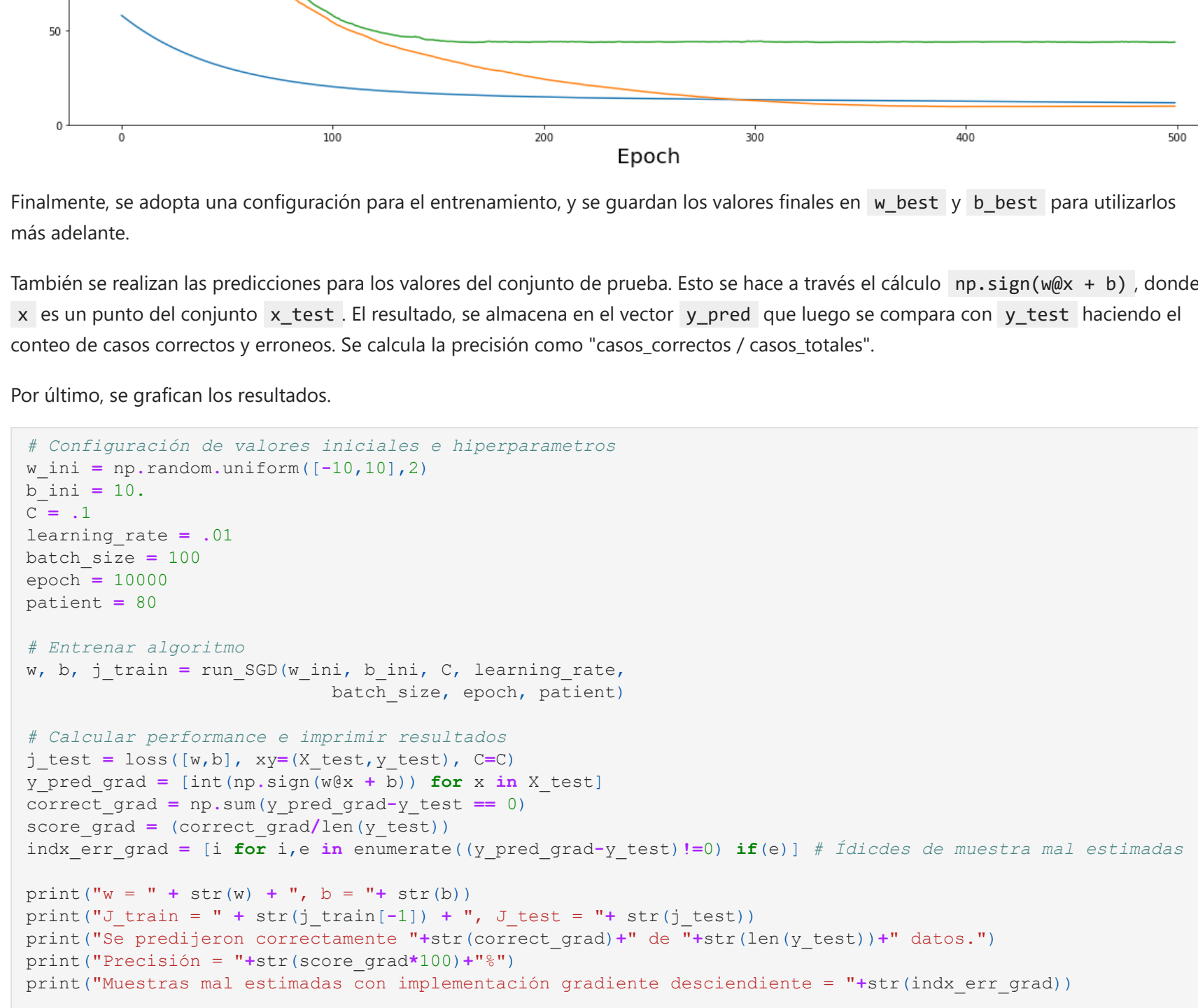
Hay que tener en cuenta que al aumentar el tamaño del batch, se están procesando mayor cantidad de datos en cada época, por lo que esta velocidad de convergencia se paga con mayores requerimientos de cómputo.

```
In (16): # Configuración de valores iniciales e hiperparámetros
w_ini = np.random.uniform([-10,10],2)
b_ini = 10.
C = 1.
learning_rate = 0.01
batch_size vector = [10,50,100,150,320]
epoch = 500

fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
fig.suptitle('Train Error - Distintos Batch Sizes', fontsize=24)
ax.set_xlabel('Epoch', size=20)
ax.set_ylabel('Loss', size=20)
for batch_size in batch_size_vector:
    w, b, j_train = run_SGD(w_ini, b_ini, C, learning_rate,
                            batch_size, epoch)
    j_test = loss(w,b), xy=(X_test,y_test), C=C

    print(" ")
    print("Batch_size: " + str(batch_size))
    print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
    print("J_train = " + str(j_train[-1]) + ", J_test = " + str(j_test))
    ax.plot(np.linspace(0,epoch-1,epoch),j_train,label='batch_size=' + str(batch_size))

ax.legend(loc='upper right', fontsize=14)
```



