# 《人工智能程序设计实践》实验大作业报告

大作业题目	基于寻医问	可药网站的知识	类型	数据爬取和处理	
班号	2103601		学 号	2021112845	
所在院系	计算学部	学 期	22 年秋季学期	任课教师	关毅
实验类型			综合设计型		

#### 实验目的:

- 掌握程序设计的基本算法和简单数据结构基础,能够综合运用基本控制语句、算法和数据结构,以及自顶向下、逐步求精的模块化设计方法,能够设计具有一定规模的系统级python语言程序,提高系统编程能力;
- 掌握常见的XPath方法从网页HTML代码中检索、爬取信息
- 针对复杂的数据类型以及较为庞大的数据,能够使用恰当的算法和数据结构,完成计算、统计分类、检索、匹配等相关的软件系统的构造、测试与实现;
- 掌握常用的程序调试和测试方法。

#### 实验要求:

- 掌握网络爬虫的爬取数据方法;
- 掌握三元组数据格式的存储方法,以及txt、csv、json文件类型的读写操作
- 掌握图数据库(Neo4J)的数据导入以及可视化展示;

#### 实验内容:

- 利用网络爬虫,<mark>按照疾病部位</mark>爬取寻医问药网站中的疾病相关介绍,以及相关应用知识。
- 将爬取结果存储为三元组格式
- 用图数据库(Neo4J)存储并展示知识图谱

