

# **GEKID PLUS Export**

## **Version 1.5**

### **Anleitung**

**Anleitung Version 1.0**

**07.08.2014**

## Inhalt

|                                           |   |
|-------------------------------------------|---|
| Voraussetzungen .....                     | 3 |
| Zugangskennung Krebsregister .....        | 3 |
| Patientendaten.....                       | 3 |
| Stammdaten .....                          | 3 |
| Tumorstatus Formular.....                 | 3 |
| Meldung KR Formular.....                  | 4 |
| Benötigte Formulare .....                 | 4 |
| Der Export.....                           | 5 |
| Export starten.....                       | 5 |
| Export History.....                       | 5 |
| Listenansicht nach Start des Exports..... | 6 |

## Voraussetzungen

### Zugangskennung Krebsregister

Jedem Melder, der einen Export durchführen will, muss eine Zugangskennung für das Krebsregister vorliegen. Diese erhalten Sie vom zuständigen Krebsregister. Tragen Sie die Kennung im entsprechenden Feld in den Vorlagen für den Benutzer ein:

The screenshot shows a user management interface. The 'Benutzer' section contains fields for 'Anrede, Titel' (set to 'Frau'), 'Nachname', and 'Vorname'. The 'Identifikation' section includes 'Fachabteilung', 'Teilnahme am DMP', 'Teilnahme an Netzwerk / interner Qualitätssicherung', 'Zugangskennung Krebsregister' (circled in black with the value '1234'), 'Melder Kürzel (KR Rheinland-Pfalz)', 'Vertragsarzt-Nr.', 'Lebenslange Arztnummer', 'Betriebsstättennummer', and 'Einheitliche Fortbildungsnr.'. A red arrow points from a yellow callout box 'vom Krebsregister zu erhalten' to the 'Zugangskennung Krebsregister' field.

### Patientendaten

Um einen Patienten exportieren zu können müssen bestimmte Daten dokumentiert sein. Dies wird in den folgenden Abschnitten genauer beschrieben. Es muss mindestens eine „Erkrankung“ unter einem Patienten angelegt werden. In dieser muss mindestens ein „Tumorstatus“-Formular und ein „Meldung KR“-Formular angelegt sein.

### Stammdaten

In den Stammdaten müssen neben den Pflichtfeldern folgende Felder zusätzlich ausgefüllt sein:

- Geschlecht
- Adressdaten

### Tumorstatus Formular

Im Tumorstatus Formular müssen neben den Pflichtfeldern folgende Felder zusätzlich ausgefüllt sein:

- Morphologie

Es werden nur Fälle exportiert die eine Hauptdiagnose aus folgenden Bereichen haben:

C00.0 - C97.9  
D00.0-D09.9  
D32.0 – D33.9  
D37.0 -D48.9  
Q85.0  
Z08.\*  
Z51.1 / Z85.\*

Es werden des Weiteren nur Fälle exportiert, deren **Morphologie-Code** im **Bereich 8000-9989** liegt und auf der **/1, /2, /3, /6 oder 9** endet.

Es werden nur Fälle exportiert bei denen Anlass „**Beurteilung Primärtumor**“ ist.

### Meldung KR Formular

In jeder Erkrankung, die exportiert werden soll, muss mindestens ein Meldung KR Formular vollständig dokumentiert sein. Das Datum der Meldung wird beim Ausführen des Exportes berücksichtigt wenn der Datumbereich ausgewählt wird.

The screenshot shows a web-based form titled 'Krebsregister-Meldung'. At the top, there are navigation tabs: 'Patienten', 'Konferenzen', 'Benutzer', 'Rechte', 'Auswertungen', 'Vorlagen', and 'Extras'. Below these, there's a header bar with 'Praxis/Klinik:' and 'Rolle:'. The main form area contains several input fields: 'Datum der Meldung \*' with a date picker set to 13.04.2013, 'meldender Arzt' with a dropdown menu, 'Meldebegründung \*' with a dropdown menu showing 'Patient(in) ist informiert und hat Kontaktaufnahme nicht widersprochen', and 'Datum der Patientenerklärung' with a date picker set to 09.03.2013. Below these fields is a large text area labeled 'Bemerkung'. At the bottom right of the form is a button labeled 'Abbrechen'.

### Benötigte Formulare

Damit ein Fall überhaupt exportiert wird, müssen wie schon beschrieben, mindestens ein Tumorstatus- und Meldung KR Formular angelegt sein. Zur Datengewinnung für den Export werden noch weitere Formulare benutzt (sofern vorhanden):

#### Relevant für Abschnitt Melder

Hier werden die Daten aus dem Export-Formular herangezogen und die des meldenden Arztes.