Learning Rate (alpha)

En las gráficas siguientes se puede ver que a medida que el learning rate aumenta, la convergencia hacia el valor final se hace cada vez más rápida. Sin embargo, si el valor es demasiado grande, el resultado final podría oscilar y no converger, o más aún, podría divergir.

Esto se debe a que este valor controla el "paso" de actualización del gradiente en cada época. Observando las ecuaciones:

$$\begin{aligned} w &= w - \alpha \cdot \text{grad}(w) \\ b &= b - \alpha \cdot \text{grad}(b) \end{aligned}$$

se ve fácilmente que el learning rate (alpha) pondra el cambio en el gradiente en cada iteración. Es por esto que si el valor es muy pequeño, las variaciones de los valores de w y b entre cada iteración serán pequeñas y se tardará más tiempo en llegar al valor final. Por el contrario, si alpha es grande los cambios en las variables serán más bruscos, y los saltos de valores entre una iteración y otra serán mayores. En este último caso, es fácil ver que en las zonas próximas al gradiente, un gran cambio en las variables (w y b) podría derivar en "modificar de más" dicha variable y "pasarnos" del valor óptimo.

```
In (9): # Configuración de valores iniciales e hiperparámetros
w_ini = np.random.uniform([-10,10],2)
b_ini = 10.
C = 1.
learning_rate vector = [.001,.01,.05,.1,.5]
batch_size = 100
epoch = 500

fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
fig.suptitle('Train Error - Distintos Learning Rates', fontsize=24)
ax.set_xlabel('Epoch', size=20)
ax.set_ylabel('Loss', size=20)
for learning_rate in learning_rate_vector:
    w, b, j_train = run_SGD(w_ini, b_ini, C, learning_rate,
                            batch_size, epoch)
    j_test = loss(w,b), xy=(X_test,y_test), C=C

    print(" ")
    print("Learning_rate: " + str(learning_rate))
    print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
    print("J_train = " + str(j_train[-1]) + ", J_test = " + str(j_test))
    ax.plot(np.linspace(0,epoch-1,epoch),j_train,label='learning_rate=' + str(learning_rate))

ax.legend(loc='upper right', fontsize=14)
```



Regularización (C)

En las gráficas siguientes podemos ver que el valor de C modifica en gran medida el valor final del error de train. En menor medida, se ve modificada la velocidad de convergencia.