#### 实验环境:

操作系统: Windows11 集成开发环境: Pycharm

外部库: json、requests、re、lxml、pandas、csv

### 输入输出设计:

• get json.py

无输入,输出为记录网站上具有索引结构的疾病信息ison文件

● test 关系.py

输入get json输出的json文件,输出关系三元组txt文件

● test 属性.py

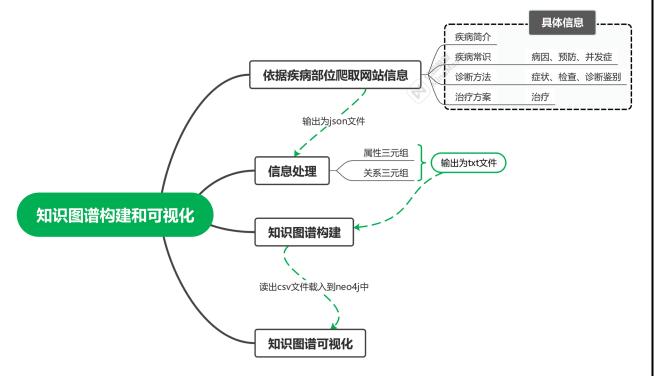
输入get\_json输出的json文件,输出属性三元组txt文件

get\_node\_relation.py

输入关系三元组txt文件,输出为已搭建好的知识图谱的结点信息的csv文件

# 系统设计与实现:

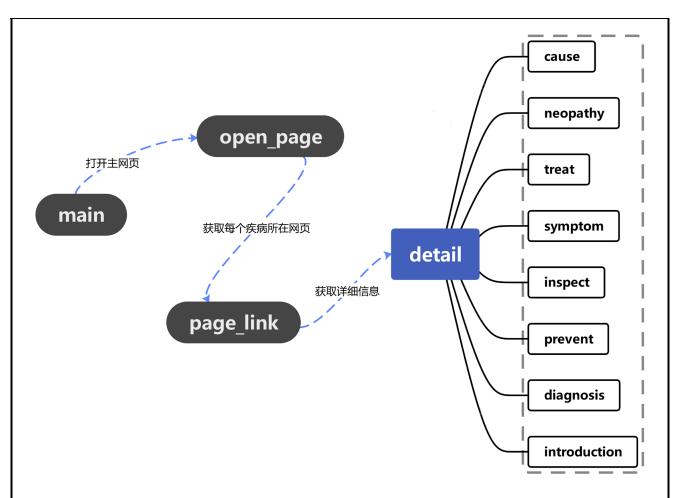
1. 系统功能模块划分



# 2. 函数功能和外部接口设计

# get\_json.py ——爬取数据并记录为json文件

序号	函数名	函数功能	函数参数	函数返回值		
1	open_page(url)	打开网页	网址url	无		
2	introduction(url)	爬取疾病简介	网址url	简介(list)introduction		
3	symptom(url)	爬取症状页面	网址url	常见症状(str)sum		
4	inspect(url)	爬取检查页面	网址url	检查方式(str)sum		
5	diagnosis(url)	爬取诊断鉴别页面	网址url	诊断手段(str)sum		
6	treat(url)	爬取治疗页面	网址url	治疗手段(str)sum		
7	cause(url)	爬取病因页面	网址url	病因(str)sum		
8	prevent(url)	爬取预防页面	网址url	预防方法(str)sum		
9	neopathy(url)	爬取并发症页面	网址url	并发症介绍(str)sum		
10	extract(res,ser,modi)	正则化提取信息	目标字段 res,ser,modi	提取字段列表(list)		
11	page_link(res,menu)	提取,拼接网址	提取字段res,目 录menu	网址url		
12	detail(link)	封装提取所有信息	疾病的特征数字	信息列表(list)content		
各个函数	各个函数之间的调用关系如下所示:					



# ◆ test 关系.py ——读取数据为关系三元组,记录为txt文件

序号	函数名	函数功能	函数参数	函数返回值
1	my_split(data)	以空格分割文本	字符串data	分割后的列表list
2	name(data)	以冒号分割文本, 同时提取信息	字符串data	分割后的第一个字符串

- ◆ test\_属性.py ——读取数据为属性三元组,记录为txt文件
- ◆ get\_node\_relation.py ——读取txt文件,记录为三元组形式的csv文件

# 3. 数据结构

列表: 利用列表存储网址、疾病关键词等信息。

字典:按照层级关系以及对应关系将相关疾病的关键词键和对应的值储存在多层嵌套字典中。

三元组: 依据关系和属性建立知识图谱所需要的三元组数据类型。

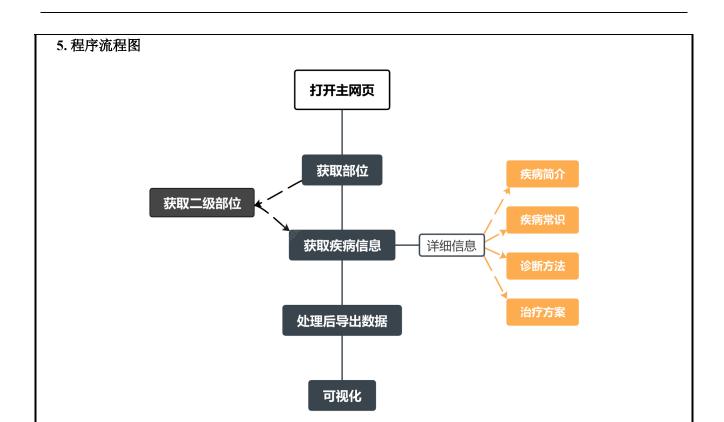
#### 4. 算法

网络爬虫,使用 XPath 方法从网页 HTML 代码中检索、爬取信息。

循环遍历, 多重循环遍历, 读取、处理、统计爬取得到信息。

文件操作,读写 json、txt、csv 文件,搭建知识图谱。

可视化操作,利用 neo4j 导入文件达到可视化的效果。



# 实验过程中遇到的问题及解决方法与思路:

问题 1: 爬取网站信息时出现乱码

原因:编码方式不符合网站所使用的编码方式

解决方法: 将默认的 utf-8 编码方式更改为网站使用的 gb2312。

问题 2: 爬取信息时出现遗漏、信息不全的情况。

原因: 网站 HTML 代码目标目录下子标签不同。

解决方法:使用代码 content=ht.xpath('//div[@class="....."]').xpath('string(.)').strip(),得到某个标签下所有文本,可以忽略 url。

