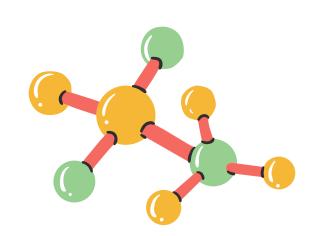


# Tendencias actuales en la búsqueda y desarrollo de fármacos

Talleres pre-simposio







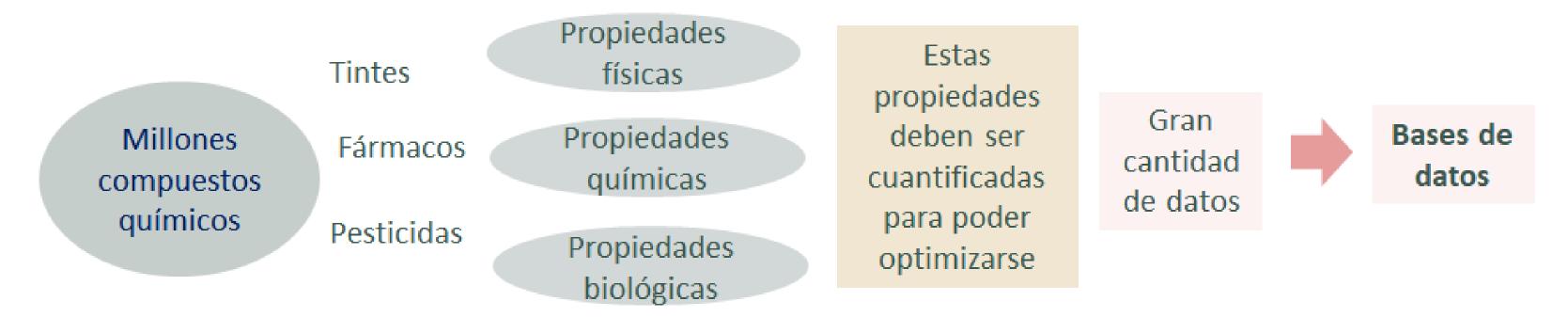
# BASES DE DATOS PubChem

## Objetivos

- Familiarizarse con el tipo de información disponible en bases de datos públicas y los diferentes tipos de búsqueda que pueden realizarse, de tal manera que la búsqueda de información se realice en forma sencilla y eficiente
- Utilizar PUG-REST para acceder a información disponible en PubChem mediante programación.
- Ejemplificar la adquisición de diferente tipo de información disponible en PubChem.

#### Base de datos

Estructura organizada de almacenamiento de información, normalmente asociada a un programa computacional.

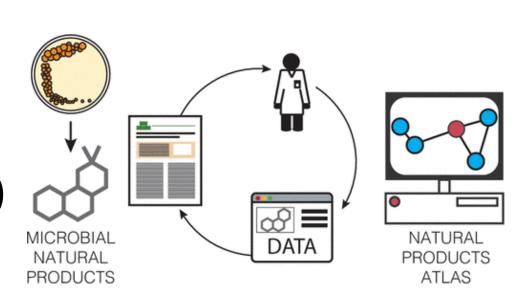


Esta información no debe ser ignorada ni tratada como resultados aislados e independientes, ya que puede conducir a obtener conclusiones valiosas en muchas áreas de la química, en especial en el diseño de fármacos.



#### Base de datos

- Públicas
- Institucionales / grupo (in-house)
  - Bibliotecas de química combinatoria
- Comerciales (MDDR, CRC Press, Prod. Nat)
- De novo: virtuales
  - Diseño de bibliotecas





