

Abschnitte:

- Graphen → Sabi
- Trimming, Qualität → Sabi
- Kommandozeileninput → Belinda
- phred-Prüfung → Belinda

→ Zusatz:

Interaktiver Input

Output speichern

k-mer, N's

Check - Liste:

- 1) Einlesen von FASTQ
 - ↳ Qualitätswert Kodierung ↳ +33 vs. +64
- 2) Qualitätskontrolle der Reads
 - ↳ Reads schlechter Gesamtqualität ↳ Cutoff vom User / Debug
 - ↳ Trimming von read-Enden ↳ Cutoff vom User / Debug
- 3) Auswertung Verteilung der Readlängen
 - ↳ Mittelwert, Median, Standardabweichung
- 4) Auswertung GC-Gehalt der reads:
 - ↳ Mittelwert, Median, Standardabweichung
- 5) Auswertung der Qualitätsdaten
 - ↳ Qualität der Basen
- 6) Graphische Darstellung der Ergebnisse ↳ Readlänge, GC-Verteilung, Qualitätswerte
- 7) Optionsmanagement & Nutzerführung
 - ↳ Kommandozeilen-Parameter, main(), Bonus: Interaktiv
- 8) Speichern als:
 - Bsp: HTML, Tabelle, neue-Text-Datei, neue FASTAQ ...
- 9) Empfehlungen:
 - ↳ Modularisieren & vernünftige Variablennamen nutzen!