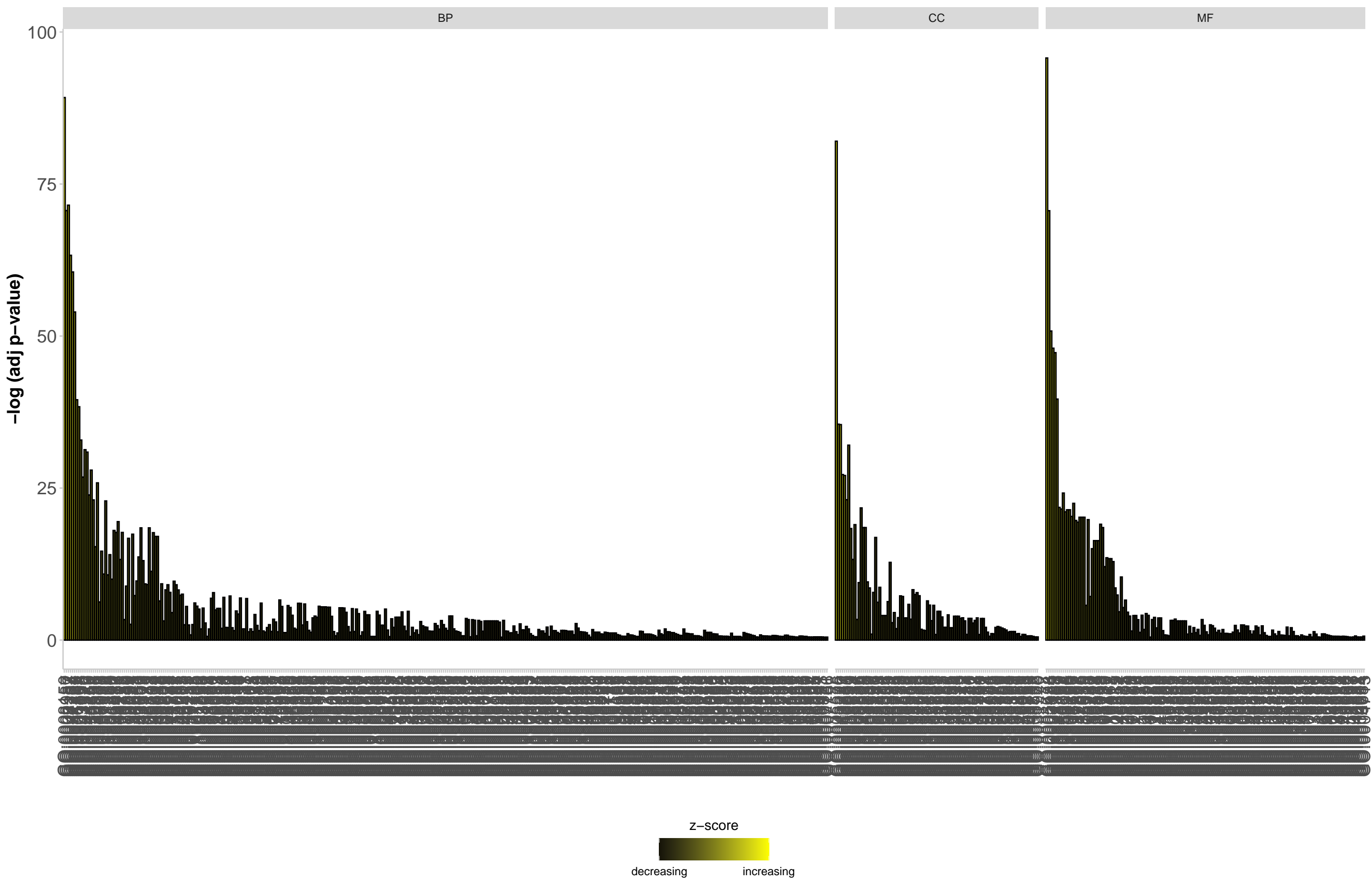


Z-score coloured barplot

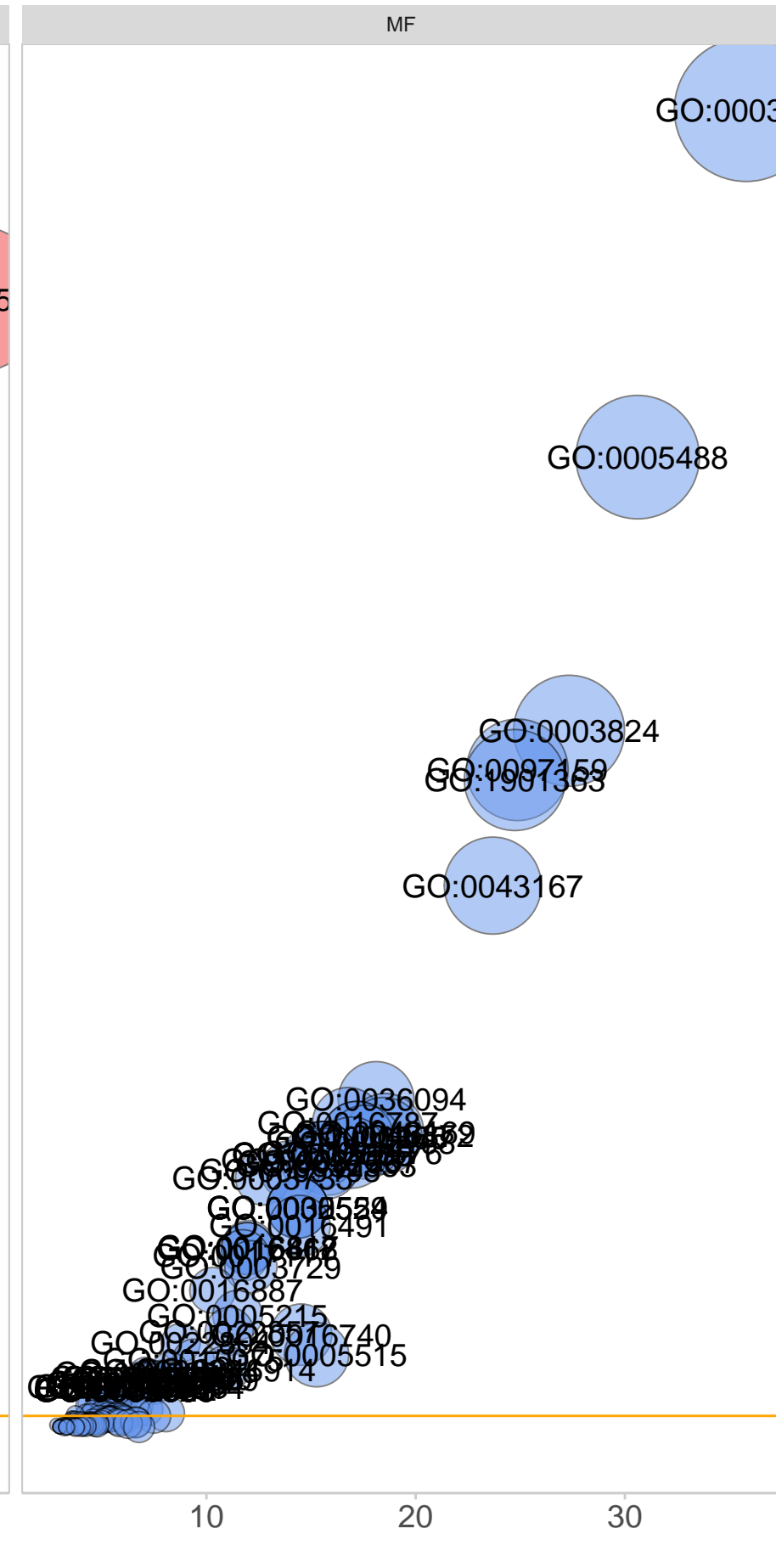
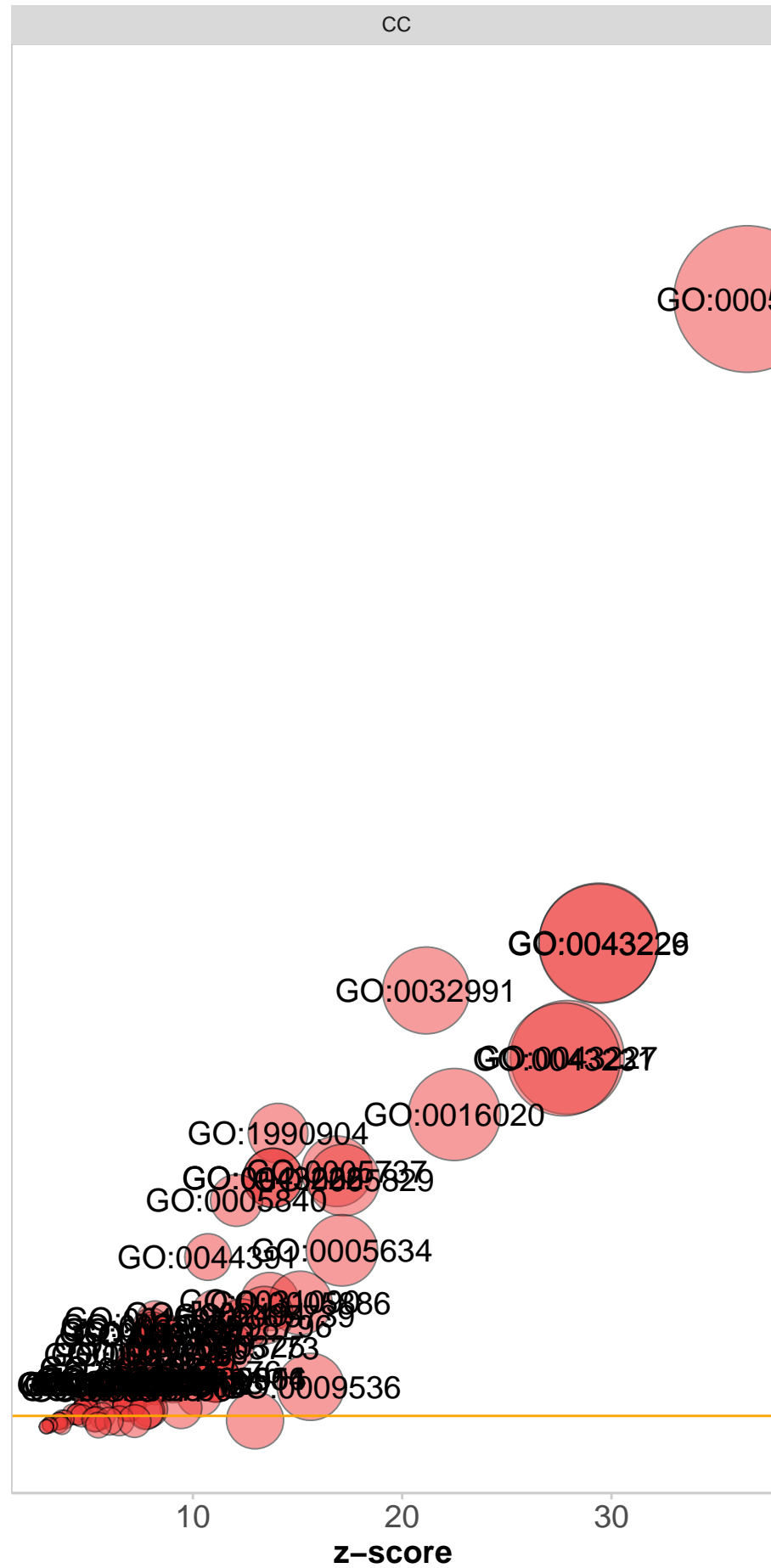


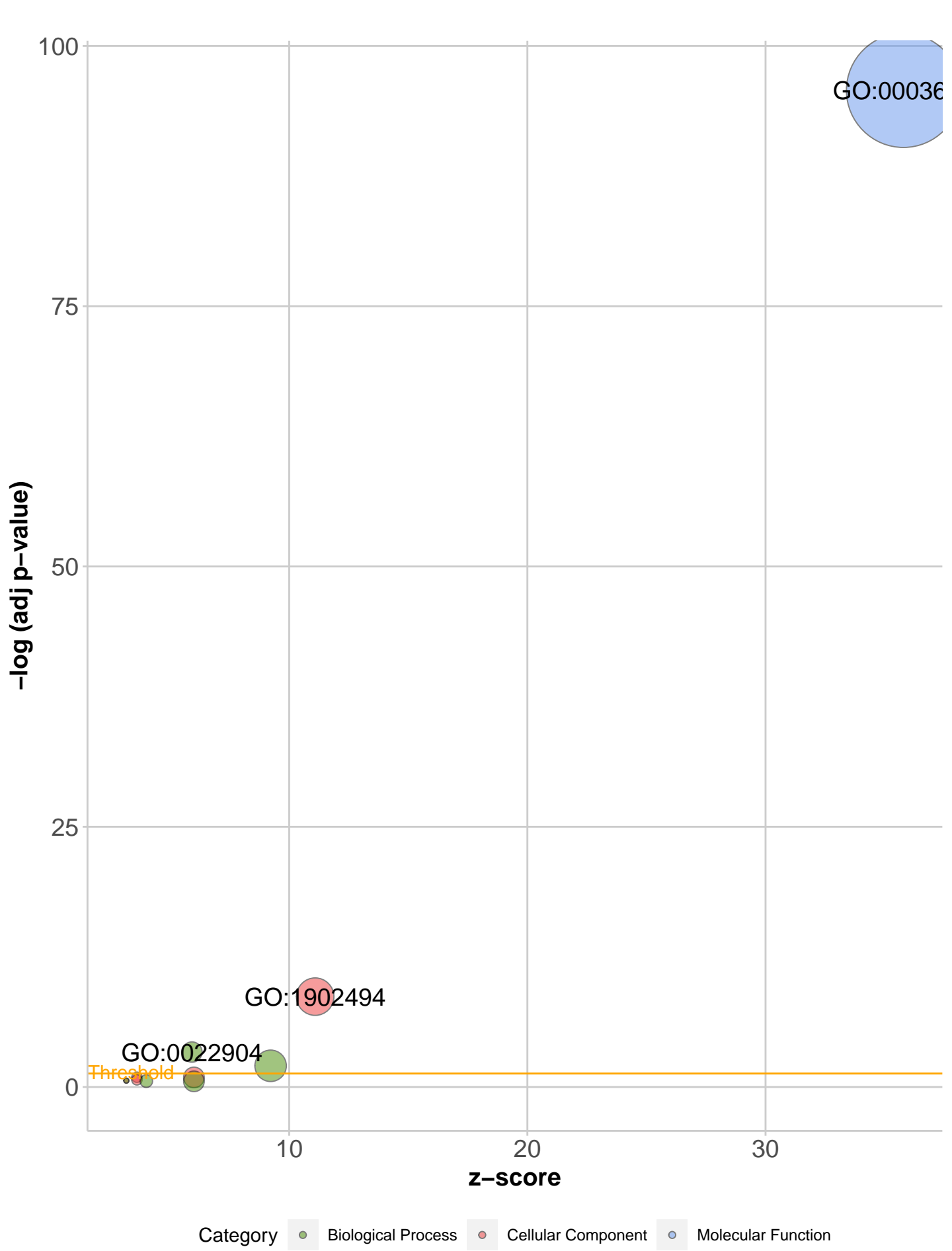
The figure displays three bubble charts representing the z-score distribution of Gene Ontology (GO) terms across three categories: BP (Biological Process), CC (Cellular Component), and MF (Molecular Function). The x-axis for all charts is 'z-score', ranging from approximately 5 to 35. The y-axis represents the GO terms. A horizontal line is drawn at z-score 0 in each chart.

BP (Biological Process) - Orange Bubbles:

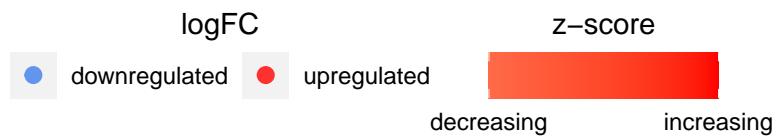
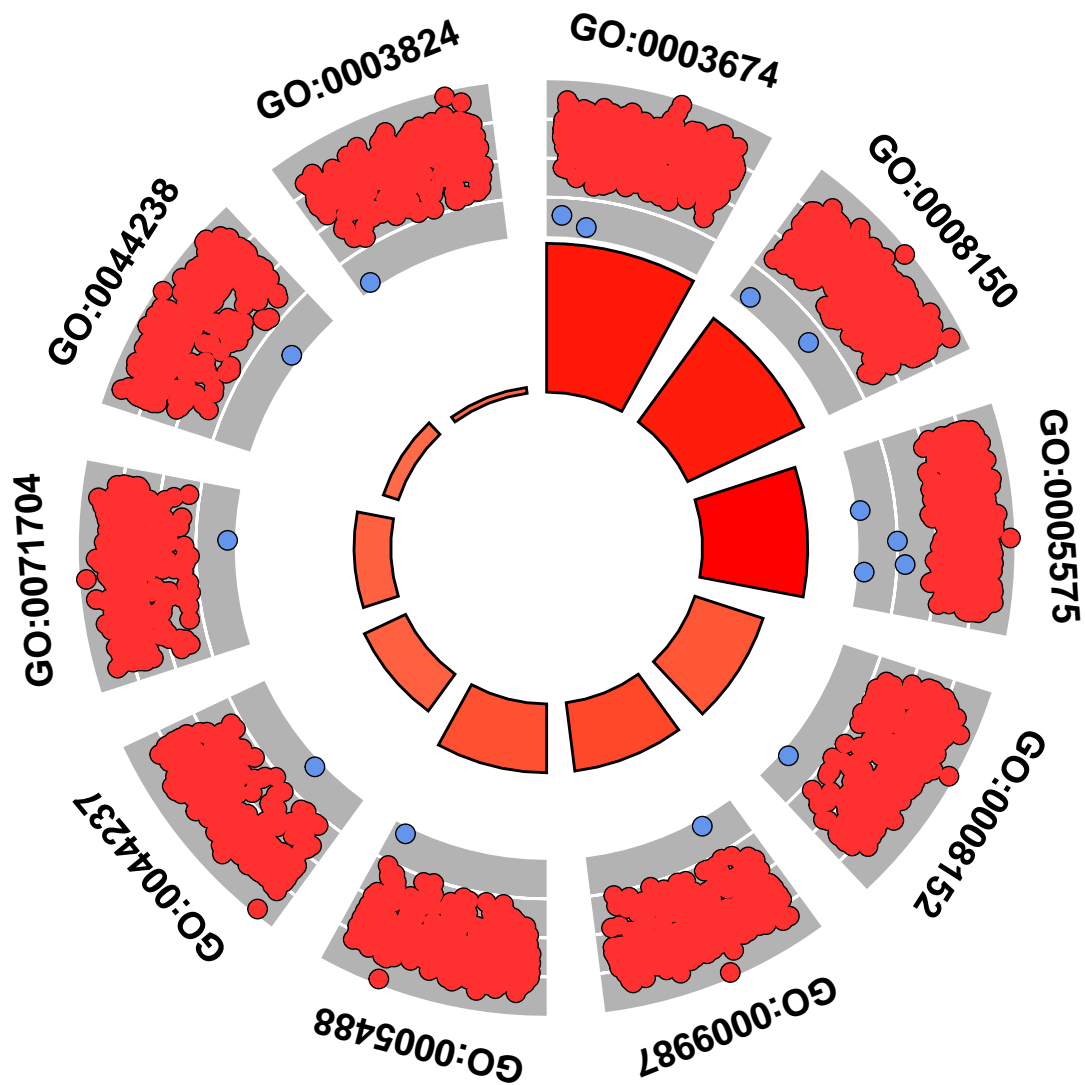
- GO:0008152
