

Wprowadzenie do Scilaba

wersja 0.9999 α

Bruno Pinçon

Institut Elie Cartan Nancy
E.S.I.A.L.
Université Henri Poincaré
Email : Bruno.Pincon@iecn.u-nancy.fr

Przekład z języka francuskiego :

Piotr Fulmański

Wydział Matematyki i Informatyki
Uniwersytetu Łódzkiego
Email : fulmanp@math.uni.lodz.pl

Katarzyna Szulc

Institut Elie Cartan Nancy 1
Université Henri Poincaré
Email : Katarzyna.Szulc@iecn.u-nancy.fr

Skrypt ten był początkowo opracowany przez studentów E.S.I.A.L. (Ecole Supérieure d'Informatique et Application de Lorraine). Opisuje on niewielką część możliwości Scilaba, w szczególności te, które pozwalają zastosować notacje analizy numerycznej i małych symulacji stochastycznych takich jak:

- operacje na macierzach i wektorach o współrzędnych rzeczywistych;
- programowanie w Scilabie;
- prosta grafika;
- niektóre funkcje dla dwóch wymienionych powyżej (generowanie liczb losowych, rozwiązywanie równań, ...)

Scilab umożliwia wykonanie wielu innych operacji, w szczególności w dziedzinie automatyki, obróbki sygnałów dźwiękowych, symulacji systemów dynamicznych (przy pomocy scicos)... Jako że zamierzam systematycznie uzupełniać ten dokument, jestem w pełni otwarty na wszelkie uwagi, sugestie i krytykę pozwalające mi na jego ulepszenie (również w przypadku błędów ortograficznych), piszcie do mnie¹. Mała historia tego dokumentu:

- wersja 0.999: modyfikacje rozdziału o grafice oraz uzupełnienie treści rozdziału o programowaniu; wersja relatywna do Scilab-2.7 ;
- wersja 0.9999 (ten dokument): dostosowanie rozdziału o grafice do nowej grafiki obiektowej Scilaba; wersja relatywna do Scilab-4.0.

W wyniku dopisania kilku paragrafów, dokument stracił na spójności. Istnieje jednak obecnie inny podręcznik, który jest dostępny na stronie internetowej Scilaba (czytaj dalej).

¹Tę samą uwagę chcą przekazać czytelnikom autorzy tłumaczenia polskiego (przyp. tłum.)

Podziękowania

- dla Doc Scilab, który często pomagał mi na forum użytkowników;
- dla Bertrand Guiheneuf, który dostarczył mi magiczną "ścieszkę" do skompilowania Scilaba 2.3.1 pod linuxem (kompilacja pod linuxem nowszych wersji nie powoduje problemów);
- dla moich kolegów i przyjaciół, Stéphane Mottelet², Antoine Grall, Christine Bernier-Katzentsev oraz Didier Schmitt ;
- dla Patrice Moreaux za uważne przeczytanie i poprawienie błędów;
- dla Helmut Jarausch, który przetłumaczył ten dokument na język niemiecki i który zwrócił moją uwagę na kilka niejasności;
- i dla wszystkich czytelników za ich wsparcie, uwagi i korekty.

²dzięki za ten .pdf Stéphane!

Spis treści

1	Wiadomości wstępne	2
1.1	Co to jest Scilab?	2
1.2	Jak korzystać z tego dokumentu?	3
1.3	Podstawy pracy z Scilab-ie	3
1.4	Gdzie znaleźć informacje na temat Scilab-a?	3
1.5	Jaki jest statut programu Scilab?	4
2	Operacje na macierzach i wektorach	4
2.1	Wprowadzanie macierzy	4
2.2	Typowe wektory i macierze	5
2.3	Wyrażenia w Scilab-ie	7
2.3.1	Kilka podstawowych przykładów wyrażań macierzowych	8
2.3.2	Działania na elementach macierzy	10
2.3.3	Rozwiązywanie układów równań liniowych	10
2.3.4	Indeksowanie, wydobywanie podmacierzy, konkatenaacji macierzy i wektorów	11
2.4	Informacje na temat środowiska pracy(*)	13
2.5	Wywołanie pomocy z linii poleceń	14
2.6	Generator prostych wykresów	14
2.7	Pisanie i wykonywanie skryptów	14
2.8	Dodatkowe informacje	15
2.8.1	Skracanie instrukcji przy zapisie macierzowym	16
2.8.2	Pozostałe uwagi dotyczące rozwiązywania układów równań liniowych (*)	16
2.8.3	Kilka prostych macierzy (*)	18
2.8.4	Funkcje <code>size</code> i <code>length</code>	22
2.9	Ćwiczenia	23
3	Programowanie w Scilabie	24
3.1	Pętle	24
3.1.1	Pętla <code>for</code>	24
3.1.2	Pętla <code>while</code>	25
3.2	Instrukcja warunkowa	25
3.2.1	Instrukcja <code>if-then-else</code>	25
3.2.2	Instrukcja <code>select-case</code> (*)	26
3.3	Inne rodzaje zmiennych	27
3.3.1	Łańcuchy znaków	27
3.3.2	Listy (*)	28
3.3.3	Kilka przykładów z wektorami i macierzami logicznymi	31
3.4	Funkcje	33
3.4.1	Przekazywanie parametrów (*)	35
3.4.2	Wstrzymywanie funkcji	35
4	Grafika	36
4.1	Okna graficzne	36
4.2	Wprowadzenie do <code>plot2</code>	37
4.3	<code>plot2d</code> z argumentami opcjonalnymi	37
4.4	Inne wersje <code>plot2d</code> : <code>plot2d2</code> , <code>plot2d3</code>	42
4.5	Rysowanie większej ilości krzywych złożonych z różnej ilości punktów	43
4.6	Zabawa z kontekstem graficznym	44
4.7	Tworzenie histogramów	45
4.8	Zapisywanie grafiki w różnych formatach	46
4.9	Prosta animacja	47
4.10	Powierzchnie	48
4.10.1	Wprowadzenie do <code>plot3d</code>	48
4.10.2	Kolory	50
4.10.3	<code>plot3d</code> z <code>des facettes</code>	51
4.10.4	Rysowanie powierzchni opisanej przy pomocy $x = x(u, v)$, $y = y(u, v)$, $z = z(u, v)$	53
4.10.5	<code>plot3d</code> z interpolacją kolorów	55
4.11	Krzywe w przestrzeni	56