问题 3: 进行字典键、值匹配对应读取时出现不对应的情况

原因:某些关键词对应值为空。

解决方法:增加是否为空的判断。

问题 4: 安装 neo4j 时配置不成功

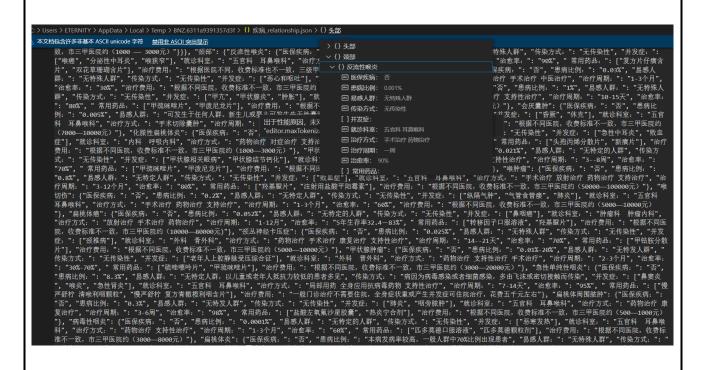
原因: JDK 与 neo4i 版本不适配

解决方法:下载 JDK-15.0.2 版本,重新配置环境变量。

#### 测试结果:

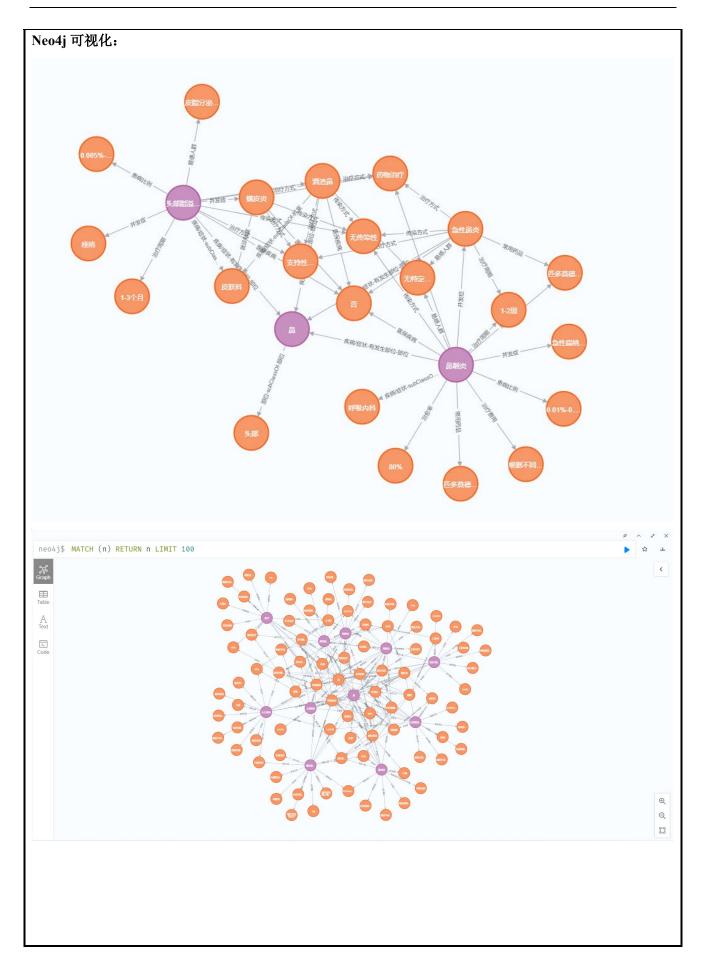
#### Json 文件:

```
① 季敬 - A Table District | App Data | Local | Temp | BNZ-631149391357431 | ① 季敬 - A Table District | App Data | Local | Temp | BNZ-631149391357431 | ① 季敬 - A Table District | App Data | Local | Temp | BNZ-631149391357431 | ① 季敬 - A Table District | App Data | Local | Temp | BNZ-631149391357431 | ① 季敬 - A Table District | App Data | App D
```





```
Csv 文件:
                                         entity:ID,name,:LABEL
e0,鼻,疾病
e1,头部,tail-type
e2,鼻咽炎,疾病
e3,否,tail-type
                                    e12,80%,tail-type
e13,匹多莫德口服溶液,tail-type
e14,匹多莫德即粉剂,tail-type
e15,根据不同医院、收费标准不一致,市
e16,头部脂溢性皮炎,疾病
e17,0.005%-0.008%,tail-type
e18,皮脂分泌旺盛的人群,tail-type
e19,痤疮,tail-type
e20,蜗皮炎,tail-type
e21,酒產量,tail-type
e22,皮肤料,tail-type
e23,支持性治疗,tail-type
e24,1-3个月,tail-type
e25,90%,tail-type
e25,克林霉素甲硝唑搽剂,tail-type
                                              :START_ID,:END_ID,:TYPE
e0,e1,部位-subClassOf-部位
e2,e0,疾病/症状-有发生部位-部位
                                               e2,e3,医保疾病
e2,e4,患病比例
                                              e2,e5,易感人群
e2,e6,传染方式
                                           e2,e9,疾病/症状-subClassOf-科室
e2,e10,治疗方式
e2,e11,治疗周期
e2,e12,治愈率
e2,e13,常用药品
e2,e14,常用药品
e2,e15,治疗费用
e16,e0,疾病/症状-有发生部位-部位
e16,e3,医保疾病
e16,e17,患病比例
e16,e18,易感人群
e16,e19,并发症
e16,e29,并发症
e16,e20,并发症
e16,e22,疾病/症状-subClassOf-科室
e16,e22,疾病/症状-subClassOf-科室
e16,e10,治疗方式
                                               e16,e10,治疗方式
e16,e23,治疗方式
e16,e23,治疗方式
e16,e24,治疗周期
```