- GO:0009387
- GO:0044237
- GO:0071704
- GO:0044238
- GO:0006807
- GO:1901564
- GO:0009058
- GO:0044246
- GO:0034641
- GO:0044281
- GO:0044260
- GO:0005538
- GO:0044271
- GO:0005539
- GO:0005537
- GO:0005536
- GO:0005535
- GO:0005534
- GO:0005533
- GO:0005532
- GO:0005531
- GO:0005530
- GO:0005529
- GO:0005528
- GO:0005527
- GO:0005526
- GO:0005525
- GO:0005524
- GO:0005523
- GO:0005522
- GO:0005521
- GO:0005520
- GO:0005519
- GO:0005518
- GO:0005517
- GO:0005516
- GO:0005515
- GO:0005514
- GO:0005513
- GO:0005512
- GO:0005511
- GO:0005510
- GO:0005509
- GO:0005508
- GO:0005507
- GO:0005506
- GO:0005505
- GO:0005504
- GO:0005503
- GO:0005502
- GO:0005501
- GO:0005500
- GO:0005499
- GO:0005498
- GO:0005497
- GO:0005496
- GO:0005495
- GO:0005494
- GO:0005493
- GO:0005492
- GO:0005491
- GO:0005490
- GO:0005489
- GO:0005488
- GO:0005487
- GO:0005486
- GO:0005485
- GO:0005484
- GO:0005483
- GO:0005482
- GO:0005481
- GO:0005480
- GO:0005479
- GO:0005478
- GO:0005477
- GO:0005476
- GO:0005475
- GO:0005474
- GO:0005473
- GO:0005472
- GO:0005471
- GO:0005470
- GO:0005469
- GO:0005468
- GO:0005467
- GO:0005466
- GO:0005465
- GO:0005464
- GO:0005463
- GO:0005462
- GO:0005461
- GO:0005460
- GO:0005459
- GO:0005458
- GO:0005457
- GO:0005456
- GO:0005455
- GO:0005454
- GO:0005453
- GO:0005452
- GO:0005451
- GO:0005450
- GO:0005449
- GO:0005448
- GO:0005447
- GO:0005446
- GO:0005445
- GO:0005444
- GO:0005443
- GO:0005442