#### Relevant für Abschnitt Patient

- Stammdaten

#### Relevant für Abschnitt Diagnose

- Tumorstatus

#### Relevant für Abschnitt Therapie

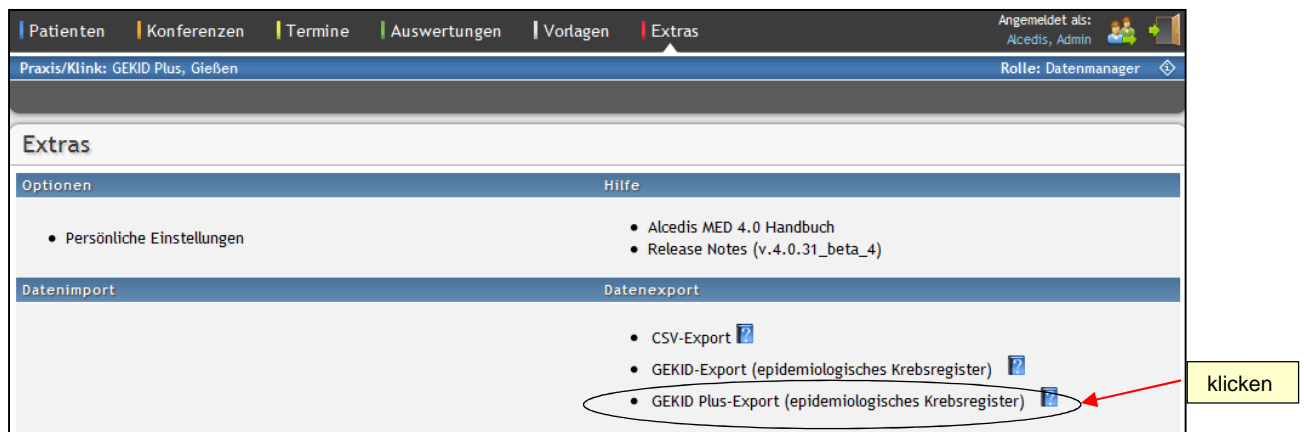
- Systemische Therapie
- Strahlentherapie
- Sonstige Therapie
- Eingriff Formular

#### Relevant für Todesdatum

- Abschluss

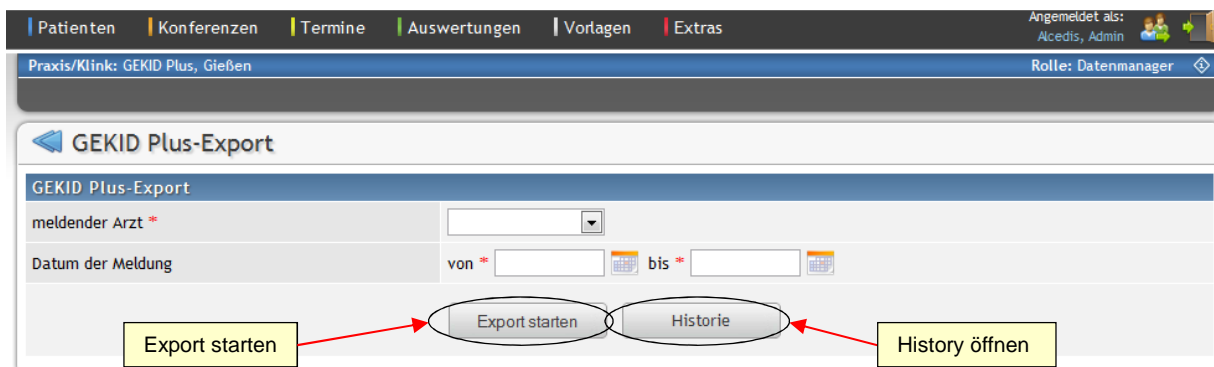
## Der Export

Nachdem die Daten dokumentiert wurden, ist unter dem Reiter „Extras“ am Abschnitt „Datenexport“ der Button für den GEKID-Export aufzurufen:



## Export starten

Hier muss der meldende Arzt sowie der Zeitraum des Exportes gewählt werden. Der gewählte Zeitraum bezieht sich auf das Datum der Meldung im Meldung KR Formular.



## Export History

Hier sind alle in der Vergangenheit durchgeführten Exporte (seit Umstellung auf den neuen GEKID Plus Export mit AlcedisMED 4.0.31) aufgeführt.

Sie können alle Export-Dateien nochmals herunterladen durch Klicken auf den Button „Download“.

Es besteht auch die Möglichkeit, den jeweils letzten Export komplett zu löschen.

| <a href="#">Patienten</a> <a href="#">Konferenzen</a> <a href="#">Termine</a> <a href="#">Auswertungen</a> <a href="#">Vorlagen</a> <a href="#">Extras</a> |                                    |            |                                        |                          | Angemeldet als:<br>Alcedis, Admin |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------|------------|----------------------------------------|--------------------------|-----------------------------------|
| Praxis/Klinik: GEKID Plus, Gießen                                                                                                                          |                                    |            |                                        |                          | Rolle: Datenmanager               |
| Export History                                                                                                                                             |                                    |            |                                        |                          |                                   |
| Download                                                                                                                                                   | Dateiname                          | Datum      | Filter                                 | Aktion                   |                                   |
|                                                                                                                                                            | gekid_plus_2014-07-24_10-04-18.zip | 24.07.2014 | von => 2014-05-05<br>bis => 2014-06-10 | <button>Löschen</button> |                                   |
|                                                                                                                                                            | gekid_plus_2014-07-24_10-02-42.zip | 24.07.2014 | von => 2014-05-05<br>bis => 2014-06-10 |                          |                                   |

## Listenansicht nach Start des Exports

In der Listen-Ansicht werden alle exportierten und ggf. nicht exportierbaren Datensätze angezeigt.

Patienten

Konferenzen

Termine

Auswertungen

Vorlagen

Extras

Angemeldet als:  
Alcedis, Admin

Praxis/Klinik: GEKID Plus, Gießen

Rolle: Datenmanager

GEKID Plus-Export

Fehlerliste



Es können 4 Fälle erfolgreich exportiert werden



Es können 0 Fälle nicht exportiert werden

| Fehlermeldungen             |      |              |            |       |           |              |
|-----------------------------|------|--------------|------------|-------|-----------|--------------|
| Export                      | Name | Geburtsdatum | Erkrankung | Seite | Abschnitt | Gestartet am |
| Es liegen keine Fehler vor. |      |              |            |       |           |              |

| Warnungen                      |      |              |            |       |           |              |
|--------------------------------|------|--------------|------------|-------|-----------|--------------|
| Export                         | Name | Geburtsdatum | Erkrankung | Seite | Abschnitt | Gestartet am |
| Es liegen keine Warnungen vor. |      |              |            |       |           |              |

Export löschen

Exportieren

Bei den nicht exportierbaren Datensätzen kann durch Klicken auf den Patientennamen die Fehlermeldung des Krebsregister-Schemafelds bzw. der zusätzlichen Validierungen beim Export angezeigt werden. Ggf. muss also nach Korrekturen in der Dokumentation der Export erneut gestartet werden.