## Base de datos públicas

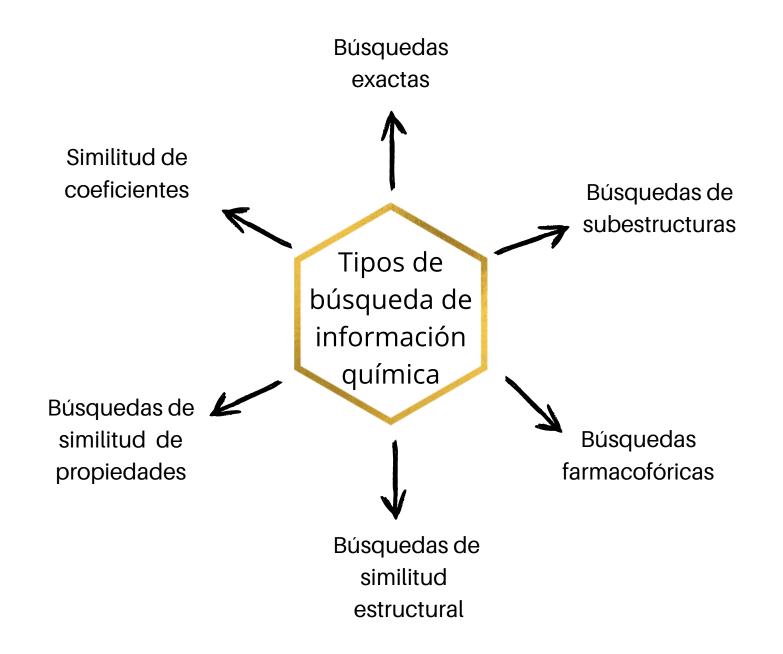
Nombre	Información	Información biológica	Link
ChEMBL	Búsqueda por compuesto, blanco, ensayo, indicación terapeútica.	Si	www.ebi.ac.uk/ch embl
Binding Database	Búsqueda por <b>compuesto, blanco o artículo.</b> Base de datos enfocada en las interacciones de moléculas pequeñas con proteínas que puedes ser blancos farmacológicos.	Si	www.bindingdb.o rg
PubChem	Búsqueda por <b>compuesto, blanco, patente o ensayo.</b> Sustancias, estructuras y datos de bioactividad.	Si	https://pubchem. ncbi.nlm.nih.gov/

## Base de datos públicas

Nombre	Información	Información biológica	Link
DrugBank	Búsqueda por compuesto, mecanismo de acción, indicación terapéutica y blanco. Fármacos aprobados por la FDA (moléculas pequeñas y biotecnológicos), nutracéuticos y fármacos en fase experimental con datos farmacológicos, ADME-Tox.	No	http://www.d rugbank.ca/
ChemSpider	Búsqueda por <b>compuesto.</b> Estructuras químicas de compuestos de interés y la predicción de muchos parámetros físico-químicos.	No	http://www.c hemspider.co m/
ZINC	Búsqueda por <b>compuesto, blanco, tipo de base de datos</b> Más de 13 millones de compuestos disponibles comercialmente. Pueden usarse para cribado virtual.	No	http://zinc.do cking.org/
Chemical Universe Database (GBD)	166.4 billones de moléculas de hasta 17 átomos incluyendo C,N,O,S y halógenos formando una base de datos de todos los compuestos en el espacio químico	No	http://www.g db.unibe.ch/

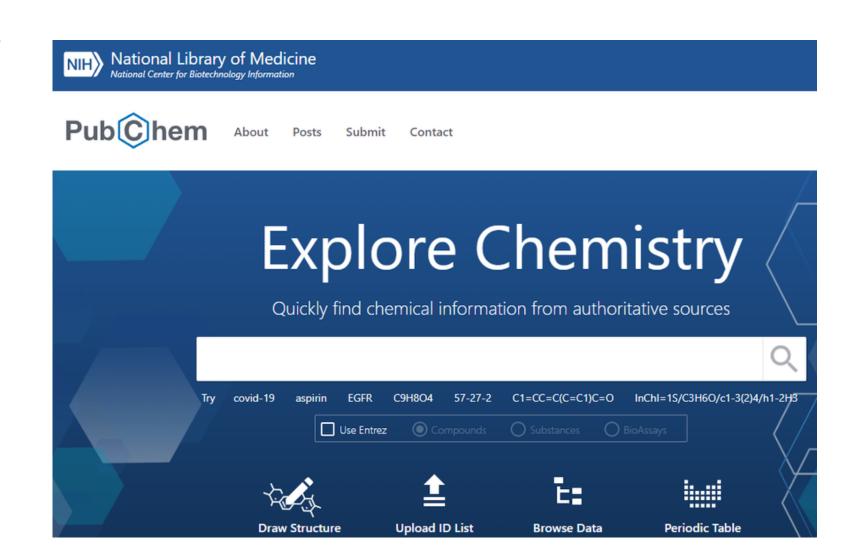
#### Minería de datos

- Extracción de información de bases de datos
- Ayuda a comprender el contenido de un repositorio de datos e identificar relaciones numéricas, patrones repetitivos, tendencias o reglas que expliquen el comportamiento de los datos en determinado contexto.