#### 程序的全部源代码: 见附录

#### 分析总结、收获和体会:

数据统计: (使用图或表的方法分析关系三元组、属性三元组数据,包括总数、分布情况等)

- ♣ 结点共计 34897 个,统计信息包括传染方式、是否医保疾病、就诊科室、常用药品、并发症、患病比例、易感人群、治愈率、治疗周期、治疗方式、治疗费用。
- ◆ 数据之间索引类型包括疾病与其所属科室、所属部位的关系,以及疾病属性之间的相互连接。可依据某个特定属性提取子图分析。

#### 优点:

- → 功能全面,几乎涵盖上千种疾病的所有信息,覆盖知识面较广
- → 封装好,代码的可读性较高,各个变量以及函数见名知意,注释较为详细。
- ♣ 结果利用 neo4i 实现可视化,更加清晰明了。
- ↓ 使用文件操作及时保存写出数据,提高程序调式的运行速度以及效率。
- ▲ 函数变量少,减少了参数的传递,使程序较为简洁。

#### 创新之处:

- ↓ 使用网络爬虫,在读取时就加以处理,减少了程序的空间及时间复杂度。
- ♣ 利用 neo4i 实现知识图谱的可视化,在索引以及分类上更为直观清晰。

#### 不足之处:

♣ 未区分部位与疾病,一定程度上分类不明确,且部分函数重复度较高,程序比较冗杂

#### 需要改进的地方:

■ 增加分类以及查询算法,后期还可基于人工智能生成自助问答系统等交互性更强的软件

#### 收获与学习体会:

通过两周的程序设计实践,对人工智能基本分类、聚类算法有基本了解与实践,学习了网络爬虫以及 知识图谱构建,对专业知识以及数据结构算法有了基本了解,同时代码能力也有所锤炼

自我评价:	是	否
程序运行是否无 bug?	√	
是否在撰写报告之前观看了 spoc 里的代码规范视频?	√	
程序代码是否符合代码规范(对齐与缩进,有必要的注释)?	√	
是否按模块化要求进行了程序设计,系统功能是否完善?	√	
是否是独立完成?		√