Nach Klicken auf „Exportieren“ befindet sich die erstellte Export-Datei verlinkt zum Download. Diese ist ggf. zu verschlüsseln und auf dem vom Krebsregister vorgegebenen Wege dorthin zu übermitteln:

|                                                                                                                                                            |  |  |  |  |                                   |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--|--|--|--|-----------------------------------|
| <a href="#">Patienten</a> <a href="#">Konferenzen</a> <a href="#">Termine</a> <a href="#">Auswertungen</a> <a href="#">Vorlagen</a> <a href="#">Extras</a> |  |  |  |  | Angemeldet als:<br>Alcedis, Admin |
| Praxis/Klinik: Alcedis GmbH, Gießen                                                                                                                        |  |  |  |  | Rolle: Datenmanager               |
| GEKID Plus-Export                                                                                                                                          |  |  |  |  |                                   |
| Herunterladen                                                                                                                                              |  |  |  |  |                                   |
| <a href="#">Export Datei</a>                                                                                                                               |  |  |  |  |                                   |



| path                                            | Feld                 | cardinality | Feldtyp               | Feldlänge | Datenbereich                                                                                       | Herkunft Formular                   | Herkunft Feld                   | Bedingungen                                                                                                                                                              | Funktionalität                                                                                                                                                                                                                                       | Validierungen beim Export                                                         |
|-------------------------------------------------|----------------------|-------------|-----------------------|-----------|----------------------------------------------------------------------------------------------------|-------------------------------------|---------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------|
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | patient                             | hausnr                          |                                                                                                                                                                          | wenn nicht in der Straße angegeben                                                                                                                                                                                                                   |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Hausnummer          | Hausnummer           | 1..1        | xs:positiveInteger    | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          | numerischen Anteil aus hausnr verwenden<br>Beispiel: "24a" dokumentiert, dann wird hier "24" exportiert                                                                                                                                              |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | patient                             | hausnr                          |                                                                                                                                                                          | Zeichen hinter der Hausnummer.<br>Beispiel:<br>Bei "Teststr. 18-22 a-d" wird hier "-22 a-d" eingetragen.                                                                                                                                             |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Postfix             | Postfix              | 1..1        | xs:string             | 1 - 10    | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          | nicht-numerischen Anteil (nach der Zahl) aus hausnr verwenden                                                                                                                                                                                        |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Postleitzahl        | Postleitzahl         | 1..1        | xs:string             | 1 - 10    | -                                                                                                  | patient                             | plz                             |                                                                                                                                                                          | Beispiel: Bei "Teststr. 18-22 a-d" wird hier "-22 a-d" eingetragen.                                                                                                                                                                                  |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Ort                 | Ort                  | 1..1        | xs:string             | -         | -                                                                                                  | patient                             | ort                             |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | abschluss                           | todesdatum                      | Format: TT.MM.JJJJ                                                                                                                                                       |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Todesdatum          | Todesdatum           | 1..1        | Datum_Tod_Typ         | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      | > GEBURTSDATUM<br>>= DIAGNOSEDATUM<br><= TODAY<br><= MELEDEDATUM<br>>= 01.01.1985 |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Todesursache        | Todesursache         | 0..1        | xs:string             | -         | -                                                                                                  | abschluss                           | tod_ursache<br>tod_ursache_text |                                                                                                                                                                          | Beispiel:<br>"I46.9: Sonstige Formen der Herzkrankheit: Herzstillstand, nicht näher bezeichnet"                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Person/Meldebegruendung    | Meldebegruendung     | 1..1        | xs:token              | 1 - 1     | [ADE VW]                                                                                           | ekr                                 | meldebegruendung                | je nach Bundesland unterschiedlich<br>(siehe l_basic.kr_meldetyp und Tabellenblatt Meldebegründungen)                                                                    | keine Codierung notwendig, da MED die GEKID-Codes verwendet                                                                                                                                                                                          |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor                      |                      | 1..1        |                       | -         | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Referenznummer       | Referenznummer       | 1..1        | xs:string             | 1 - n     | -                                                                                                  | patient                             | patient_nr                      |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | histologie -> untersuchung/eingriff | datum                           | Format: TT<br>aus Datumsfeld in MED der Tag                                                                                                                              | Es wird die früheste Histologie oder Zytologie des Anlasses gesucht, als Diagnosedatum wird dann das Datum der zugrundeliegenden Untersuchung bzw. des zugrundeliegenden Eingriffes exportiert.                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | zytologie -> untersuchung/eingriff  | datum                           |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | datum_sicherung                 |                                                                                                                                                                          | Ist keine Histologie oder Zytologie bzw. keine zugrundeliegende Untersuchung oder Eingriff dokumentiert, wird aus dem Feld "Datum der Sicherung" des zeitlich frühesten Formulars "Tumorstatus" des Anlasses das Datum als Diagnosedatum exportiert. |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnosetag          | Diagnosetag          | 1..1        | xs:nonNegativeInteger | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | histologie -> untersuchung/eingriff | datum                           | Format: MM<br>aus Datumsfeld in MED der Monat                                                                                                                            | Es wird die früheste Histologie oder Zytologie des Anlasses gesucht, als Diagnosedatum wird dann das Datum der zugrundeliegenden Untersuchung bzw. des zugrundeliegenden Eingriffes exportiert.                