4.12	Różności	57
5	Zastosowania i uzupełnienia	58
5.1	Równania różniczkowe	58
5.1.1	Podstawowe użycie ode	58
5.1.2	Van der Pol jeszcze raz	59
5.1.3	Troche więcej o ode	60
5.2	Generowniów liczb losowych	62
5.2.1	Funkcja rand	62
5.2.2	Funkcja grand	64
5.3	Dystrubuanty i ich odwrotności	66
5.4	Proste symulacje stochastyczne	66
5.4.1	Wprowadzenie i notacja	66
5.4.2	Przedziały ufności	66
5.4.3	Wykres dystrubuanty empirycznej	68
5.4.4	Test χ^2	68
5.4.5	Test Kołmogorowa-Smirnova	70
5.4.6	Ćwiczenia	70
6	Zbiór drobiazgów	72
6.1	Definiowanie wektora i macierzy <i>współczynnik po współczynniku</i>	72
6.2	Na temat wartości zwracanych przez funkcję	72
6.3	Funkcja została zmodyfikowana ale...	73
6.4	Problem z rand	73
6.5	Wektory wierszowe, wektory kolumnowe...	73
6.6	Operator porównania	74
6.7	Liczby zespolone a liczby rzeczywiste	74
6.8	Proste instrukcje a funkcje Scilaba	74
6.9	Obliczanie wyrażeń logicznych	75
A	Odpowiedzi do ćwiczeń z rozdziału 2	75
B	Rozwiązania ćwiczeń z rozdziału 3	76
C	Rozwiązania ćwiczeń z rozdziału 4	79

1 Wiadomości wstępne

1.1 Co to jest Scilab?

Dla osób znających już MATLAB-a odpowiedź jest prosta – Scilab jest jego darmowym (więcej szczegółów związanych z tym tematem w dalszej części) odpowiednikiem, powstałym³ w I.N.R.I.A. (Institut National de Recherche en Informatique et Automatique). Składnia, z wyjątkiem nielicznych poleceń, jest taka sama (istotne różnice występują w przypadku grafiki). Osobom nie znającym MATLAB-a chcę powiedzieć, że Scilab jest przystępnym środowiskiem do wykonywania obliczeń numerycznych dzięki zaimplementowanym niezbędnym metodom:

- rozwiązywanie układów liniowych,
- wyznaczanie wartości własnych, wektorów własnych,
- dekompozycja dla wartości osobliwych i pseudo-osobliwych,
- szybka transformacja Fouriera,
- rozwiązywanie równań różniczkowych,
- algorytmy optymalizacji,
- rozwiązywanie równań nieliniowych,
- generowanie liczb losowych,
- dla wielu niezaawansowanych zastosowań algebry liniowej w automatyce.

Ponadto Scilab wyposażony jest w funkcje służące do tworzenia grafiki, zarówno niskopoziomowej (wielokąty, odczytywanie współrzędnych położenia kursora, itp.) jak i wysokopoziomowej (krzywe, powierzchnie itp.). Wprowadzony język programowania, dzięki operowaniu notacją macierzową, jest prostym, ale potężnym i efektywnym narzędziem. Wyszukiwanie błędów w programach jest szybkie dzięki łatwemu operowaniu zmiennymi. W przypadku, gdy obliczenia będą zbyt czasochłonne (język jest interpretowany...) możliwe jest łatwe połączenie programu Scilab-a z podprogramami napisanymi w C czy FORTRAN-ie.

1.2 Jak korzystać z tego dokumentu?

W rozdziale drugim wyjaśniono podstawy pracy z Scilab-em jako narzędziem do obliczeń macierzowych. Wystarczy prześledzić proponowane przykłady. Sekcje oznaczone gwiazdką podczas pierwszego czytania można pominąć. Osoby zainteresowane zagadnieniami dotyczącymi grafiki, mogą przeanalizować pierwsze przykłady z rozdziału czwartego. Rozdział trzeci wyjaśnia podstawy programowania w Scilab-ie. Rozdział szósty pokazuje jak uniknąć najczęstszych błędów popełnianych podczas pracy w Scilab-ie lub nieporozumień wynikających z jego specyfikacji (proszę podeślij mi także i swoje!). Istnieją nieznaczne różnice pomiędzy środowiskami graficznymi przeznaczonymi dla Unix i Windows polegające na odmiennym sposobie rozmieszczenia przycisków i menu. W tym dokumencie opieram się na wersji Unix aczkolwiek użytkownicy wersji przeznaczonej dla systemu Windows nie powinni natrafić na problemy ze znalezieniem odpowiednich opcji / przycisków.

1.3 Podstawy pracy z Scilab-ie

W najprostszym przypadku, Scilab może być wykorzystywany jako „kalkulator” zdolny wykonywać obliczenia na wektorach i macierzach liczb rzeczywistych i/lub zespolonych (ale także na zwykłych skalarach) oraz do wizualizacji krzywych i powierzchni. W najprostrzych zadaniach raczej nie ma potrzeby pisania programów. Dostatecznie szybko zaczniemy jednak korzystać ze skryptów (zbiorów instrukcji, poleceń Scilab-a) a następnie funkcji. Oczywiście niezbędne w takich sytuacjach staje się użycie edytora tekstu, na przykład emacs (Unix, Windows), wordpad (Windows), vi lub vim (Unix a także Windows)...

1.4 Gdzie znaleźć informacje na temat Scilab-a?

W dalszej części dokumentu zakłada się, że czytelnik dysponuje wersją 2.7 programu. W celu uzyskania dodatkowych informacji odsyłam do „Scilab home page”:

<http://scilabsoft.inria.fr>

na której znaleźć można różnorodną dokumentację, oraz efekty pracy innych użytkowników.

