CLUSTAL 2.1 MULTIPLE SEQUENCE ALIGNMENT

File: /media/morpheus/disk1/fst/pep_msa/C1oH21epsTue Feb 111:33:19 2022 Page 1 of 2

Gallus_gallus Pavo_muticus Taeniopygia_guttata Pavo_cristatus Chelonia_mydas Mus_musculus Rattus_norvegicus Macaca_mulatta Callithrix_jacchus Pan_troglodytes Homo_sapiens Canis_lupus_familiaris Equus_caballus Xenopus_tropicalis Rhinatrema_bivittatum Bos_taurus	: * : : : : : : : : : : : : : : : : : :	35 35 35 35 35 35 35 35 35 35 35 35 35 45
Gallus_gallus Pavo_muticus Taeniopygia_guttata Pavo_cristatus Chelonia_mydas Mus_musculus Rattus_norvegicus Macaca_mulatta Callithrix_jacchus Pan_troglodytes Homo_sapiens Canis_lupus_familiaris Equus_caballus Xenopus_tropicalis Rhinatrema_bivittatum Bos_taurus		63 63 63 63 63 63 63 63 63 114 86
Gallus_gallus Pavo_muticus Taeniopygia_guttata Pavo_cristatus Chelonia_mydas Mus_musculus Rattus_norvegicus Macaca_mulatta Callithrix_jacchus Pan_troglodytes Homo_sapiens Canis_lupus_familiaris Equus_caballus Xenopus_tropicalis Rhinatrema_bivittatum Bos_taurus	: .: : .:	91 91 91 91 91 91 91 91 123 91 157

CLUSTAL 2.1 MULTIPLE SEQUENCE ALIGNMENT

File: /media/morpheus/disk1/fst/pep_msa/C1o#21epsTue Feb 1 11:33:19 2022 Page 2 of 2

	" " " : " : • •	• • • •	" 	
Gallus_gallus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> V <mark>T</mark>	121
Pavo_muticus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> V <mark>T</mark>	121
Taeniopygia_guttata	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> V <mark>T</mark>	121
Pavo_cristatus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> V <mark>T</mark>	121
Chelonia_mydas	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Mus_musculus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Rattus_norvegicus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Macaca_mulatta	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Callithrix_jacchus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> I <mark>T</mark>	121
Pan_troglodytes	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Homo_sapiens	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Canis_lupus_familiaris	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	153
Equus_caballus	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGRD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Xenopus_tropicalis	ISESQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKGQD</mark> Y	<mark>CSEEED</mark> IT	121
Rhinatrema_bivittatum	ISDSQQEFFRMLDEK-	<mark>IEKG</mark> H <mark>DY</mark>	<mark>CSEEED</mark> IT	187
Bos_taurus	QSRSPGPFLRVHGPRR	PLPGARRGAGRAREPGAGRGRRW	<mark>GS</mark> VWLPPPLECTHLDRLSKKV	189
	190	.20021022	0230240	

Gallus_gallus		121
Pavo_muticus		121
Taeniopygia_guttata		121
Pavo_cristatus		121
Chelonia_mydas		121
Mus_musculus		121
Rattus_norvegicus		121
Macaca_mulatta		121
Callithrix_jacchus		121
Pan_troglodytes		121
Homo_sapiens		121
Canis_lupus_familiaris		153
Equus_caballus		121
Xenopus_tropicalis		121
Rhinatrema_bivittatum		187
Bos_taurus	DFPCV	194

• • • • •