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | zytologie -> untersuchung/eingriff  | datum                           |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | datum_sicherung                 |                                                                                                                                                                          | Ist keine Histologie oder Zytologie bzw. keine zugrundeliegende Untersuchung oder Eingriff dokumentiert, wird aus dem Feld "Datum der Sicherung" des zeitlich frühesten Formulars "Tumorstatus" des Anlasses das Datum als Diagnosedatum exportiert. |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnosemonat        | Diagnosemonat        | 1..1        | xs:nonNegativeInteger | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | histologie -> untersuchung/eingriff | datum                           | Format: JJJJ<br>aus Datumsfeld in MED das Jahr                                                                                                                           | Es wird die früheste Histologie oder Zytologie des Anlasses gesucht, als Diagnosedatum wird dann das Datum der zugrundeliegenden Untersuchung bzw. des zugrundeliegenden Eingriffes exportiert.                                                      | >= Geburtsjahr<br><= Todesjahr<br><= Melde_Jahr<br>>= 4985-1990                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | zytologie -> untersuchung/eingriff  | datum                           |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | datum_sicherung                 |                                                                                                                                                                          | Ist keine Histologie oder Zytologie bzw. keine zugrundeliegende Untersuchung oder Eingriff dokumentiert, wird aus dem Feld "Datum der Sicherung" des zeitlich frühesten Formulars "Tumorstatus" des Anlasses das Datum als Diagnosedatum exportiert. |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnosejahr         | Diagnosejahr         | 1..1        | xs:positiveInteger    | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           | C00.0 - C97<br>D00.0 - D09.9<br>D32.0 - D33.9<br>D37.0 - D48.9<br>Q85.0<br>Z08.*<br>Z51.1<br>Z85.* | tumorstatus                         | diagnose                        | BEDINGUNG 1: aus Tumorstatus mit Anlass "Beurteilung Primärtumor" mit Sicherungsgrad "endgültig", falls nicht vorhanden zeitlich neuester mit Sicherungsgrad "vorläufig" |                                                                                                                                                                                                                                                      | Feld muss ausgefüllt sein                                                         |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/ICD                  | ICD                  | 1..1        | xs:string             | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnose_Freitext    | Diagnose_Freitext    | 1..1        | xs:string             | 1 - 254   | -                                                                                                  | tumorstatus                         | diagnose_text                   | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                              |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | morphologie                     | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                              |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Morphologie_Code     | Morphologie_Code     | 0..1        | xs:string             | 1 - 6     | 8000-9989; /0,1/2/3,/6,/9                                                                          |                                     |                                 | Bitte beachten: auch Fälle ohne Morphologie werden exportiert!                                                                                                           |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | morphologie_text                | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                              |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Morphologie_Freitext | Morphologie_Freitext | 1..1        | xs:string             | 1 - n     | -                                                                                                  |                                     |                                 | Bitte beachten: auch Fälle ohne Morphologie werden exportiert!                                                                                                           |                                                                                                                                                                                                                                                      |                                                                                   |
|                                                 |                      |             |                       |           |                                                                                                    | tumorstatus                         | morphologie                     | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                              | Die Ziffer, die rechts von "/" steht                                                                                                                                                                                                                 |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Dignitaet            | Dignitaet            | 1..1        | xs:string             | 1 - 1     | 0,1,2,3,/6,/9                                                                                      |                                     |                                 |                                                                                                                                                                          | Beispiel: dokumentiert ist "8099/2", dann "2" exportieren                                                                                                                                                                                            |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/ICD_Auflage          | ICD_Auflage          | 0..1        | xs:string             | -         | -                                                                                                  |                                     |                                 | 10                                                                                                                                                                       | immer "10" exportieren                                                                                                                                                                                                                               |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Topographie_Code     | Topographie_Code     | 1..1        | xs:string             | 1 - 5     | C00.0 - C80.9                                                                                      | tumorstatus                         | lokalisation                    | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                              | falls leer: l exp diagnose to lokalisation                                                                                                                                                                                                           |                                                                                   |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/ICDO_Auflage         | ICDO_Auflage         | 0..1        | xs:string             | -         | -                                                                                                  |                                     |                                 | 3                                                                                                                                                                        | immer "3" exportieren                                                                                                                                                                                                                                |                                                                                   |