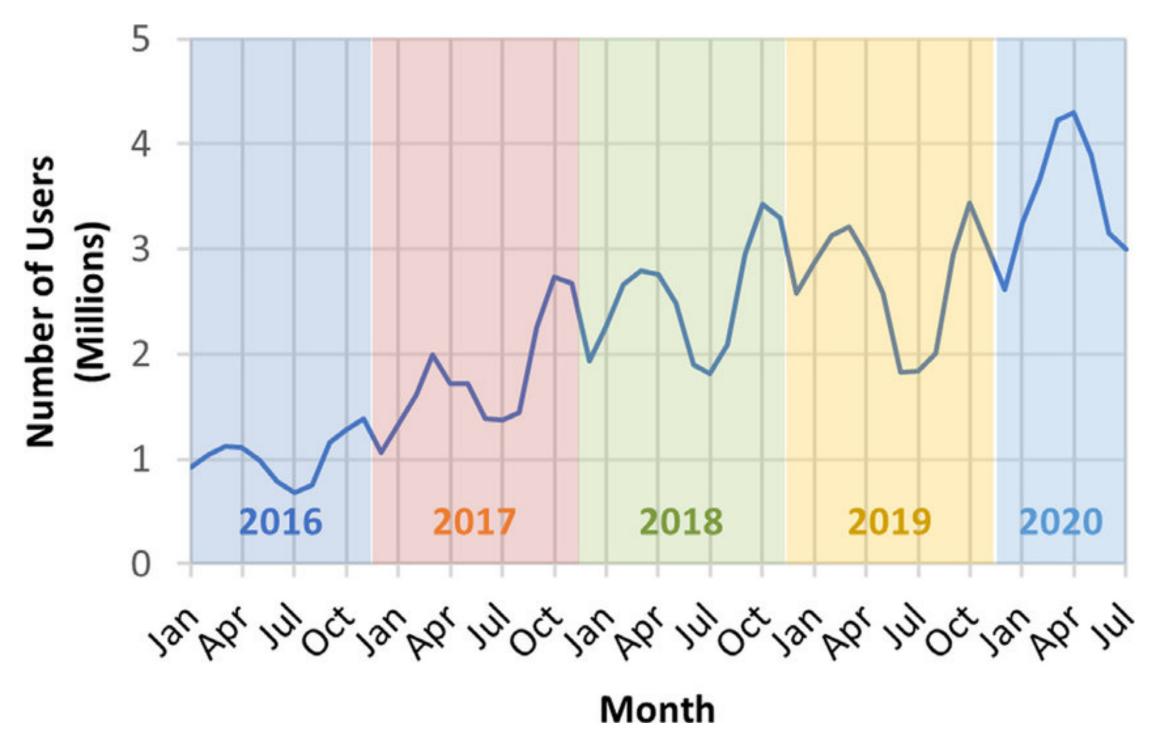




- Desarrollada y mantenida por Instituto Nacional de Salud de los Estados Unidos (NIH)
- Contiene varios tipos de entidades químicas:
  - Moleculas pequeñas
  - siRNAS y miRNAs
  - Carbohidratos
  - Lípidos
  - Péptidos



- Contiene información química de más de 760 recursos
- 111 millones de estructuras de compuestos únicos
- Conectada con otras bases de datos
- Herramientas de búsqueda, análisis, descarga y visualización.
- Recurso clave en muchas áreas
  - Quimioinformática
  - Química farmacéutica
  - Diseño de fármacos