#### 自我评语:

熟悉了 python 语言的使用,以及了解的代码的基本格式及基本操作,尝试去锤炼程序的健壮性和可读性。知识面层面,对人工智能常见的分类聚类思想有了了解。

报告完成日期: 2022/9/5

# 附件:

# 1.get json.py

```
    import json

2. import requests
3. import re
4. from lxml import html
5.
6. def open page(url):
       headers={'User-Agent':'Mozilla/5.0 (Windows NT 10.0; Win64; x64) AppleWeb
   Kit/537.36 (KHTML, like Gecko) Chrome/104.0.5112.102 Safari/537.36 Edg/104.0.
   1293.63'}
8.
       res=requests.get(url,headers=headers)
9.
       res.encoding='gb2312'
       res=res.text.replace('\ufffd','')
10.
11.
       return res
13.
14.
15.def introduction(url):
       data=open_page(url)
16.
       ht = html.fromstring(data)
17.
18.
       introduction= {}
19.
       introduction_key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p}]/
20.
   strong/text()'.format(p=1))[0]
       introduction_value = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p}
21.
   ]/p/text()'.format(p=1))[0]
22.
       introduction[introduction key] = introduction value.strip()
23.
24.
       for i in range(2, 5):
25.
           if i == 2:
               basic_know_att_value = []
26.
27.
               basic_know_key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div
28.
   [{p}]/strong/text()'.format(p=i))[0]
29.
               introduction[basic_know_key] = {}
30.
               basic know att key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]
31.
   /div[{p}]/p/span[1]/text()'.format(p=i))
32.
               basic_know_att_value_init = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr
33.
    f14 "]/div[{p}]/p/span[2]/text()'.format(p=i))
```

```
34.
               for value in basic_know_att_value_init:
35.
                    value = value.strip()
                    basic know att value.append(value)
36.
37.
               if '9144' in url:
38.
                    basic know att value.insert(3, ' ')
39.
               ill_all = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p}]/p
   /span[2]/a/text()'.format(p=i))
40.
               for i in range(len(ill all) - 1):
                    basic know att value.pop(4)
41.
42.
               basic know att value.append(ill all)
43.
44.
45.
               for i in range(len(basic_know_att_key)):
                    introduction[basic know key][basic know att key[i]] = basic k
46.
   now_att_value[i]
47.
48.
           elif i == 3:
49.
               com sen att value = []
50.
51.
               com_sen_key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p
   }]/strong/text()'.format(p=i))[0]
               introduction[com_sen_key] = {}
52.
53.
54.
               com_sen_att_key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/di
   v[{p}]/p/span[1]/text()'.format(p=i))
55.
56.
               com_sen_att_value_init = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f1
   4 "]/div[{p}]/p/span[2]/text()'.format(p=i))
57.
               for value in com_sen_att_value_init:
58.
                    value = value.strip()
59.
                   com_sen_att_value.append(value)
               medicine = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p}]/
60.
   p/span[2]/a/text()'.format(p=i))
61.
               if '9992' in url or '9865' in url or '9987' in url:
62.
                    com sen att value.insert(1, ' ')
63.
               for i in range(len(medicine) + 1):
64.
                    com sen att value.pop(4)
65.
               com_sen_att_value.insert(4, medicine)
66.
               for i in range(len(com sen att key)):
67.
68.
                    introduction[com_sen_key][com_sen_att_key[i]] = com_sen_att_v
   alue[i]
69.
           else:
70.
```

```
71.
               tip_key_t = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p}]
   /strong/text()'.format(p=i))
72.
               if len(tip_key_t) != 0:
                   tip key = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]/div[{p
73.
   }]/strong/text()'.format(p=i))[0]
74.
75.
                   tip_value_init = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 "]
   /div[{p}]/p/text()'.format(p=i))[0]
76.
                   tip value = tip value init.strip()
77.
78.
                   introduction[tip_key] = tip_value
79.
80.
       return introduction
81.
82.def symptom(url):
       data=open page(url)
83.
84.
       ht = html.fromstring(data)
85.
       members = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]/p')
86.
87.
       sum = ""
88.
89.
       for member in members:
           member = member.xpath('string(.)').strip()
90.
91.
           member = str(member)
92.
           sum += member
93.
94.
95.
       return "常见症状",sum
96.
97.def inspect(url):
98.
       data=open_page(url)
       ht = html.fromstring(data)
99.
100.
101.
        members = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]/p')
102.
        sum = ""
103.
104.
        for member in members:
            member = member.xpath('string(.)').strip()
105.
            member = str(member)
106.
107.
            sum += member
108.
109.
        return "检查",sum
110.
111.
```

```
112.def diagnosis(url):
113.
        data=open page(url)
114.
        ht = html.fromstring(data)
115.
116.
        members = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]/p')
117.
118.
        sum = ""
        for member in members:
119.
            member = member.xpath('string(.)').strip()
120.
121.
            member = str(member)
122.