- GO:0005441
- GO:0005440
- GO:0005439
- GO:0005438
- GO:0005437
- GO:0005436
- GO:0005435
- GO:0005434
- GO:0005433
- GO:0005432
- GO:0005431
- GO:0005430
- GO:0005429
- GO:0005428
- GO:0005427
- GO:0005426
- GO:0005425
- GO:0005424
- GO:0005423
- GO:0005422
- GO:0005421
- GO:0005420
- GO:0005419
- GO:0005418
- GO:0005417
- GO:0005416
- GO:0005415
- GO:0005414
- GO:0005413
- GO:0005412
- GO:0005411
- GO:0005410
- GO:0005409
- GO:0005408
- GO:0005407
- GO:0005406
- GO:0005405
- GO:0005404
- GO:0005403
- GO:0005402
- GO:0005401
- GO:0005400
- GO:0005399
- GO:0005398
- GO:0005397
- GO:0005396
- GO:0005395
- GO:0005394
- GO:0005393
- GO:0005392
- GO:0005391
- GO:0005390
- GO:0005389
- GO:0005388
- GO:0005387
- GO:0005386
- GO:0005385
- GO:0005384
- GO:0005383
- GO:0005382
- GO:0005381
- GO:0005380
- GO:0005379
- GO:0005378
- GO:0005377
- GO:0005376
- GO:0005375
- GO:0005374
- GO:0005373
- GO:0005372
- GO:0005371
- GO:0005370
- GO:0005369
- GO:0005368
- GO:0005367
- GO:0005366
- GO:0005365
- GO:0005364
- GO:0005363
- GO:0005362
- GO:0005361
- GO:0005360
- GO:0005359
- GO:0005358
- GO:0005357
- GO:0005356
- GO:0005355
- GO:0005354
- GO:0005353
- GO:0005352
- GO:0005351
- GO:0005350
- GO:0005349
- GO:0005348
- GO:0005347
- GO:0005346
- GO:0005345
- GO:0005344
- GO:0005343
- GO:0005342
- GO:0005341
- GO:0005340
- GO:0005339
- GO:0005338
- GO:0005337
- GO:0005336
- GO:0005335
- GO:0005334
- GO:0005333