# Explorar información química en PubChem

- 1. Búsqueda por nombre químico
- 2. Búsqueda por estructura química
- 3. Búsqueda por nombre del gen/proteína/ruta bioquímica
- 4. Tabla periódica y elementos de PubChem
- 5. Acceso mediante programación

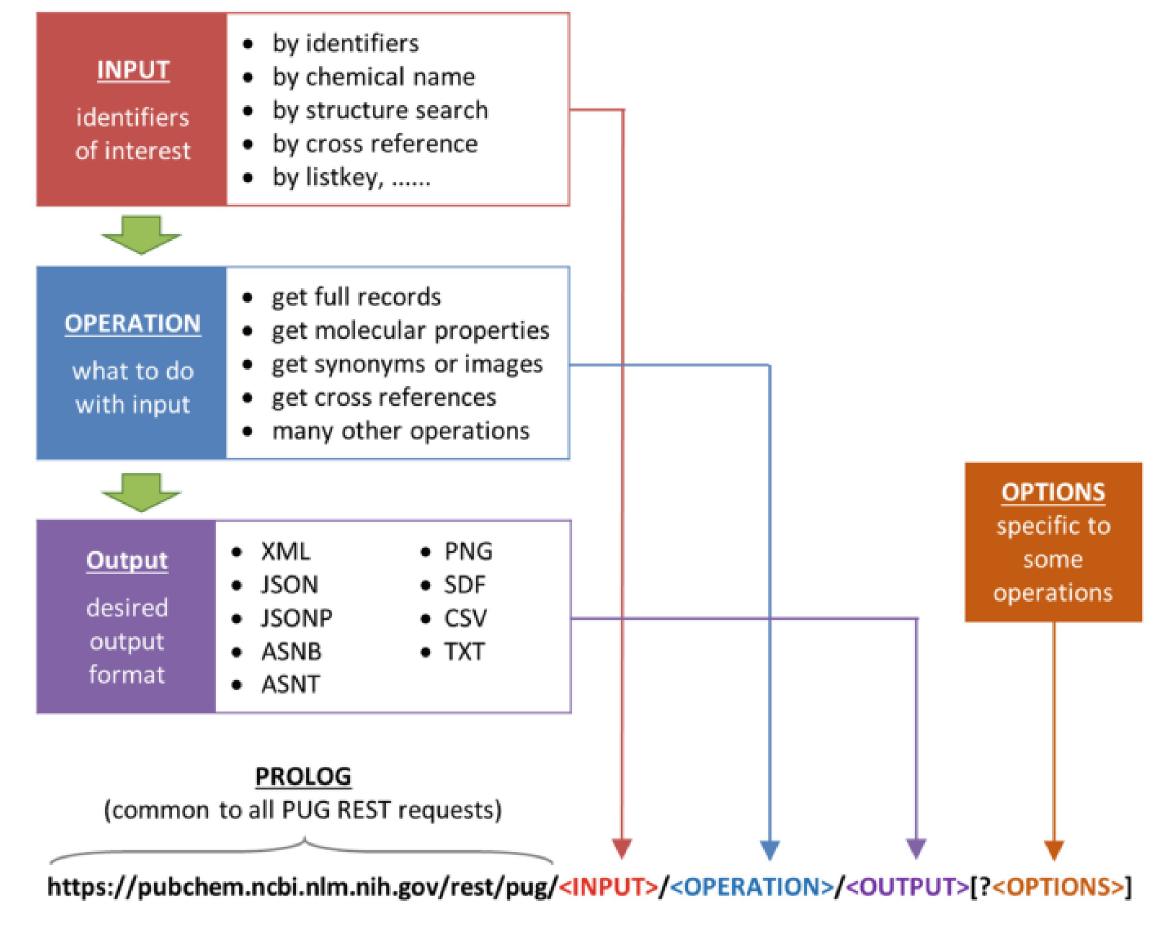
Todas las búsquedas hechas en el servidor de PubChem pueden ser automatizadas con el acceso mediante programación

#### Quimioinformática en PubChem

- Evaluación crítica de información química
- Representaciones químicas (InChl, SMILES, etc.)
  - Alternativas a búsquedas por nombre químico
  - Compartir/intercambiar/integrar datos químicos
- Búsqueda por nombre químico
- Búsqueda por estructura química
  - Identidad
  - Por similitud 2D/3D
  - Subestructura/superestructura
  - Fórmula molecular
- Análisis de relaciones estructura-actividad
- Automatización de recuperación de información química mediante código