            sum += member
123.
124.
        return "诊断鉴别",sum
125.
126.def treat(url):
127.
        data=open_page(url)
        ht = html.fromstring(data)
128.
129.
130.
        members = ht.xpath('//div[@class="jib-lh-articl"]/p')
131.
        sum = ""
132.
133.
        for member in members:
134.
            member = member.xpath('string(.)').strip()
135.
            member = str(member)
136.
            sum += member
137.
138.
139.
        return "治疗",sum
140.
141.def cause(url):
142.
143.
        data=open_page(url)
144.
        ht = html.fromstring(data)
145.
        members = ht.xpath('//div[@class=" jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]')
146.
        sum = ""
147.
148.
        for member in members:
            member = member.xpath('string(.)')
149.
            member = str(member.strip())
150.
151.
            sum += member
152.
        return "病因",member
153.
154.
155.
```

```
156.def prevent(url):
157.
        data=open page(url)
        ht = html.fromstring(data)
158.
        members = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]/p')
159.
160.
161.
        sum = ""
162.
        for member in members:
            member = member.xpath('string(.)').strip()
163.
            member = str(member)
164.
165.
            sum += member
166.
        return "预防",sum
167.
168.def neopathy(url):
        data=open page(url)
169.
        ht = html.fromstring(data)
170.
        members = ht.xpath('//div[@class="jib-articl fr f14 jib-lh-articl"]/p')
171.
172.
        sum = ""
173.
        for member in members:
174.
            member = member.xpath('string(.)').strip()
175.
            member = str(member)
176.
177.
            sum += member
        return "并发症",sum
178.
179.
180.#-
181.
182.def extract(res,ser,modi):
        temp=re.findall(ser,res,re.S)
183.
184.
        return re.findall(modi,str(temp),re.S)
185.
186.def page_link(res,menu):
        ser_='<a href="(.*?)">'+menu+'</a>'
187.
188.
        return 'https://jib.xywy.com'+re.findall(ser_,res)[0]
189.
191.
192.def detail(link):
        chai='/il sii (.*?).htm'
193.
194.
        feature=(re.findall(chai,link))[0]
        print(feature)
195.
        content=introduction('https://jib.xywy.com/il_sii/gaishu/'+feature+'.htm
196.
   ')
```

```
197.
        title1,value1=symptom('https://jib.xywy.com/il_sii/symptom/'+feature+'.h
  tm')
198.
        content[title1]=value1
199.
        title2,value2=inspect('https://jib.xywy.com/il sii/inspect/'+feature+'.h
   tm')
200.
        content[title2]=value2
201.
        title3,value3=diagnosis('https://jib.xywy.com/il sii/diagnosis/'+feature
   +'.htm')
        content[title3]=value3
202.
203.
        title4,value4=treat('https://jib.xywy.com/il_sii/treat/'+feature+'.htm')
204.
        content[title4]=value4
205.
        title5,value5=cause('https://jib.xywy.com/il_sii/cause/'+feature+'.htm')
206.
        content[title5]=value5
        title6,value6=prevent('https://jib.xywy.com/il sii/prevent/'+feature+'.h
207.
   tm')
208.
        content[title6]=value6
209.
        title7, value7=neopathy('https://jib.xywy.com/il_sii/neopathy/'+feature+'
   .htm')
210.
        content[title7]=value7
211.
        return content
212.
213.# def correct(res,item):
214.
        # ser='<a title="(.*)" href="/il sii 3865.htm"> 穿透性角膜移...</a>'
215.
        # #<a title="穿透性角膜移植术所致青光眼" href="/il_sii_3865.htm">穿透性角膜
   移...</a>
216.
        # r=re.findall(ser,res)
217.
        # if len(r) == 0:
              return item
218.
219.
        # return r[0]
220.
221.
222.info={}
223.url='https://jib.xywy.com/html/toubu.html'
224.code=open page(url)
225.ht = html.fromstring(code)
226.name = ht.xpath('//li[@class="pr"]/a/text()')
227. for i in name:
228.
        info[i]={}
229.
        ser_item='>'+i+'</a>\r\n
                                                        jb-body-nav bor pa none f12">(.*?)
230.
        modi item='<a title="(.*?)" href="(.*?)">'
231.
        items=extract(code,ser_item,modi_item)
        if len(items) = = 0:
232.
233.
            link=page link(code,i)
```

```
234.
            item_code=open_page(link)
235.
            item_ht = html.fromstring(item_code)
            items= item_ht.xpath('//ul[@class="ks-ill-list clearfix mt10"]/li/a/
236.
   @title')
237.
            href=item_ht.xpath('//ul[@class="ks-ill-list clearfix mt10"]/li/a/@h
   ref')
238.
            ix=0
            for s in items:
239.
240.
                print(ix)
                content=detail(href[ix])
241.
242.
                info[i][s]=content
243.
                ix+=1
244.
        else:
            for j in items:
245.
246.
                info[i][j[0]]={}
                link2='https://jib.xywy.com'+j[1]
247.
248.
                item2_code=open_page(link2)
249.
                item2 ht = html.fromstring(item2 code)
250.
                items2=item2_ht.xpath('//ul[@class="ks-ill-list clearfix mt10"]/
   li/a/@title')
                href2=item2_ht.xpath('//ul[@class="ks-ill-list clearfix mt10"]/l
251.
   i/a/@href')
252.
                idx=0
253.
                for s in items2:
254.
                     print(idx)
255.
                     content=detail(href2[idx])
256.
                     info[i][j[0]][s]=content
257.
                    idx+=1
258.output_path = "疾病_edit4.json"
259.print(info)
260.with open(output_path, "w",encoding='utf-8') as f:
      json.dump(info, f, ensure ascii=False)
```