Para entender el cambio en el valor final, debemos observar las derivadas de la función loss, en la función `get_grad`. Tomando como ejemplo el gradiente de b:

$$\text{grad}[b] = -C \cdot \text{der}_b$$

der_b se calcula como la sumatoria de los errores, por lo que sera un número entero. Si tomamos un C relativamente grande como C=1, cuando la cantidad de errores está cercana a 0 el gradiente tenderá a tomar valores 0, '±1' o a lo sumo '±2'. Es decir que no se le permite al gradiente tomar valores menores a 1 en valor absoluto. Esto produce que el error se estanque o oscile en valores relativamente grandes, ya que el gradiente no puede hacerse lo suficiente pequeño para seguir convergiendo a un valor final óptimo.

Algo similar ocurre con el término de w, aunque no es tan directo de verlo por la forma en que se calcula el acumulado y el gradiente.

```
In (10): # Configuración de valores iniciales e hiperparámetros
w_ini = np.random.uniform([-10,10],2)
b_ini = 10.
C vector = [0.1,.1,1,5,12]
learning_rate = .01
batch_size = 100
epoch = 500

fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
fig.suptitle('Train Error - Distintos valores de regularización', fontsize=24)
ax.set_xlabel('Epoch', size=20)
ax.set_ylabel('Loss', size=20)
for C in C_vector:
    w, b, j_train = run_SGD(w_ini, b_ini, C, learning_rate,
                            batch_size, epoch)
    j_test = loss(w,b), xy=(X_test,y_test), C=C

    print(" ")
    print("C: " + str(C))
    print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
    print("J_train = " + str(j_train[-1]) + ", J_test = " + str(j_test))
    ax.plot(np.linspace(0,epoch-1,epoch),j_train,label='C=' + str(C))

ax.legend(loc='upper right', fontsize=14)
ax.set_ylim([0, 300])
```



Finalmente, se adopta una configuración para el entrenamiento, y se guardan los valores finales en `w_best` y `b_best` para utilizarlos más adelante.

También se realizan las predicciones para los valores del conjunto de prueba. Esto se hace a través el cálculo `np.sign(w@x + b)`, donde x es un punto del conjunto `x_test`. El resultado se almacena en el vector `y_pred` que luego se compara con `y_test` haciendo el conteo de casos correctos y erróneos. Se calcula la precisión como "casos correctos / casos totales".

Por último, se grafican los resultados.

```
In (23): # Configuración de valores iniciales e hiperparámetros
w_ini = np.random.uniform([-10,10],2)
b_ini = 10.
C = 1.
learning_rate = .01
batch_size = 100
epoch = 10000
patient = 800

# Entrenar algoritmo
w, b, j_train = run_SGD(w_ini, b_ini, C, learning_rate,
                        batch_size, epoch, patient)

# Calcular performance e imprimir resultados
j_test = loss(w,b), xy=(X_test,y_test), C=C
y_pred_grad = [int(np.sign(w@x + b)) for x in X_test]
correct_grad = np.sum(y_pred_grad==y_test) == 0
score_grad = (correct_grad/len(y_test)) * 100
score_err_grad = (1 for i in enumerate((y_pred_grad-y_test)!=0) if (e)) # Índices de muestra mal estimadas

print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
print("J_train = " + str(j_train[-1]) + ", J_test = " + str(j_test))
print("Se predijeron correctamente "+str(correct_grad)+" de "+str(len(y_test))+" datos.")
print("Precisión = "+str(score_grad)+"%")
print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
print("Ángulo de w con eje x1 = "+str(math.degrees(np.arctan2(w[1],w[0]))))
print("Índices de muestras mal estimadas: "+str(index_err_grad))

# Resultados para gradiente descendente
print(" ")
print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
print("Se predijeron correctamente "+str(correct_grad)+" de "+str(len(y_test))+" datos.")
print("Precisión = "+str(score_grad)+"%")
print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
print("Ángulo de w con eje x1 = "+str(math.degrees(np.arctan2(w[1],w[0]))))
print("Índices de muestras mal estimadas: "+str(index_err_grad))

# Graficar ambas rectas
plot_train_test_compare(w_skl,b_skl,"Scikit-Learn",w_best,b_best,"Implementación SGD")
```