#### Acceso a PubChem mediante programación

- Rutas de acceso múltiples
- Dos tipos de acceso:
  - PUG-REST (para propiedades calculadas)
     <a href="https://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/docs/pug-rest">https://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/docs/pug-rest</a>
  - PUG-View (para información en texto)
     <a href="https://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/docs/pug-view">https://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/docs/pug-view</a>
- Cuadernos de código (Jupyter) con código de ejemplo (Python/R) de libre acceso: <a href="https://chem.libretexts.org/link?143689">https://chem.libretexts.org/link?143689</a>



[Example]

https://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/rest/pug/compound/cid/853/record/XML?record\_type=3d

#### Materiales disponibles en:

- Sitio web del Committee on Computers in Chemical Education (CCCE) <a href="http://olcc.ccce.divched.org/Fall2015OLCC">http://olcc.ccce.divched.org/Fall2015OLCC</a>
- LibreTexts <a href="https://libretexts.org/">https://libretexts.org/</a>

OLCC	Sitio web	
2015	http://olcc.ccce.divched.org/Fall2015OLCC https://chem.libretexts.org/link?50589	
2017	http://olcc.ccce.divched.org/Spring2017OLCC https://chem.libretexts.org/link?83678	
2019	https://chem.libretexts.org/link?143689	

## Base de datos públicas

Nombre	Información	Información biológica	Link
ChEMBL	Búsqueda por compuesto, blanco, ensayo, indicación terapeútica.	Si	www.ebi.ac.uk/ch embl
Binding Database	Búsqueda por <b>compuesto, blanco o artículo.</b> Base de datos enfocada en las interacciones de moléculas pequeñas con proteínas que puedes ser blancos farmacológicos.	Si	www.bindingdb.o rg
PubChem	Búsqueda por <b>compuesto, blanco, patente o ensayo.</b> Sustancias, estructuras y datos de bioactividad.	Si	https://pubchem. ncbi.nlm.nih.gov/

#### ChEMBL

- Desarrollado por el Instituto Europeo de Bioinformática (EBI)
- Base de datos moleculares curada manualmente.
- Actualizada regularmente y es de libre acceso
- Tipo de información:
  - Dianas moleculares
  - Moléculas bioactivas



Current Release: ChEMBL 33

Provided under a Creative Commons Attribution-ShareAlike 3.0 Unported license Last Update on 2023-05-31T00:00:00 | Release notes











20,334,684



88,630



215

- Su estructura permite realizar:
  - Míneria de datos relacional
  - Cribado virtual
  - Modelado predictivo
  - Entre otras técnicas en el campo del descubrimiento de fármacos en quimioinformática

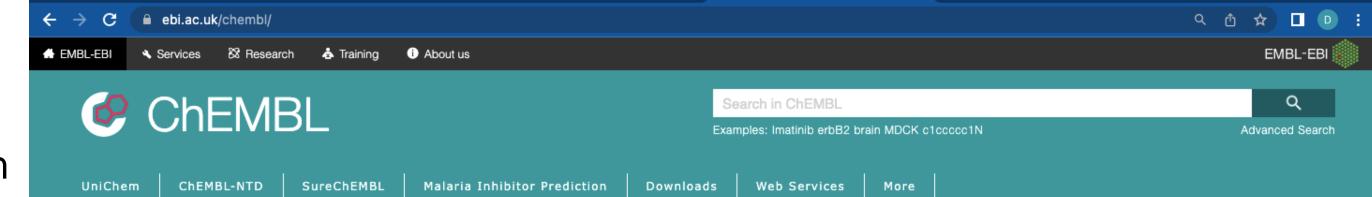
Contact Us

#### ChEMBL

Servidor web proporciona acceso a un amplio rango de datos sobre:

- Moléculas
- Blancos
- Mecanismos de acción
- Mediciones de bioactividad
- Documentos.