„Scilab group” wydał (w latach 1999 – 2001) około dwudziestu artykułów w czasopiśmie „Linux magazine”. Polecam je szczególnie, gdyż poruszają większość zagadnień związanych ze Scilab-em (większości z nich w tym opracowaniu nawet się nie porusza). Uzyskać je można pod adresem

³Scilab wykorzystuje dużą ilość funkcji pochodzących z różnych miejsc, dostępnych często przez Netlib

<http://www.saphir-control.fr/articles/>

Na temat Scilab-a prowadzone jest również forum dyskusyjne, w ramach którego istnieje możliwość zadawania pytań, dokonywania uwag, udzielania odpowiedzi na wcześniej postawione pytania, itd:

`comp.sys.math.scilab`

Wszystkie zamieszczone tam wiadomości są archiwizowane i dostępne ze strony domowej Scilab-a po wybraniu *Scilab newsgroup archive*.

Wybierając jeden z dwóch odsyłaczy *Books and Articles on Scilab* lub *Scilab Related Links* umieszczonych na stronie głównej uzyskujemy dostęp do wielu różnych dokumentów. W szczególności:

- wprowadzenie B. Ycart (*Démarrer en Scilab et statistiques en Scilab*);
- „Scilab Bag Of Tricks” autorstwa Lydia E. van Dijk i Christoph L. Spiel, który jest raczej przeznaczony dla osób dobrze znających już Scilab-a (rozwój tej książki został niestety brutalnie przerwany kilka lat temu);
- *Travaux Pratiques sur Scilab classes par themes* umożliwia dostęp do projektów realizowanych przez studentów ENPC;
- wprowadzenie do informatyki z użyciem Scilab-a (`verb+http://kiwi.emse.fr/SCILAB/+`).

Oczywiście w zależności od potrzeb znaleźć można dużo innych opracowań traktujących problem w nieco odmienny niż zamieszczony tutaj sposób.

1.5 Jaki jest statut programu Scilab?

Osoby dobrze znające oprogramowanie (na licencji GPL) z pewnością interesuje statut Scilab-a jako programu *darmowego*. Częstym pytaniem na forum jest :

Scilab: is it really free?

Yes it is. Scilab is not distributed under GPL or other standard free software copyrights (because of historical reasons), but Scilab is an Open Source Software and is free for academic and industrial use, without any restrictions. There are of course the usual restrictions concerning its redistribution; the only specific requirement is that we ask Scilab users to send us a notice (email is enough). For more details see Notice.ps or Notice.tex in the Scilab package.

Answers to two frequently asked questions: Yes, Scilab can be included a commercial package (provided proper copyright notice is included). Yes, Scilab can be placed on commercial CD's (such as various Linux distributions).

2 Operacje na macierzach i wektorach

Ta część daje podstawy do poznania zastosowań Scilab-a jako narzędzia do operacji macierzowych.

Aby rozpocząć pracę z Scilab-em wystarczy wpisać

```
scilab
```

w terminalu⁴. Jeśli wszystko przebiega prawidłowo, na ekranie ukaże się okno Scilab-a z głównym menu zawierającym w szczególności przycisk Help, Demos a w oknie wprowadzania poleceń ukaże się

```
=====
scilab-2.7
Copyright (C) 1989-2003 INRIA/ENPC
=====
```

Startup execution:

```
loading initial environment
```

```
-->
```

gdzie --> jest znakiem zachęty.

⁴Albo kliknąć odpowiednią ikonę.

2.1 Wprowadzanie macierzy

Podstawowym typem danych w Scilab-ie jest macierz liczb rzeczywistych lub zespolonych. Najprostszym sposobem definiowania macierzy (wektora, skalaru będących w istocie szczególnymi przypadkami macierzy) w środowisku Scilab jest wprowadzenie z klawiatury listy elementów macierzy, stosując następującą konwencję:

- elementy tego samego wiersza oddzielone są spacją lub przecinkiem;
- lista elementów musi być ujęta w nawias kwadratowy [];
- w przypadku wprowadzania skalarów nawias kwadratowy można pominąć;
- każdy wiersz macierzy, z wyjątkiem ostatniego, musi być zakończony średnikiem.

Dla przykładu komenda:

```
-->A=[1 1 1;2 4 8;3 9 27]
```

da na wyjściu

```
A =
! 1.    1.    1.    !
! 2.    4.    8.    !
! 3.    9.   27.    !
```

W przypadku, gdy instrukcja zostanie zakończona średnikiem, wynik nie pojawi się na ekranie. Wpiszmy na przykład

```
-->b=[2 10 44 190];
```

Aby zobaczyć współrzędne wprowadzonego wektora, wystarczy napisać

```
-->b
```

a odpowiedzią będzie

```
b =
! 2.   10.   44.  190. !
```

Bardzo długa instrukcja może być napisana w kilku liniach, przy czym przechodząc do linii następnej, linię poprzednią należy zakończyć trzema kropkami, jak w poniższym przykładzie:

```
-->T = [ 1 0 0 0 0 0 ;...
-->      1 2 0 0 0 0 ;...
-->      1 2 3 0 0 0 ;...
-->      1 2 3 0 0 0 ;...
-->      1 2 3 4 0 0 ;...
-->      1 2 3 4 5 0 ;...
-->      1 2 3 4 5 6 ]
```

co daje

```
T =
! 1.    0.    0.    0.    0.    0.    !
! 1.    2.    0.    0.    0.    0.    !
! 1.    2.    3.    0.    0.    0.    !
! 1.    2.    3.    4.    0.    0.    !
! 1.    2.    3.    4.    5.    0.    !
! 1.    2.    3.    4.    5.    6.    !
```

W przypadku wprowadzania liczb zespolonych stosuje się następującą składnię:

```
-->c=1 + 2*i
c =
1. + 2.i
```

```
-->Y = [ 1 + %i , -2 + 3*i ; -1 , %i]
Y =
! 1. + i    - 2. + 3.i !
! - 1.      i          !
```

2.2 Typowe wektory i macierze

Istnieje funkcja do konstrukcji typowych macierzy i wektorów.

Macierz jednostkowa. Aby otrzymać macierz jednostkową o wymiarach 4 na 4 stosujemy instrukcję:

```
-->I=eye(4,4)
I =
! 1.    0.    0.    0. !
! 0.    1.    0.    0. !
! 0.    0.    1.    0. !
! 0.    0.    0.    1. !
```

Argumentami funkcji `eye(n,m)` jest liczba wierszy (n) oraz kolumn (m) (Uwaga: jeżeli $n < m$ (odpowiednio $n > m$ wówczas otrzymamy macierz odwzorowania wzajemnie jednoznacznego, surjekcja (odpowiednio injekcja) przestrzeni kanonicznej K^m na K^n).