SVM en Scikit-Learn:
- Se predijeron correctamente 75 de 80 datos.
- Precisión = 93.75%
- w = [0.87498469 0.8982016], b = [0.4132339]
- Ángulo de w con eje x1 = 45.76704297827
- Índices de muestras mal estimadas: [8, 35, 63, 67, 79]

Remover Vectores Soportes

En la siguiente sección se analiza cómo se ve afectada la performance del SVM al remover vectores soportes. Para esto se utiliza el arreglo `svm.support_` que devuelve el modelo 'SVC', para remover estos índices del los datos originales en `X_train`. Luego, se evalúa el modelo en todo el conjunto de prueba `X_test`.

Se repite el procedimiento removiendo diferentes cantidades de vectores soportes, y se grafican los resultados.

Vemos que en todos los casos, varían los valores obtenidos de w y b respecto a los originales. Además, podemos ver gráficamente que los planos obtenidos son distintos. Sin embargo la cantidad de vectores removidos no afecta demasiado a la precisión del modelo.

```
In (41): remove_vector = [1,5,10,20]
for cant in remove_vector:
    index = np.random.choice(support_vector_vector,size=cant,replace=False)
    index = np.sort(index)[:cant] # Remuevo del mayor al menor

    X_train_cut = X_train
    y_train_cut = y_train
    for i in index:
        X_train_cut = np.delete(X_train_cut, i, 0)
        y_train_cut = np.delete(y_train_cut, i, 0)

    w = svm.fit(X_train_cut,y_train_cut) # entrenar SVM
    w_svm_coef_0 = w.coef_[0] # vector w
    b = svm.intercept_ # valor de b
    score = svm.score(X_test,y_test) # score
    pred = svm.predict(X_test) # predicciones
    print(" ")
    print("Removiendo "+str(cant)+" vectores soportes")
    print("Se predijeron correctamente "+str((y_test==pred).sum())) + " de "+str(len(y_test))+" datos."
    print("Precisión = "+str(score)+"%")
    print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
    print("Ángulo de w con eje x1 = "+str(math.degrees(np.arctan2(w[1],w[0]))))

    plot_train_test_compare(w_skl,b_skl,"TrainSet completo",w,b,"Removiendo "+str(cant))
```


Implementación de SVM de Scikit-Learn

A continuación se realiza la implementación de SVM utilizando el modelo SVC lineal de la librería Scikit-Learn. El modelo es entrenado y testeado con los mismos datos que en el caso anterior.

Podemos ver que los resultados obtenidos son muy similares. Ambos metodos alcanzan la misma precisión, calculada como la proporción de etiquetas predichas correctamente. Observando los índices de las etiquetas erróneas, vemos que la mayoría de estas coinciden entre ambas implementaciones (los errores se dan para las mismas etiquetas).

Por otro lado, se ve también que los valores de w y b son cercanos, pero no iguales. Esto se debe a dos razones:

- En primer lugar, hay una pequeña diferencia entre los dos planos obtenidos, que se ve gráficamente. Por lo tanto, es de esperar que los valores de w y b no coincidan.
- Para el caso de w, hay que tener en cuenta que este vector marca la dirección del plano, por lo que existen infinitos valores de (w0,w1) que generan el mismo plano para un valor fijo de b. Es por esto que se calcula también el ángulo que forma con el eje de las abscisas. Vemos que estos ángulos son muy similares entre sí, aunque existe una pequeña diferencia.

```
In (40): svm=SVC(kernel='linear',C=1) # entrenar SVM
support_vector = svm.support_vectors_ # vector soporte
support_vector_vect = svm.support_ # índices del vector soporte
w_skl = svm.coef_[0] # vector w
b_skl = svm.intercept_ # valor de b
score_skl = svm.score(X_test,y_test) # score
y_pred_skl = svm.predict(X_test) # predicciones
index_err_skl = [i for i in enumerate((y_pred_skl-y_test)!=0) if (e)] # Índices de muestra mal estimadas

# Resultados para Scikit-Learn
print("SVM en Scikit-Learn: ")
print("Se predijeron correctamente "+str((y_test==y_pred_skl).sum())) + " de "+str(len(y_test))+" datos."
print("Precisión = "+str(score_skl)+"%")
print("w = " + str(w_skl) + ", b = " + str(b_skl))
print("Ángulo de w con eje x1 = "+str(math.degrees(np.arctan2(w_skl[1],w_skl[0]))))
print("Índices de muestras mal estimadas: "+str(index_err_skl))

# Graficar ambas rectas
plot_train_test_compare(w_skl,b_skl,"Scikit-Learn",w_best,b_best,"Implementación SGD")
```