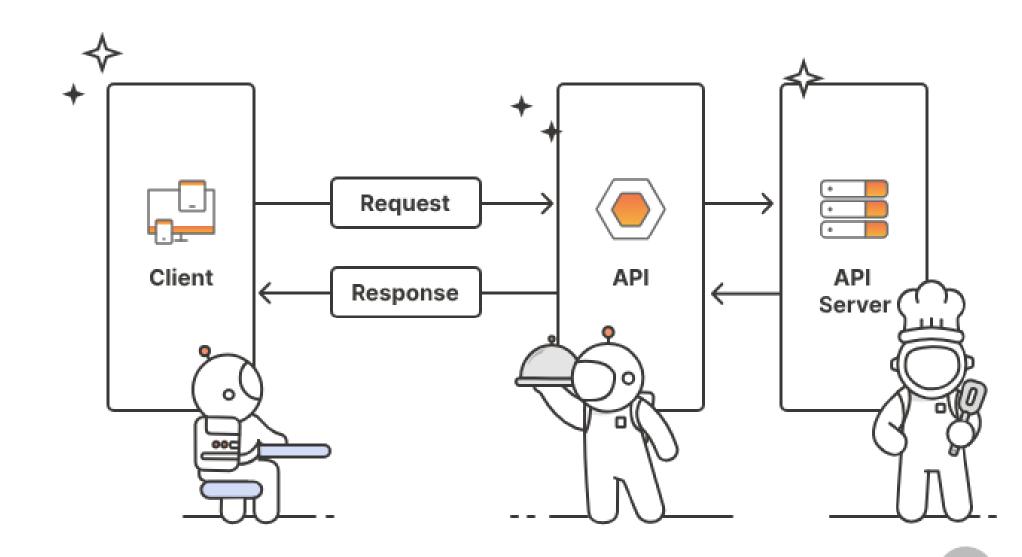
ChEMBL is a manually curated database of bioactive molecules with drug-like properties. It brings together chemical, bioactivity and genomic data to aid the translation of genomic information into effective new drugs.

Description: Shows a summary of the ChEMBL entities and quantities of

Instructions: Click on a bubble to explore a specific ChEMBL entity in more

#### **API**

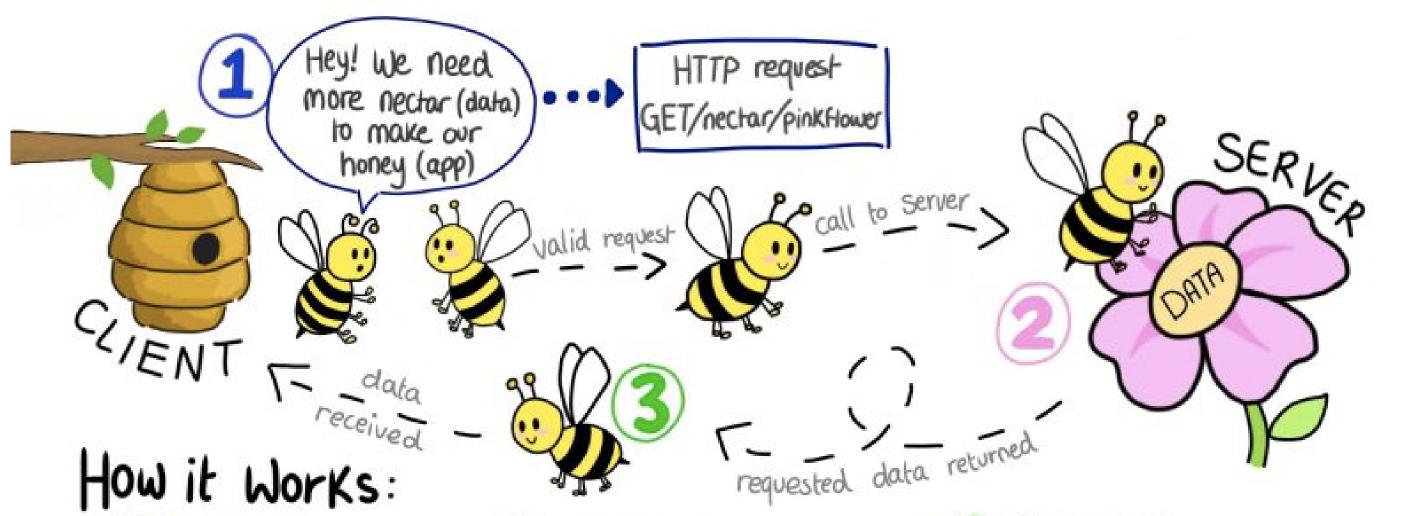
- Interfaz de programación de aplicación.
- Conjunto de reglas y protocolos que permite que distintas aplicaciones se comuniquen y compartan información entre sí.
- Son como puentes que permiten que la información fluya entre sistemas y aplicaciones.