| path                                          | Feld               | cardinality | Feldtyp   | Feldlänge | Datenbereich                                                                                                                                                                                                                                                      | Herkunft Formular | Herkunft Feld                                    | Bedingungen                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      | Funktionalität                                                                                                                                                                                                                                                                       | Validierungen beim Export |
|-----------------------------------------------|--------------------|-------------|-----------|-----------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------------------|--------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------|
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Grading            | Grading            | 1..1        | xs:string | 1         | 1=gut differenziert<br>2=mäßig differenziert<br>3=schlecht differenziert<br>4=undifferenziert/annapl.<br>X=nicht bestimmbar<br>L=low grade (G1 oder G2)<br>M=intermediate (G2 oder G3)<br>H=high grade (G3 oder G4)<br>G=Grenzfall bzw. Borderline<br>U=unbekannt | tumorstatus       | grading                                          | BEDINGUNG 1<br><br>wenn leer: "U" exportieren                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    | Codierung nur für G notwendig, siehe L_basic.g<br><br>wenn leer: "U" exportieren                                                                                                                                                                                                     |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Zelltyp            | Zelltyp            | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | 1=T-Zell-Typ<br>B=B-Zell-Typ<br>N=Null-Zell-Typ<br>K=Natural-Killer-Zell-Typ<br>X=nicht bestimmbar<br>U=unbekannt                                                                                                                                                 | tumorstatus       | immun_phaenotyp                                  | BEDINGUNG 1<br><br>Nur wenn Erkrankung "Sonstiger nicht solider Tumor" oder "Lymphom"                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            | keine Codierung notwendig, da MED die GEKID-Codes verwendet<br><br>wenn leer: "U" exportieren                                                                                                                                                                                        |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnosesicherung  | Diagnosesicherung  | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | 1=klinisch ohne spez. Diagnostik<br>2=klinische Diagnostik<br>4=spez. Tumormaker<br>5=Zytologie<br>6=Histologie Metastase<br>7=Histologie Primärtumor<br>8=Sonstige<br>9=Unbekannt                                                                                | tumorstatus       | diagnosesicherung<br>morphologie<br>lokalisation | BEDINGUNG 1<br><br>Codierung: siehe L_basic.diagnosesicherung<br><br>wenn diagnosesicherung nicht dokumentiert: siehe Funktionalität                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                             | wenn Morphologie vorhanden und lokalisation ist nicht "C80.9" und Code endet auf /0 , /1, /2 oder /3: "7"<br><br>wenn Morphologie vorhanden und lokalisation ist "C80.9" und Code endet auf /3: "6"<br><br>sonst: wenn mind. ein Formular Zytologie vorhanden: "5"<br><br>sonst: "9" |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Diagnoseanlass     | Diagnoseanlass     | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | E=Eigenuntersuchung (Selbstuntersuchung)<br>F=gesetzl. Früherkennung<br>V=nicht gesetzl. Vorsorge<br>A=Anamnese<br>N=Nachsorge<br>T=Tumorsymptomatik<br>U=Unbekannt                                                                                               | anamnese          | entdeckung                                       | aus zeitlich ältestem Anamnese-Formular im Zeitraum des Anlasses Primärtumor                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     | Codierung: siehe L_basic.entdeckung<br><br>wenn leer: "U" exportieren                                                                                                                                                                                                                |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Seitenlokalisation | Seitenlokalisation | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | (L=links<br>R=rechts<br>B=beidseits<br>T=Trifft nicht zu<br>U=unbekannt                                                                                                                                                                                           | tumorstatus       | lokalisation_seite<br><br>diagnose_seite         | BEDINGUNG 1<br><br>wenn lokalisation_seite nicht gefüllt, dann beachte diagnose_seite                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            | keine Codierung notwendig, da MED die GEKID-Codes verwendet<br><br>wenn lokalisation dokumentiert, aber lokalisation_seite leer: "T"<br><br>wenn lokalisation und lokalisation_seite nicht dokumentiert: "U"                                                                         |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Grobstadium        | Grobstadium        | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | I=in situ<br>L=lokal<br>R=regional<br>F=Fernmetastasen<br>S=Systemerkrankung<br>U=unbekannt                                                                                                                                                                       | tumorstatus       | tumorausbreitung                                 | BEDINGUNG 1<br><br>Codierung: siehe Kodierungsreferenz                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           | wenn leer: "U" exportieren                                                                                                                                                                                                                                                           |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/y                  | y                  | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | y = nach Therapie                                                                                                                                                                                                                                                 | tumorstatus       | tnm_prefix                                       | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      | wenn "y" oder "yr" dokumentiert: "y"                                                                                                                                                                                                                                                 |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/r                  | r                  | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | r = Rezidiv                                                                                                                                                                                                                                                       | tumorstatus       | tnm_prefix                                       | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      | wenn "yr" oder "r" dokumentiert: "r"                                                                                                                                                                                                                                                 |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/a                  | a                  | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | a = autoptisch                                                                                                                                                                                                                                                    | tumorstatus       | tnm_prefix                                       | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      | wenn "a" dokumentiert: "a"                                                                                                                                                                                                                                                           |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Praefix_TNM        | Praefix_TNM        | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | c=prätherapeutische klinische Klassifikation<br>p=postoperative histopathologische Klassifikation                                                                                                                                                                 | tumorstatus       | t<br><br>tnm_prefix                              | BEDINGUNG 1<br><br>Nur exportieren wenn ein Wert bei T dokumentiert<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_prefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_prefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem t dokumentiert ist (wenn vorhanden).<br><br>Beispiel:<br>Tumorstatus vom 12.05.2013 ist "y pT0" dokumentiert<br>Tumorstatus vom 01.02.2013 ist "cT1" dokumentiert (ohne tnm_prefix)<br>dann exportiere: "c" (und "1" bei dem Feld T) | wenn t mit "p" beginnt: "p"<br>wenn t mit "c" beginnt: "c"                                                                                                                                                                                                                           |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/T                  | T                  | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                                                                                                                                                 | tumorstatus       | t                                                | BEDINGUNG 1<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_prefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_prefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem t dokumentiert ist (wenn vorhanden).                                                                                                                                                                                                                                                         | Codierung: L_basic.ct, L_basic.pt                                                                                                                                                                                                                                                    |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Multi              | Multi              | 1..1        | xs:string | 1 - n     | [m2345]?                                                                                                                                                                                                                                                          | tumorstatus       | multifokal                                       | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      | wenn Checkbox gesetzt: "m"<br><br>sonst: leer                                                                                                                                                                                                                                        |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/N                  | N                  | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                                                                                                                                                 | tumorstatus       | n                                                | BEDINGUNG 1<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_prefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_prefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem n dokumentiert ist (wenn vorhanden).                                                                                                                                                                                                                                                         | Codierung: L_basic.cn, L_basic.pn                                                                                                                                                                                                                                                    |                           |