Macierz diagonalna, diagonalna macierzy. Aby otrzymać macierz diagonalną, w której elementy na głównej przekątnej pochodzą z wcześniej zdefiniowanego wektora b wpisujemy

```
-->B=diag(b)
B =
! 2.    0.    0.    0. !
! 0.   10.    0.    0. !
! 0.    0.   44.    0. !
! 0.    0.    0.  190. !
```

Uwaga: Pisząc b nadal mamy dostęp do wcześniej zdefiniowanego wektora, co pokazuje, że Scilab rozróżnia wielkość liter. Zastosowanie funkcji `diag` na dowolnej macierzy pozwala uzyskać główną przekątną macierzy jako wektor kolumnowy

```
-->b=diag(B)
b =
! 2. !
! 10. !
! 44. !
! 190. !
```

(Funkcja ta przyjmuje także drugi, opcjonalny, argument – porównaj ćwiczenia.)

Macierze zerowa i jedynkowa. Funkcje `zeros` i `ones` pozwalają odpowiednio stworzyć macierze zerowe i macierze składające się z jedynek. Podobnie jak dla funkcji `eye` ich argumentami są liczba wierszy i liczba kolumn.

```
-->C = ones(3,4)
C =
! 1.    1.    1.    1. !
! 1.    1.    1.    1. !
! 1.    1.    1.    1. !
```

Można także użyć jako argument nazwę macierzy już zdefiniowanej w środowisku. W efekcie otrzymujemy macierz o takich wymiarach macierzy będącej argumentem

```
-->O = zeros(C)
O =
! 0.    0.    0.    0. !
! 0.    0.    0.    0. !
! 0.    0.    0.    0. !
```

Macierz trójkątna. Funkcje `triu` i `tril` pozwalają otrzymać macierz trójkątną górną i dolną:

```
-->U = triu(C)
U =
! 1.    1.    1.    1. !
! 0.    1.    1.    1. !
! 0.    0.    1.    1. !
```

Macierze o elementach losowych. Funkcja `rand` pozwala utworzyć macierz o elementach pseudolosowych (pochodzących z przedziału $[0,1)$; możliwe jest także użycie rozkładu normalnego jak i podanie zarodka dla generatora liczb pseudolosowych):


```
-->M = rand(2, 5)
M =
! 0.2113249  0.0002211  0.6653811  0.8497452  0.8782165 !
! 0.7560439  0.3303271  0.6283918  0.6857310  0.0683740 !
```

n-elementowy wektor o stałej różnicy między elementami. Aby wprowadzić wektor (wierszowy) x o n współrzędnych równomiernie rozmieszczonych pomiędzy x_1 i x_n (innymi słowy tak aby $x_{i+1} - x_i = \frac{x_n - x_1}{n-1}$, n węzłów, zatem $n-1$), używamy funkcji `linspace`.

```
-->x = linspace(0,1,11)
x =
! 0.  0.1  0.2  0.3  0.4  0.5  0.6  0.7  0.8  0.9  1. !
```

Instrukcją analogiczną pozwalającą utworzyć wektor o zadanej wartości pierwszej współrzędnej, ustalonej różnicy pomiędzy współrzędnymi i ostatniej współrzędnej nie większej niż zadana wartość jest

```
-->y = 0:0.3:1
y =
! 0.  0.3  0.6  0.9 !
```

Składnia jest następująca `y = wartPocz:przyrost:wartGranicz`. Tak długo jak pracujemy z liczbami całkowitymi nie ma problemu z ustaleniem wartości granicznej odpowiadającej ostatniej składowej wektora.

```
-->i = 0:2:12
i =
! 0.  2.  4.  6.  8.  10.  12. !
```

Dla liczb rzeczywistych jest to zdecydowanie trudniejsze do określenia:

- (i) przyrost może posiadać nieskończone rozwinięcie w reprezentacji binarnej lub jego skończone rozwinięcie może wybiegać poza zakres reprezentacji maszynowej liczb rzeczywistych powodując ich zaokrąglenia;
- (ii) błędy zaokrągleń numerycznych kumulują się w miarę obliczania kolejnych składowych wektora.

```
-->xx = 0:0.05:0.60
ans =
! 0.  0.05  0.1  0.15  0.2  0.25  0.3  0.35  0.4  0.45  0.5  0.55 !
```

Uwaga: w zależności od komputera na jakim uruchomiony zostanie Scilab powyższy przykład może dać różne wyniki, to znaczy 0.6 może pojawić się jako ostatnia składowa. Często przyrost równy jest 1, można go w takiej sytuacji pominąć:

```
-->ind = 1:5
ind =
! 1.  2.  3.  4.  5. !
```

W przypadku gdy przyrost jest dodatni (ujemny) oraz `wartPocz > wartGrancz` (`wartPocz < wartGrancz`) otrzymujemy wektor bez współrzędnych nazywany w Scilab-ie macierzą pustą:

```
-->i=3:-1:4
i =
[]
```

```
-->i=1:0
i =
[]
```

2.3 Wyrażenia w Scilab-ie

Scilab jest językiem posiadającym bardzo prostą składnię, w której instrukcje przypisania mają postać

```
zmienna = wyrażenie
```

lub prościej

```
wyrażenie
```

gdzie w ostatnim przypadku wartość wyrażenia jest przypisana do domyślnej zmiennej o nazwie ans. Wyrażenia w Scilabie mogą być tak proste (jeśli chodzi o zapis) jak wyrażenia skalarne w innych językach programowania, ale mogą składać się z macierzy i wektorów co często sprawia trudność początkującym użytkownikom tego języka. Dla wyrażen „skalnych” mamy standardowe operatory +, -, *, / i ^ i najczęściej stosowane funkcje przedstawione w tabeli 1. Zauważmy, że funkcje wymienione w tabeli poniżej funkcji Γ są dostępne od wersji 2.4 oraz, że Scilab proponuje także inne funkcje specjalne, wśród których można znaleźć funkcje Bessela, eliptyczne, itd.