SVM en Scikit-Learn:
- Se predijeron correctamente 75 de 80 datos.
- Precisión = 93.75%
- w = [0.87498469 0.8982016], b = [0.4132339]
- Ángulo de w con eje x1 = 45.76704297827
- Índices de muestras mal estimadas: [8, 35, 63, 67, 79]

Remover Vectores Soportes

En la siguiente sección se analiza cómo se ve afectada la performance del SVM al remover vectores soportes. Para esto se utiliza el arreglo `svm.support_` que devuelve el modelo 'SVC', para remover estos índices del los datos originales en `X_train`. Luego, se evalúa el modelo en todo el conjunto de prueba `X_test`.

Se repite el procedimiento removiendo diferentes cantidades de vectores soportes, y se grafican los resultados.

Vemos que en todos los casos, varían los valores obtenidos de w y b respecto a los originales. Además, podemos ver gráficamente que los planos obtenidos son distintos. Sin embargo la cantidad de vectores removidos no afecta demasiado a la precisión del modelo.

```
In (41): remove_vector = [1,5,10,20]
for cant in remove_vector:
    index = np.random.choice(support_vector_vector,size=cant,replace=False)
    index = np.sort(index)[:cant] # Remuevo del mayor al menor

    X_train_cut = X_train
    y_train_cut = y_train
    for i in index:
        X_train_cut = np.delete(X_train_cut, i, 0)
        y_train_cut = np.delete(y_train_cut, i, 0)

    w = svm.fit(X_train_cut,y_train_cut) # entrenar SVM
    w_svm_coef_0 = w.coef_[0] # vector w
    b = svm.intercept_ # valor de b
    score = svm.score(X_test,y_test) # score
    pred = svm.predict(X_test) # predicciones
    print(" ")
    print("Removiendo "+str(cant)+" vectores soportes")
    print("Se predijeron correctamente "+str((y_test==pred).sum())) + " de "+str(len(y_test))+" datos."
    print("Precisión = "+str(score)+"%")
    print("w = " + str(w) + ", b = " + str(b))
    print("Ángulo de w con eje x1 = "+str(math.degrees(np.arctan2(w[1],w[0]))))

    plot_train_test_compare(w_skl,b_skl,"TrainSet completo",w,b,"Removiendo "+str(cant))
```


Removiendo 1 vector(es) soportes
Se predijeron correctamente 75 de 80 datos.
Precisión = 93.75%
w = [0.87382763 0.87724322], b = [0.36762419]

Removiendo 5 vector(es) soportes
Se predijeron correctamente 74 de 80 datos.
Precisión = 92.5%
w = [0.81899028 0.8687017], b = [0.38319336]

Removiendo 10 vector(es) soportes
Se predijeron correctamente 75 de 80 datos.
Precisión = 93.75%
w = [0.86753184 0.84322904], b = [0.38641596]

Removiendo 20 vector(es) soportes
Se predijeron correctamente 75 de 80 datos.
Precisión = 93.75%
w = [0.95173753 0.82453826], b = [0.25566316]