| path                                             | Feld                  | cardinality | Feldtyp   | Feldlänge | Datenbereich                                                                                                                     | Herkunft Formular                       | Herkunft Feld                                                                                                                                                                                                                                                                      | Bedingungen                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | Funktionalität                                                                                                                                                                                                                                                                 | Validierungen beim Export       |
|--------------------------------------------------|-----------------------|-------------|-----------|-----------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------------|
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/M                     | M                     | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                | tumorstatus                             | m                                                                                                                                                                                                                                                                                  | BEDINGUNG 1<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_praefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_praefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem m dokumentiert ist (wenn vorhanden).                                 | Codierung: L_basic.cm, L_basic.pm                                                                                                                                                                                                                                              |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/R                     | R                     | 1..1        | xs:string | 1 - n     | RX; R0; R1; R2                                                                                                                   | tumorstatus                             | r                                                                                                                                                                                                                                                                                  | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | Codierung: L_basic.r                                                                                                                                                                                                                                                           |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/UICC_Stadium          | UICC_Stadium          | 1..1        | xs:string | 1 - n     | 0; 0A, 0IS; I; IA; IA1; IA2; IB; IB1; IB2; IC; IIA; IIA1; IIA2; IIB; IIC; III; IIIA; IIIB; IIIC; IIIC1; IIIC2; IV; IVA; IVB; IVC | tumorstatus                             | uicc                                                                                                                                                                                                                                                                               | BEDINGUNG 1<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_praefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_praefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem uicc dokumentiert ist (wenn vorhanden).                              | Codierung: L_basic.uicc                                                                                                                                                                                                                                                        |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/TNM_Auflage           | TNM_Auflage           | 0..1        | xs:string | -         | -                                                                                                                                |                                         |                                                                                                                                                                                                                                                                                    | 6 oder 7: siehe Funktionalität<br><br>nur exportieren wenn mindestens 1 oder n oder m gefüllt ist                                                                                                                                                                                                                          | Für alle Formulare mit "Datum der Sicherung" bis einschließlich 31.12.2009: "6" exportieren<br><br>Für alle Formulare mit "Datum der Sicherung" ab 01.01.2010: "7" exportieren<br><br>Formular bezieht sich auf das Formular Tumorstatus, aus dem auch das Feld T geholt wird. |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Tumorgroesse          | Tumorgroesse          | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                | tumorstatus                             | groesse_x<br>groesse_y<br>groesse_z                                                                                                                                                                                                                                                | BEDINGUNG 1<br><br>Wenn im zeitlich neuesten Tumorstatus tnm_praefix mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert, dann nimm nicht diesen Tumorstatus, sondern zeitlich neuester davor in dem tnm_praefix nicht mit "y", "yr" oder "r" dokumentiert und in dem mind eine groesse_" dokumentiert ist (wenn vorhanden).               | den größten dokumentierten Wert exportieren<br>Beispiel:<br>"3x6x5" dokumentiert: "6" exportieren                                                                                                                                                                              |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Breslow               | Breslow               | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                | histologie_einzel                       | tumordicke                                                                                                                                                                                                                                                                         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            | Wenn mehrere Einzelhistologien im Zeitraum des Anlasses mit einem Wert: höchsten Wert nehmen                                                                                                                                                                                   |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Gleason_Score         | Gleason_Score         | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                | tumorstatus                             | gleason1<br>gleason2                                                                                                                                                                                                                                                               | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | tumorstatus.gleason1 + tumorstatus.gleason2<br>Beispiel:<br>3b + 4 wird zu "7b" im Export                                                                                                                                                                                      |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Andere_Klassifikation | Andere_Klassifikation | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                                                                                                                                | tumorstatus                             | wenn ann_arbor_stadium nicht leer:<br>CONCAT_WS(" ", ann_arbor_stadium,<br>ann_arbor_aktivitaetsgrad,<br>ann_arbor_extralymphtisch)<br>sonst cll_rai falls nicht leer<br>sonst cll_binet falls nicht leer<br>sonst aml_fab falls nicht leer<br>sonst durie_salmon falls nicht leer | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | Keine Leerzeichen zwischen den Codierungen!<br>Bei ann_arbor nur die Hauptstadien I bis IV exportieren, ohne "r" und alles was nach "r" kommt!<br><b>Bitte hinter der Klassifikation das Label anzeigen:</b><br>Ann Arbor, CLL Rai, CLL Binet, AML FAB, Durie Salmon           |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Oestrogen_Status      | Oestrogen_Status      | 0..1        | xs:string | 1 - n     | NB = nicht bestimmt<br>positiv<br>negativ                                                                                        | tumorstatus                             | estro_urteil                                                                                                                                                                                                                                                                       | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | dokumentierten Wert exportieren (Bsp.: "70")<br>wenn leer, dann "NB" exportieren                                                                                                                                                                                               | Wert darf nicht über 100 liegen |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Oestrogen_pos_TZ      | Oestrogen_pos_TZ      | 0..1        | xs:string | 1 - n     | 0-100                                                                                                                            | tumorstatus                             | estro                                                                                                                                                                                                                                                                              | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | dokumentierten Wert exportieren (Bsp.: "70")                                                                                                                                                                                                                                   | Wert darf nicht über 100 liegen |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Progesteron_Status    | Progesteron_Status    | 0..1        | xs:string | 1 - n     | NB = nicht bestimmt<br>positiv<br>negativ                                                                                        | tumorstatus                             | prog_urteil                                                                                                                                                                                                                                                                        | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | dokumentierten Wert exportieren (Bsp.: "70")<br>wenn leer, dann "NB" exportieren                                                                                                                                                                                               | Wert darf nicht über 100 liegen |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Progesteron_pos_TZ    | Progesteron_pos_TZ    | 0..1        | xs:string | 1 - n     | 0-100                                                                                                                            | tumorstatus                             | prog                                                                                                                                                                                                                                                                               | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | dokumentierten Wert exportieren (Bsp.: "70")                                                                                                                                                                                                                                   | Wert darf nicht über 100 liegen |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/HER2_Status           | HER2_Status           | 1..1        | xs:string | 1 - n     | NB = nicht bestimmt<br>0<br>1+<br>2+<br>3+                                                                                       | tumorstatus                             | her2                                                                                                                                                                                                                                                                               | BEDINGUNG 1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                | Codierung: L_basic.her2<br><br>wenn leer: "NB"                                                                                                                                                                                                                                 |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/ISH_Analyse           | ISH_Analyse           | 0..1        | xs:string |           | NB = nicht bestimmt<br>positiv<br>negativ                                                                                        |                                         |                                                                                                                                                                                                                                                                                    | nicht in MED                                                                                                                                                                                                                                                                                                               |                                                                                                                                                                                                                                                                                |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Operation             | Operation             | 1..1        | xs:string | 1 - n     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt                                                                                                   | eingriff                                |                                                                                                                                                                                                                                                                                    | nur Eingriffe im Zeitraum des Anlasses beachten, bei denen<br>art_primaertumor = 1 oder art_metastasen = 1                                                                                                                                                                                                                 | wenn mind. 1 Datensatz vorhanden: "J"<br>sonst: "N"                                                                                                                                                                                                                            |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Strahlentherapie      | Strahlentherapie      | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt                                                                                                   | strahlentherapie<br>therapie_systemisch | vorlage_therapie_id -><br>vorlage_therapie_art                                                                                                                                                                                                                                     | nur Strahlentherapien und systemische Therapien beachten die im Zeitraum des Anlasses liegen und bei denen vorlage_therapie_art ist "Alleinige Strahlentherapie (st)", "Chemo-/Immuntherapie (ci)", "Chemo-/Radiotherapie (cst)", "Immun-/Radiotherapie (ist)" oder "Strahlentherapie mit antihormoneller Therapie (ahst)" | min. 1 Strahlentherapie oder systemische Therapie laut Bedingung vorhanden: "J"<br>sonst: "N"                                                                                                                                                                                  |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Chemotherapie         | Chemotherapie         | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt                                                                                                   | strahlentherapie<br>therapie_systemisch | vorlage_therapie_id -><br>vorlage_therapie_art                                                                                                                                                                                                                                     | nur systemische Therapien und Strahlentherapien im Zeitraum des Anlasses betrachten, bei denen vorlage_therapie_art ist "Chemo-/Immuntherapie (ci)", "Chemo-/Radiotherapie (cst)" oder "Chemotherapie (c)"                                                                                                                 | min. 1 Strahlentherapie oder systemische Therapie laut Bedingung vorhanden: "J"<br>sonst: "N"                                                                                                                                                                                  |                                 |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Hormontherapie        | Hormontherapie        | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt                                                                                                   | strahlentherapie<br>therapie_systemisch | vorlage_therapie_id -><br>vorlage_therapie_art                                                                                                                                                                                                                                     | nur systemische Therapien und Strahlentherapien im Zeitraum des Anlasses betrachten, bei denen vorlage_therapie_art ist "Antihormonelle Therapie (ah)" oder "Strahlentherapie mit antihormoneller Therapie (ahst)"                                                                                                         | min. 1 Strahlentherapie oder systemische Therapie laut Bedingung vorhanden: "J"<br>sonst: "N"                                                                                                                                                                                  |                                 |