abs	wartość bezwzględna, moduł
exp	eksponent
log	logarytm naturalny
log10	logarytm o podstawie 10
cos	cosinus (argument w radianach)
sin	sinus (argument w radianach)
sinc	$\frac{\sin(x)}{x}$
tan	tangente (argument w radianach)
cotg	cotangente (argument w radianach)
acos	arccos
asin	arcsin
atan	arctg
cosh	cosinus hiperboliczny
sinh	sinus hiperboliczny
tanh	tangens hiperboliczny
acosh	argch
asinh	argsh
atanh	argth
sqrt	pierwiastek kwadratowy
floor	$E(x) = (\lfloor x \rfloor) = n \Leftrightarrow n \leq x < n + 1, \quad x \in N$
ceil	$\lceil x \rceil = n \Leftrightarrow n - 1 < x \leq n, \quad x \in N$
int	$\text{int}(x) = \lfloor x \rfloor$ jeśli $x > 0$ oraz $\lceil x \rceil$ dla $x \leq 0$
erf	funkcja błędu $\text{erf}(x) = \frac{2}{\sqrt{\pi}} \int_0^x e^{-t^2} dt$
erfc	dopełnienie funkcji błędu określone przez $\text{erfc}(x) = 1 - \text{erf}(x) = \frac{2}{\sqrt{\pi}} \int_x^{+\infty} e^{-t^2} dt$
gamma	$\Gamma(x) = \int_0^{+\infty} t^{x-1} e^{-t} dt$
lgamma	$\ln(\Gamma(x))$
dlgamma	$\frac{d}{dx} \ln(\Gamma(x))$

Tablica 1: Wybrane funkcji używane przez Scilab-a.

Definiując zmienną (będącą skalem, wektorem, macierzą) jej wartość (wartości) nie musi być wyrażona przez konkretną liczbę, ale także przez wyrażenie którego wartość zostanie jej przypisana.

```
-->M = [sin(%pi/3) sqrt(2) 5^(3/2); exp(-1) cosh(3.7) (1-sqrt(-3))/2]
M =
!   0.8660254    1.4142136    11.18034    !
!   0.3678794    20.236014    0.5 - 0.8660254i    !
```

Uwaga: Powyższy przykład ilustruje potencjalne niebezpieczeństwo podczas obliczania pierwiastka kwadratowego z liczby ujemnej. Scilab rozważa czy ma do czynienia z liczbami zespolonymi i zwraca jeden z pierwiastków jako rezultat.

2.3.1 Kilka podstawowych przykładów wyrażen macierzowych

Dostępne są wszystkie proste działania wykonywane na macierzach: suma dwóch macierzy, iloczyn macierzy, iloczyn skalarny i macierzowy itd. Oto kilka przykładów (w których wykorzystujemy wcześniej zdefiniowane macierze). *Uwaga: Tekst występujący w danym wierszu po znaku // oznacza dla Scilab-a komentarz. Nie jest interpretowany a jedynie dostarcza pewnych uwag i wyjaśnień.*

```
-->D = A + ones(A) // napisz A aby zobaczyc jej zawartosc
D =
!   2.    2.    2.    !
!   3.    5.    9.    !
```

```

!   4.   10.   28. !

-->A + M      // nie mozna wykonac dzialania dodawania (niezgodnosc wymiarow),
               // jaka jest odpowiedz Scilab-a?
      !--error      8
inconsistent addition

-->E = A*C     // C jest macierza jedynkowa o wymiarach (3,4)
E =
!   3.   3.   3.   3. !
!  14.  14.  14.  14. !
!  39.  39.  39.  39. !

--> C*A      // nie mozna wykonac mnozenia (niezgodnosc wymiarow),
               // jaka jest odpowiedz Scilab-a?
      !--error     10
inconsistent multiplication

--> At = A'   // transpozycje otrzymuje sie stawiajac za nazwa macierzy znak apostrofu
At =
!   1.   2.   3. !
!   1.   4.   9. !
!   1.   8.  27. !

--> Ac = A + %i*eye(3,3) // tworzymy macierz o elementach zespolonych
Ac =
!   1. + i   1.   1.   !
!   2.       4. + i   8.   !
!   3.       9.   27. + i !

--> Ac_adj = Ac' // w ten sposob otrzymujemy macierz transponowana o elementach
                  // zespolonych zastapionych ich sprzezeniami
Ac_adj =
!   1. - i   2.   3.   !
!   1.       4. - i   9.   !
!   1.       8.   27. - i !

-->x = linspace(0,1,5)' // konstrukcja wektora kolumnowego
x =
!   0.   !
!  0.25 !
!   0.5 !
!  0.75 !
!   1.   !

-->y = (1:5)' // inny wektor kolumnowy
y =
!   1. !
!   2. !
!   3. !
!   4. !
!   5. !

-->p = y'*x // iloczyn skalarny wektorow x i y
p =
10.

-->Pext = y*x' // otrzymujemy macierz 5x5 rzędu 1, dlaczego?
Pext =

```

```
! 0.    0.25    0.5    0.75    1. !
! 0.    0.5     1.     1.5     2. !
! 0.    0.75    1.5    2.25    3. !
! 0.    1.      2.     3.      4. !
! 0.    1.25    2.5    3.75    5. !
```

```
--> Pext / 0.25    // macierz mozna podzielic przez skalar
```

```
ans =
! 0.    1.    2.    3.    4. !
! 0.    2.    4.    6.    8. !
! 0.    3.    6.    9.   12. !
! 0.    4.    8.   12.   16. !
! 0.    5.   10.   15.   20. !
```

```
--> A^2    // podniesienie do potegi drugiej macierzy
```

```
ans =
! 6.    14.    36. !
! 34.    90.    250. !
! 102.   282.   804. !
```

```
--> [0 1 0] * ans    // mozna uzyc zmiennej ans, ktora zawiera wynik ostatniego
                        // dzialania gdy nie zostal on przypisany do zadnej zmiennej
```

```
ans =
! 34.    90.    250. !
```

```
--> Pext*x - y + rand(5,2)*rand(2,5)*ones(x) + triu(Pext)*tril(Pext)*y;
```

```
--> // wpisz ans aby zobaczyc wynik
```