# 2.test 关系.py

```
1. import json
2.
3.
4.
5. def my_split(data):
6.    return data.split(" ")
7.
8.
9. def name(data):
10.    return data.split(": ")[0]
```

```
11.
12.if __name__ == '__main___':
       output path = "疾病 edit3.json"
13.
       with open(output_path, "r",encoding='utf-8') as f:
14.
15.
           data=json.load(f)
16.
       with open("test.txt","w",encoding='utf-8') as f2:
           menu=['头部','四肢','生殖部位']
17.
18.
           mm=[]
19.
           for i 1 in data:
20.
               if i 1 in menu:
21.
                   for i 11 in data[i 1]:
22.
                       wri=i 11+'@@@部位-subClassOf-部位@@@'+i 1
23.
                       f2.write(wri+'\n')
24.
                       for i 12 in data[i 1][i 11]:
25.
                           w=i_12+'@@疾病/症状-有发生部位-部位@@@'+i_11
26.
                           f2.write(w+'\n')
                           for item in data[i_1][i_11][i_12].keys():
27.
28.
                               if item=='治疗费用: ':
                                   w=i 12+'@@2治疗费用
29.
   @@@'+data[i_1][i_11][i_12][item]
30.
                                   f2.write(w+'\n')
31.
                                   continue
32.
                               n=name(item)
33.
                               if False==isinstance(data[i_1][i_11][i_12][item],
   list):
34.
                                   re=my_split(data[i_1][i_11][i_12][item])
35.
                                   if item=='就诊科室: ':
36.
                                       if len(re)==1:
37.
                                           wde=i_12+'@@疾病/症状-subClassOf-科室
   @@@'+re[0]
38.
                                           f2.write(wde+'\n')
39.
                                       else:
40.
                                           wde=i 12+'@@疾病/症状-subClassOf-科室
   @@@'+re[2]
41.
                                           f2.write(wde+'\n')
42.
                                           me=re[2]+'@@科室-subClassOf-科室
   @@@'+re[0]
43.
                                           if me not in mm:
44.
                                               mm.append(me)
45.
                                       continue
                                   for de in re:
46.
                                       wde=i_12+'@@@'+n+'@@@'+de
47.
48.
                                       f2.write(wde+'\n')
49.
                               else:
```

```
50.
                                   for de in data[i_1][i_11][i_12][item]:
                                       wde=i 12+'@@@'+n+'@@@'+de
51.
52.
                                       f2.write(wde+'\n')
53.
               else:
54.
                   for i_2 in data[i_1]:
55.
                       wri=i_2+'@@疾病/症状-有发生部位-部位@@@'+i_1
56.
                       f2.write(wri+'\n')
57.
                       for item in data[i_1][i_2].keys():
                           if item=='治疗费用:':
58.
59.
                               w=i_2+'@@@治疗费用@@@'+data[i_1][i_2][item]
                               f2.write(w+'\n')
60.
61.
                               continue
62.
                           n=name(item)
                           if False==isinstance(data[i_1][i_2][item],list):
63.
64.
                               re=my_split(data[i_1][i_2][item])
65.
                               if item=='就诊科室: ':
                                   if len(re)==1:
66.
67.
                                       wde=i 2+'@@疾病/症状-subClassOf-科室
   @@@'+re[0]
68.
                                       f2.write(wde+'\n')
69.
70.
                                   else:
71.
                                       wde=i 2+'@@疾病/症状-subClassOf-科室
   @@@'+re[2]
72.
                                       f2.write(wde+'\n')
73.
                                       me=re[2]+'@@科室-subClassOf-科室
   @@@'+re[0]
74.
                                       if me not in mm:
75.
                                           mm.append(me)
76.
                                   continue
77.
                               for de in re:
78.
                                   wde=i_2+'@@@'+n+'@@@'+de
79.
                                   f2.write(wde+'\n')
80.
                           else:
81.
                               for de in data[i 1][i 2][item]:
                                   wde=i_2+'@@@'+n+'@@@'+de
82.
83.
                                   f2.write(wde+'\n')
84.
           for it in mm:
85.
               f2.write(it+'\n')
```