| path                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     | Feld                       | cardinality | Feldtyp   | Feldlänge | Datenbereich                   | Herkunft Formular                        | Herkunft Feld                                                                                 | Bedingungen                                                                                                                                                                                                                                         | Funktionalität                                                                                 | Validierungen beim Export |
|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------|-------------|-----------|-----------|--------------------------------|------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------|
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Immuntherapie                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 | Immuntherapie              | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt | strahlentherapie<br>therapie_systemisch  | vorlage_therapie_id -><br>vorlage_therapie_art                                                | nur systemische Therapien und Strahlentherapien im Zeitraum des Anlasses betrachten, bei denen vorlage_therapie_art ist "Chemo-/Immuntherapie (ci)", "Immun-/Radiotherapie (ist)" oder "Immuntherapie (i)"                                          | min. 1 Strahlentherapie oder systemische Therapie laut Bedingung vorhanden: "J"<br>sonst: "N"  |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Knochenmarktransplantation                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    | Knochenmarktransplantation | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt | eingriff                                 | art_transplantation_autolog_v<br>art_transplantation_allogen_nv<br>art_transplantation_syngen | nur Eingriffe im Zeitraum des Anlasses beachten, bei denen mindestens eines der Felder art_transplantation_* = 1                                                                                                                                    | min 1 Eingriff laut Bedingung dokumentiert: "J"<br>sonst: "N"                                  |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Sonstige_Therapie                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                             | Sonstige_Therapie          | 1..1        | xs:string | 1 - 1     | J= Ja<br>N=Nein<br>U=Unbekannt | therapie_systemisch<br>sonstige_therapie |                                                                                               | nur systemische Therapien im Anlass betrachten, bei denen vorlage_therapie_art ist "andere systemische Therapie (son)" oder "andere systemische Therapie / Radiotherapie (sonstr)"<br>Bei den sonstigen Therapien alle Therapien im Anlass beachten | mindestens eine Therapie laut Bedingung dokumentiert: "J"<br>sonst: "N"                        |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Tumor/Bemerkungen                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   | Bemerkungen                | 1..1        | xs:string | 1 - n     | -                              | ekr                                      | bem                                                                                           |                                                                                                                                                                                                                                                     | Text exportieren wenn dokumentiert                                                             |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe<br>aus zeitlich neuester Histologie im Zeitraum des Anlasses, in der das Feld Pathologe dokumentiert ist.<br>Wenn keine Histologie mit Pathologe vorhanden, dann aus Zytologieformular entnehmen (auch hier das neueste nehmen, in dem ein Pathologe eingetragen ist).<br>Ist sowohl Histologie als auch Zytologie vorhanden, wird die Histologie priorisiert betrachtet. |                            | 0..1        |           | -         | -                              |                                          |                                                                                               |                                                                                                                                                                                                                                                     |                                                                                                |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe/KH_Abt_Station_Praxis                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     | KH_Abt_Station_Praxis      | 0..1        | xs:string | -         | -                              | histologie<br>zytologie                  | user_id -> vorlage_arzt.org                                                                   |                                                                                                                                                                                                                                                     | Die dokumentierte Organisation/Praxis exportieren                                              |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe/Name_Pathologe                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            | Name_Pathologe             | 0..1        | xs:string | -         | -                              | histologie<br>zytologie                  | user_id -> vorlage_arzt                                                                       |                                                                                                                                                                                                                                                     | CONCAT_WS(" ", anrede u titel, u.vorname, u.nachname)<br><br>Beispiel: "Herr Dr. Bernd Schulz" |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe/Anschrift                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 | Anschrift                  | 0..1        | xs:string | -         | -                              | histologie<br>zytologie                  | user_id -> vorlage_arzt                                                                       |                                                                                                                                                                                                                                                     | Format: Straße, Hausnummer                                                                     |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe/Postleitzahl                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              | Postleitzahl               | 1..1        | xs:token  | 1 - n     | 01001 - 99999                  | histologie<br>zytologie                  | user_id -> vorlage_arzt.plz                                                                   |                                                                                                                                                                                                                                                     | Postleitzahl exportieren                                                                       |                           |
| /GEKID/Daten/Patient/Pathologe/Ort                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       | Ort                        | 0..1        | xs:string | -         | -                              | histologie<br>zytologie                  | user_id -> vorlage_arzt.ort                                                                   |                                                                                                                                                                                                                                                     | Ort exportieren                                                                                |                           |