Inną, bardzo interesującą cechą charakterystyczną, jest możliwość podania jako argumentu dla funkcji (z tabeli 1) macierzy zamiast kolejnych jej elementów. Innymi słowy wpisanie instrukcji $f(A)$ oznacza obliczenie wartości funkcji f na kolejnych elementach macierzy A ; otrzymamy w ten sposób macierz $[f(a_{ij})]$. Przykłady:

```
--> sqrt(A)
```

```
ans =
! 1.    1.    1. !
! 1.4142136  2.    2.8284271 !
! 1.7320508  3.    5.1961524 !
```

```
--> exp(A)
```

```
ans =
! 2.7182818  2.7182818  2.7182818 !
! 7.3890561  54.59815   2980.958 !
! 20.085537  8103.0839   5.320D+11 !
```

Uwaga: dla funkcji, które mają sens dla macierzy (co innego dla funkcji które stosuje się dla każdego elementu macierzy...) na przykład funkcja eksponent, nazwa funkcji jest poprzedzona literą m w ten sposób aby otrzymać eksponent macierzy A wystarczy wprowadzić komendę expm

2.3.2 Działania na elementach macierzy

Aby pomnożyć lub podzielić dwie macierze, A i B , o tych samych wymiarach, w taki sposób aby wynikiem była macierz, również o tych samych wymiarach, w której każdy element jest iloczynem (ilorazem) odpowiednich elementów macierzy A i B należy użyć operatorów $.*$ lub $./$. $A.*B$ jest macierzą o elementach $[a_{ij}b_{ij}]$ natomiast $A./B$ jest macierzą o elementach $[a_{ij}/b_{ij}]$. Podobnie można podnieść do potęgi każdy z elementów macierzy wpisując operator $.^$: $A.^p$ pozwoli otrzymać macierz o wyrazach $[a_{ij}^p]$. Rozważmy przykład:

```
--> A./A
```

```
ans =
! 1.    1.    1. !
! 1.    1.    1. !
! 1.    1.    1. !
```

Uwagi:

- W przypadku gdy A nie jest macierzą kwadratową działanie A^n będzie wykonywane na kolejnych elementach macierzy A . Zaleca się jednak stosowanie zapisu $A.^n$ ponieważ jest on bardziej czytelny.
- Jeśli s jest skalarą oraz A jest macierzą wówczas $s.^A$ daje macierz o wyrazach $s^{a_{ij}}$.

2.3.3 Rozwiązywanie układów równań liniowych

Aby rozwiązać układ równań liniowych gdzie macierz współczynników jest kwadratowa, Scilab stosuje rozkład LU z częściową zamianą wierszy prowadzącą do rozwiązania dwóch trójkątnych układów równań. Jest to jednak operacja niewidoczna dla użytkownika dzięki wykożystaniu operatora `\`:

```
-->b=(1:3)'      // tworzymy wektor b
b =
!  1. !
!  2. !
!  3. !

-->x=A\b          // rozwiązujemy Ax=b
x =
!  1. !
!  0. !
!  0. !

-->A*x - b       // sprawdzamy poprawnosc wyniku
ans =
!  0. !
!  0. !
!  0. !
```

Aby zapamiętać ten sposób postępowania, należy mieć na uwadze układ początkowy $Ax = b$ a następnie pomnożyć układ lewostronnie przez A^{-1} (co oznacza podzielenie przez macierz A). Sposób ten daje dokładny wynik, ale w ogólności występują błędy zaokrąglania spowodowane arytmetyką liczb zmiennoprzecinkowych.

```
-->R = rand(100,100); // stawiamy srednik na koncu aby uniknac zalewu ekranu liczbami
-->y = rand(100,1);   // srednik, jak wyzej
-->x=R\y;              // rozwiązanie układu Rx=y

-->norm(R*x-y)        // funkcja norm pozwala obliczyc norme wektorow (macierzy),
                      // (obliczyc mozemy dwie normy - euklidesowa i hermitea)
ans =
1.134D-13
```

Uwaga: Nie otrzymacie identycznego z moim jeżeli funkcja `rand` nie zostanie użyta tak jak w powyższym przykładzie... W momencie gdy rozwiązanie układu liniowego jest wątpliwe, Scilab wyświetla informacje ostrzegające i pozwalające podjąć odpowiednie w takiej sytuacji działania.

2.3.4 Indeksowanie, wydobywanie podmacierzy, konkatenacji macierzy i wektorów

Aby odnieść się do konkretnego elementu macierzy wystarczy przy nazwie podać w nawiasie jego indeksy. Na przykład:

```
-->A33=A(3,3)
A33 =
27.

-->x_30 = x(30,1)
x_30 =
- 1.2935412
```

```
-->x(1,30)
      |--error      21
invalid index

-->x(30)
ans =
- 1.2935412
```

Uwaga: Jeżeli macierz jest wektorem kolumnowym wystarczy jedynie wpisać numer linii, w której znajduje się szukany element; analogicznie postępujemy w przypadku wektora wierszowego.

Zaletą języka Scilab jest możliwość łatwego wydobywania podmacierzy z macierzy wyjściowej.

```
-->A(:,2)    // aby uzyskać 2 kolumnę,...
ans =
!   1.   !
!   4.   !
!   9.   !

-->A(3,:)    // ... 3 wiersz
ans =
!   3.    9.    27. !

-->A(1:2,1:2) // podmacierz główna rzędu 2
ans =
!   1.    1.   !
!   2.    4.   !
```

Omówmy teraz ogólną składnię. Niech macierz A ma wymiary (n,m) , niech dalej $v1 = (i_1, \dots, i_p)$ oraz $v2 = (j_1, \dots, j_q)$ oznaczają wektory (wierszowe lub kolumnowe), w których wartości są takie, że $1 \leq i_k \leq n$ et $1 \leq j_k \leq m$, wówczas $A(v1, v2)$ oznacza macierz o wymiarach (p, q) utworzoną z wyrazów macierzy A odpowiadających wierszom i_1, i_2, \dots, i_p oraz kolumnom j_1, j_2, \dots, j_q .

```
-->A([1 3],[2 3])
ans =
!   1.    1.   !
!   9.    27.  !

-->A([3 1],[2 1])
ans =
!   9.    3.   !
!   1.    1.   !
```