#### @Rapid\_API

# What is an An application programming interface An application programs to communicate. On the web, APIs sit between an application and a

web server, and facilitate the transfer of data.



Request API call is intiated by by the Client application via a HTTP request

Receive

Our worker bee acts as an API, going to a flower (server) to collect nector (data)

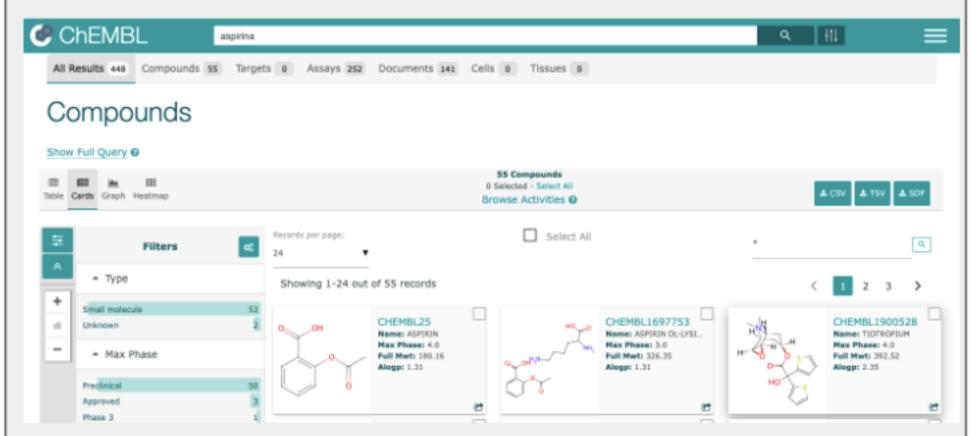
Response

The API transfers the requested data back to the requesting application, usually in JSON format

#### ChEMBL

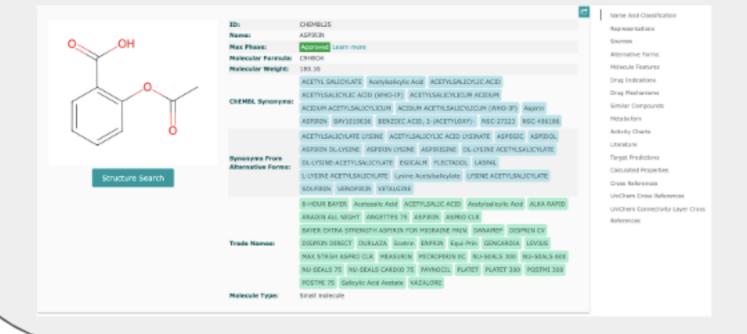
https://www.ebi.ac.uk/chembl/g/#search\_results/all/

query=aspirina



https://www.ebi.ac.uk/chembl/compound\_report\_car

d/CHEMBL25/





new\_client.molecule.filter(pref\_name\_\_iexact=
'aspirin')

new\_client.molecule..filter(chembl\_id='CHEMBL25').
only(['molecule\_chembl\_id',
'pref\_name','molecule\_structures'])

molecule_chembl_id		molecule_structures	pref_name	1.
0	CHEMBL25	{'canonical_smiles': 'CC(=O)Oc1ccccc1C(=O)O',	ASPIRIN	
1	CHEMBL25	{'canonical_smiles': 'CC(=O)Oc1ccccc1C(=O)O',	ASPIRIN	

### ¡Gracias por la atención!