- GO:0005332
- GO:0005331
- GO:0005330
- GO:0005329
- GO:0005328
- GO:0005327
- GO:0005326
- GO:0005325
- GO:0005324
- GO:0005323
- GO:0005322
- GO:0005321
- GO:0005320
- GO:0005319
- GO:0005318
- GO:0005317
- GO:0005316
- GO:0005315
- GO:0005314
- GO:0005313
- GO:0005312
- GO:0005311
- GO:0005310
- GO:0005309
- GO:0005308
- GO:0005307
- GO:0005306
- GO:0005305
- GO:0005304
- GO:0005303
- GO:0005302
- GO:0005301
- GO:0005300
- GO:0005299
- GO:0005298
- GO:0005297
- GO:0005296
- GO:0005295
- GO:0005294
- GO:0005293
- GO:0005292

MF

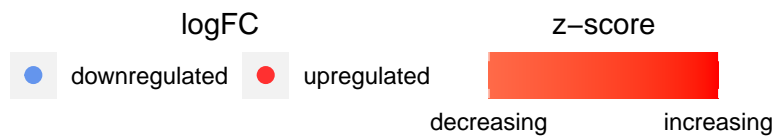
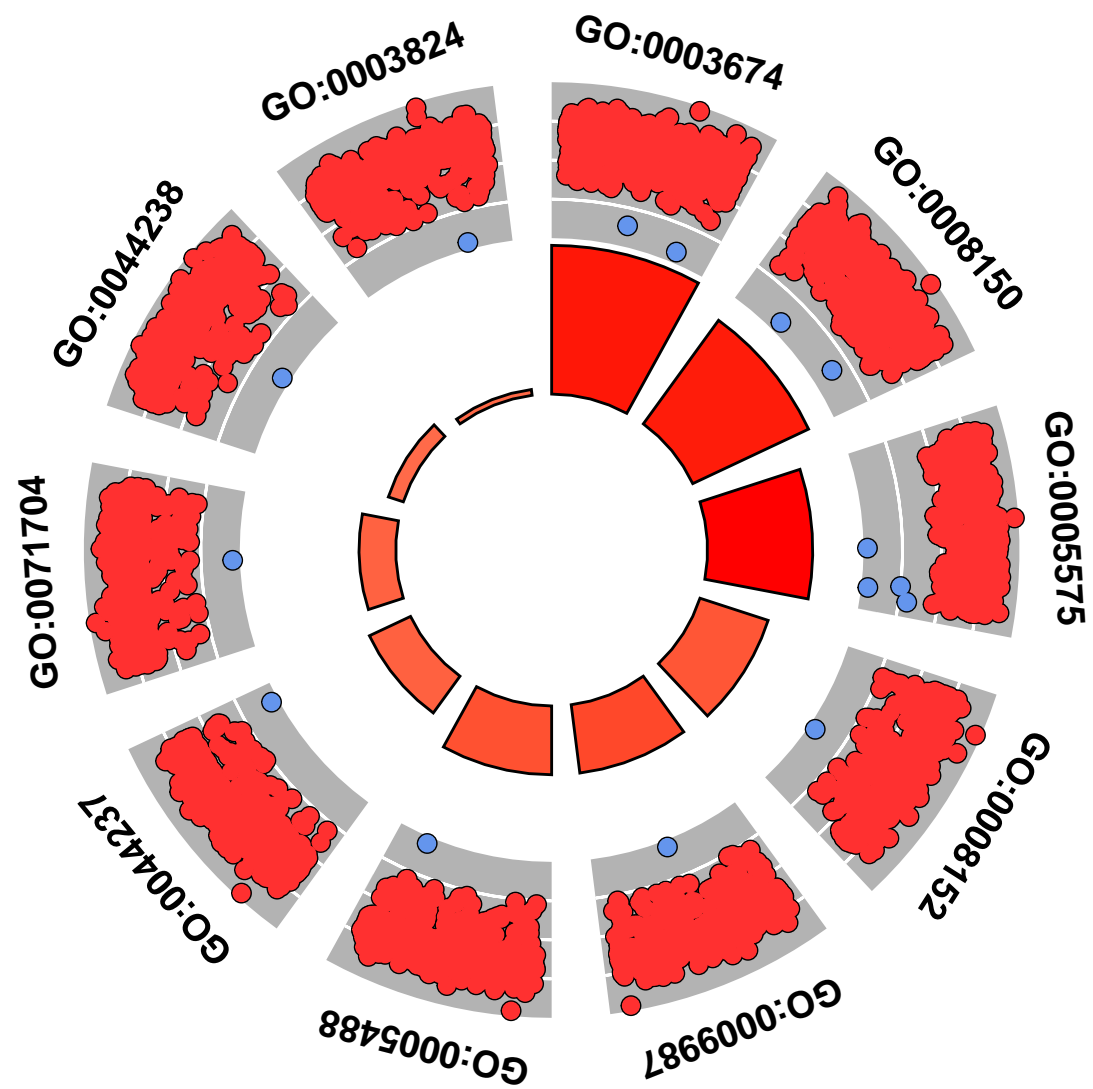
[illegible]



ID	Description
GO:0003674	molecular_function
GO:1902494	catalytic complex
GO:0022904	respiratory electron transport chain



ID	Description
GO:0003674	molecular_function
GO:0008150	biological_process
GO:0005575	cellular_component
GO:0008152	metabolic process
GO:0009987	cellular process
GO:0005488	binding
GO:0044237	cellular metabolic process
GO:0071704	organic substance metabolic process
GO:0044238	primary metabolic process
GO:0003824	catalytic activity



ID	Description
GO:0003674	molecular_function
GO:0008150	biological_process
GO:0005575	cellular_component
GO:0008152	metabolic process
GO:0009987	cellular process
GO:0005488	binding
GO:0044237	cellular metabolic process
GO:0071704	organic substance metabolic process
GO:0044238	primary metabolic process
GO:0003824	catalytic activity