W praktyce dokonujemy prostrzych ekstrakcji, wydobywa się elementy umieszczone w przylegających blokach na przykład w kolumnach lub wierszach. W takim przypadku użyjemy wyrażenia `i_poczatkowe:przyrost:i_koncowe` w celu wygenerowania wektora wskaźników. Natomiast aby wygenerować pełny obszar odpowiadający wymiarowi użyjemy operatora `:` (jak widać to w pierwszym przykładzie). Zatem aby otrzymać podmacierz złożoną z 1 i 3 wiersza zastosujemy

```
-->A(1:2:3,:)    // lub inaczej A([1 3],:)
ans =
!   1.    1.    1.   !
!   3.    9.    27.  !
```

Przejdźmy teraz do operacji konkatencji macierzy, która umożliwia połączenie (ustawiając obok siebie) wiele macierzy w celu otrzymania jednej zwanej macierzą blokową. Dla przykładu rozważmy następującą macierz podzieloną na bloki:

$$A = \left(\begin{array}{c|cc} 1 & 2 & 3 & 4 \\ \hline 1 & 4 & 9 & 16 \\ 1 & 8 & 27 & 64 \\ 1 & 16 & 81 & 256 \end{array} \right) = \begin{pmatrix} A_{11} & A_{12} \\ A_{21} & A_{22} \end{pmatrix}.$$

Należy zatem zdefiniować podmacierze $A_{11}, A_{12}, A_{21}, A_{22}$:

```
-->A11=1;

-->A12=[2 3 4];

-->A21=[1;1;1];

-->A22=[4 9 16;8 27 64;16 81 256];
```

ostatecznie otrzymujemy macierz A powstałą z połączenia 4 bloków:

```
-->A=[A11 A12; A21 A22]
A =
! 1. 2. 3. 4. !
! 1. 4. 9. 16. !
! 1. 8. 27. 64. !
! 1. 16. 81. 256. !
```

Z punktu widzenia syntaktyki, macierze blokowe traktowane są jak zwykłe skalary (należy przy tym oczywiście pamiętać o zgodności wymiarów odpowiednich macierzy blokowych).

Istnieje odrębna składnia służąca do jednoczesnego usunięcia z macierzy wierszy lub kolumn: niech $v = (k_1, k_2, \dots, k_p)$ będzie wektorem składającym się z numerów wierszy lub kolumn macierzy M . Polecenie $M(v, :) = []$ spowoduje usunięcie wierszy o numerach k_1, k_2, \dots, k_p z macierzy M , natomiast $M(:, v) = []$ usunie kolumny k_1, k_2, \dots, k_p . Ponadto jeśli u jest wektorem (wierszowym lub kolumnowym), $u(v) = []$ usunie odpowiednie składowe.

Kolejność elementów macierzy. Macierze w Scilab-ie są składowane kolumna za kolumną i ta kolejność elementów wykorzystywana jest w wielu funkcjach (porównaj dla przykładu polecenie `matrix`, która umożliwia zmianę wymiarów macierzy). W szczególności dla operacji wstawiania i wydobywania możliwe jest użycie domyślnego porządku przy wykorzystaniu jedynego pojedynczego wektora indeksów (w miejsce dwóch, jako wskaźnik kolumn lub wierszy). Oto kilka przykładów opartych na wcześniej zdefiniowanej macierzy A :

```
-->A(5)
ans =
2.

-->A(5:9)
ans =
! 2. !
! 4. !
! 8. !
! 16. !
! 3. !

-->A(5:9) = -1 // spowoduje wstawienie elementu -1
A =
! 1. - 1. - 1. 4. !
! 1. - 1. 9. 16. !
! 1. - 1. 27. 64. !
! 1. - 1. 81. 256. !
```

2.4 Informacje na temat środowiska pracy(*)

Wystarczy wpisać `who` a otrzymamy w ten sposób następujące informacje

```
-->who
your variables are...

Anew      A      A22      A21      A12      A11      x_30      A33      x
y         R      b      Pext     p      Ac_adj   Ac      At      E
D         cosh   ind     xx      i      linspace M      U      O
zeros     C      B      I      Y      c      T      startup ierr
scicos_pal      home   PWD     TMPDIR   percentlib      fraclablib
soundlib xdesslib utillib tdcslib siglib s2flib  roplib  optlib  metalib
```

```

elemplib  commlib  polylib  autolib  armalib  alglib  mtlblib  SCI      %F
%T        %z      %s      %nan    %inf    old    newstacksize  $
%t        %f      %eps    %io     %i     %e     %pi
using      14875 elements out of 1000000.
           and          75 variables out of 1023

```

- Zmienne, które zostały wprowadzone A_{new} , A , A_{22} , A_{21} , ..., b w porządku odwrotnym do ich wczytywania;
- Nazwy bibliotek Scilab-a (posiadających rozszerzenie lib) i funkcji: `cosh`. To znaczy funkcje (te opisane w języku Scilab-a) oraz biblioteki traktowane są przez Scilab-a jak zmienne.
Uwaga: Procedury w Scilab-ie zaprogramowane w Fortran 77 i C nazywane są „prymitywami Scilab-a” i nie są uważane za zmienne w Scilab-ie. W dalszej części tego dokumentu używa się czasem przesadnie sformułowania „prymityw” aby zaznaczyć funkcje Scilab-a (programów w języku Scilab), które są zawarte w standardowo dostępnym środowisku.
- Stałe predefiniowane, takie jak π , e i ϵ epsilon maszynowy `eps` oraz dwie inne stałe, klasyczne w arytmetyce zmiennoprzecinkowej: `nan` - ang. *not a number*, `inf` - ∞ . Zmienne, których nazwa poprzedzona jest znakiem % nie mogą zostać usunięte.
- Bardzo istotna zmienna `newstacksize` określająca rozmiar stosu (to znaczy ilość dostępnej pamięci).
- Na koniec wyświetlona zostaje informacja o ilości użytych słów 8 bitowych w odniesieniu do ich całkowitej (dostępnej) ilości a następnie ilość użytych zmiennych w stosunku do maksymalnej dozwolonej ich ilości.