# 3. get node relation.py

- **1.** #读取 txt 文件中的三元组
- 2. #将节点去重复,写入 csv 文件
- 3. #*将关系写入 csv 文件*

```
4.
5. import pandas as pd
7. import csv
8. # 读取三元组文件
9.
10.entity list = []
11.tri list = []
12.
13.entity dict = {}
14.ent num = 0
15.with open("关系.txt", "r", encoding="utf-8") as f:
16.
       for line in f:
          line = line.strip().split('@@@')
17.
18.
          head = line[0].strip()
19.
          rel = line[1].strip()
20.
          tail = line[2].strip()
21.
          if head not in entity dict:
22.
              entity_dict[head] = 'e' + str(ent_num)
23.
              entity_list.append(['e' + str(ent_num), head, "疾病"])
24.
              ent_num += 1
25.
           if tail not in entity_dict:
26.
              entity dict[tail] = 'e' + str(ent num)
27.
              entity_list.append(['e' + str(ent_num), tail, "tail-type"])
28.
              ent num += 1
          #添加三元组,使用实体id 和关系id
29.
          if [entity_dict[head], entity_dict[tail], rel] not in tri_list:
30.
31.
              tri_list.append([entity_dict[head], entity_dict[tail], rel])
33.#将去重复后的实体写入 csv 文件
34.
35.entity_header = ["entity:ID", "name", ":LABEL"]
36.with open ('entity.csv','w',encoding='utf-8',newline='') as fp:
37. #写
38.
       writer =csv.writer(fp)
      # 设置第一行标题头
39.
40.
       writer.writerow(entity_header)
       # 将数据写入
41.
42.
       writer.writerows(entity_list)
43.
44.#将去重复后的三元组写入 csv
45.tri_header = [':START_ID', ':END_ID', ':TYPE']
46.with open ('triplets.csv', 'w', encoding='utf-8', newline='') as fp:
47. # 写
```

```
48. writer =csv.writer(fp)
49. # 设置第一行标题头
50. writer.writerow(tri_header)
51. # 将数据写入
52. writer.writerows(tri_list)
53.#h_r_t_name = [":START_ID", "role", ":END_ID"]
54.h_r_t = pd.read_csv("triplets.csv", decimal="\t", names=tri_header)
55.print(h_r_t.info())
```