**Alcedis MED 4 - GEKID\_PLUS-Export - Codierungsreferenz**

| <b>klasse</b>    | <b>code_med</b> | <b>code_gekid_plus</b> |
|------------------|-----------------|------------------------|
| tumorausbreitung | lokal           | L                      |
| tumorausbreitung | lk              | R                      |
| tumorausbreitung | konausdehnung   | S                      |
| tumorausbreitung | fernmastasen    | F                      |

| Bundesland             | Ausprägung                                                                                                                      | Beschreibung                                                                                      | Referenz              |
|------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------|
| Bayern                 | I                                                                                                                               | Patientin / Patient wurde informiert und hat nicht widersprochen                                  | §5 (2), Satz 1 BayKRG |
|                        | A                                                                                                                               | Ausnahme: Patientenunterrichtung entfallen wegen möglicher gesundheitlicher Nachteile             | §5 (2), Satz 5 BayKRG |
|                        | D                                                                                                                               | Meldung von Ärzten ohne unmittelbaren Patientenkontakt (mit Sperrvermerk)                         | §5 (2), Satz 2 BayKRG |
| Berlin                 | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |
| Brandenburg            | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |
| Bremen                 | I                                                                                                                               | Patientin / Patient wurde informiert und hat nicht widersprochen                                  | §2 (2) BremKRG        |
|                        | A                                                                                                                               | Ausnahme: Patientenunterrichtung entfallen wegen möglicher gesundheitlicher Nachteile             | §2 (4) BremKRG        |
|                        | D                                                                                                                               | Meldung von diagnostisch tätigen Ärzten ohne unmittelbaren Patientenkontakt                       | §2 (3) BremKRG        |
|                        | V                                                                                                                               | Verstorben                                                                                        | §2 (6) BremKRG        |
| Hamburg                | E                                                                                                                               | Einwilligung                                                                                      | §2 (1) HMBkrebsRG     |
|                        | A                                                                                                                               | Ausnahme                                                                                          | §2 (2) HMBkrebsRG     |
|                        | V                                                                                                                               | Verstorben                                                                                        | §2 (3) HMBkrebsRG     |
| Mecklenburg-Vorpommern | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |
| Niedersachsen          | I                                                                                                                               | Patientin / Patient wurde informiert und hat nicht widersprochen                                  | §3 (1) GEKN           |
|                        | A                                                                                                                               | Ausnahme: Patientenunterrichtung entfallen wegen möglicher gesundheitlicher Nachteile             | §4 (3) Satz 4 GEKN    |
|                        | W                                                                                                                               | Patientin / Patient hat der dauerhaften Speicherung seiner Identitätsdaten widersprochen          | §4 (1) GEKN           |
| NRW                    | I                                                                                                                               | Patientin / Patient wurde über die pseudonymisierte Meldung an das Krebsregister informiert       | §4(4) EKR-NRW         |
|                        | A                                                                                                                               | Patientin / Patient wurde über die pseudonymisierte Meldung an das Krebsregister nicht informiert |                       |
|                        | W                                                                                                                               | Patientin / Patient hat einer Kontaktaufnahme gemäß § 10(3) widersprochen                         | §10(3) EKR-NRW        |
| Saarland               | I                                                                                                                               | Patientin / Patient unterrichtet                                                                  | §5(2) SKRG            |
|                        | A                                                                                                                               | Patientin / Patient nicht unterrichtet (Grund liegt vor)                                          | §5(2) SKRG            |
|                        | D                                                                                                                               | Meldung durch diagnostisch tätige/n Arzt/Ärztin                                                   | §5(3) SKRG            |
| Sachsen-Anhalt         | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |
| Sachsen                | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |
| Thüringen              | <i>Datensatz nicht zur Entgegennahme geeignet, es besteht eine eigene abgestimmte Schnittstelle für elektronische Meldungen</i> |                                                                                                   |                       |