Rozmiar stosu można zmienić za pomocą polecenia `stacksize(nbmbts)` gdzie `nbmbts` oznacza nowy pożądan rozmiar. Ta sama komenda bez argumentu pozwala uzyskać rozmiar stosu mieszczący maksymalną dopuszczalną liczbę zmiennych.

Tak więc chcąc usunąć wektor `v1` ze środowiska a więc zwolnić miejsce w pamięci należy użyć polecenia `clear v1`. Polecenie `clear` użyte bez argumentu usunie wszystkie zmienne. Chcąc natomiast usunąć więcej niż jedną zmienną można podać ich nazwy jako kolejne argumenty polecenia `clear`, na przykład: `clear v1 v2 v3.s`

2.5 Wywołanie pomocy z linii poleceń

Pomoc można otrzymać wybierając przycisk `Help` z menu okna Scilab. Począwszy od wersji 2.7 strony pomocy są w formacie HTML⁵. Możliwe jest użycie innego programu do przeglądania dokumentacji w następujący sposób

```

-->global %browsehelp; %browsehelp=[];
-->help

```

W wierszu pierwszym modyfikowana jest zmienna lokalna `%browsehelp` w taki sposób, że zawiera ona macierz pustą. Zatem wprowadzenie polecenia `help` lub wybranie odpowiedniego przycisku, zostaną zaproponowane inne alternatywne możliwości. Można tą zmienną umieścić w pliku `.scilab` dzięki czemu uniknie się powyższych manipulacji⁶.

Wpisując polecenie `help` (lub klikając na przycisk `Help`) pojawi się strona HTML zawierająca odnośniki do wszystkich stron pomocy (Scilab Programming, Graphic Library, Utilities and Elementary functions,...). Klikając na wybraną nazwę otrzymuje się listę wszystkich funkcji związanych z danym tematem, do każdej z nich dołączono krótki opis. Wybierając daną funkcję otrzymuje się stronę z pytaniami dotyczącymi danej funkcji. Jeżeli natomiast znana jest nazwa funkcji wystarczy wpisać komendę `help NazwaFunkcji` w oknie Scilab-a aby wejść na odpowiednią stronę. Polecenie `apropos słowoKluczowe` wyświetli wszystkie strony na których pojawia się `słowoKluczowe` w nazwach funkcji lub ich opisach. Przeszukiwanie opcji może okazać się niewygodne, gdyż często wiele funkcji zgrupowanych jest pod jedną nazwą (na przykład jako `Elementary functions` mojąetutu występuje bardzo dużo różnych funkcji, które w jakimkolwiek stopniu na tę nazwę zasługują); nie wahaj się zatem używać polecenia `apropos`

2.6 Generator prostych wykresów

Przypuśćmy, że chcemy narysować wykres funkcji $y = e^{-x} \sin(4x)$ dla $x \in [0, 2\pi]$. Można zdefiniować podział przedziału poprzez funkcję `linspace`

```

-->x=linspace(0,2*pi,101);

```

a następnie policzyć wartości funkcji dla każdego elementu podziału wykorzystując w tym celu instrukcję

```

-->y=exp(-x).*sin(4*x);

```

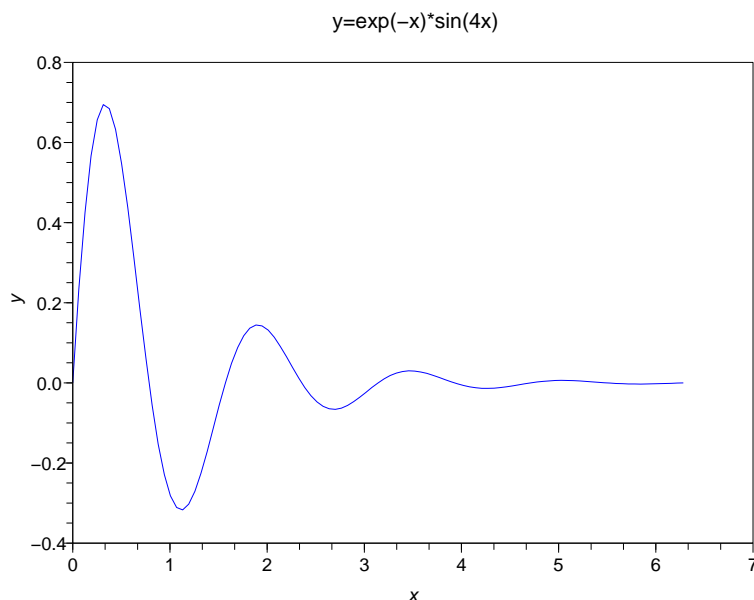
⁵Format podstawowy to XML a z niego otrzymuje się HTML.

⁶Jeśli wasza przeglądarka nie została uwzględniona należy dokonać modyfikacji pliku `SCI/macros/util/browsehelp.sci`

i ostatecznie

```
-->plot(x,y,'x','y','y=exp(-x)*sin(4x)')
```

gdzie trzy ostatnie łańcuchy znaków (odpowiednio: opis osi rzędnych i odciętych oraz nazwa wykresu) są opcjonalne. Instrukcja ta pozwala narysować krzywą przechodzącą przez punkty, których współrzędne określa wektor x na osi odciętych oraz y na osi rzędnych. Jeżeli punkty układają się częściowo wzdłuż linii prostej wykres będzie tym wierniejszy im większej ilości punktów użyjemy



Rysunek 1: Prosty wykres.

Uwaga: Ta instrukcja jest ograniczona, zatem nie należy sugerować się jedynie tym rozwiązaniem. W rozdziale dotyczącym grafiki wprowadza się instrukcje `plot2d`, która jest o wiele lepsza.

2.7 Pisanie i wykonywanie skryptów

Możliwe jest wpisanie ciągu instrukcji do pliku `nazwaPliku` i ich wywołanie poprzez komendę

```
-->exec('nazwaPliku') // lub exec("nazwaPliku")
```

Prostsza metodą jest wybranie pozycji `File Operation` znajdującą się w menu `File` okna Scilab. Menu pozwala wybrać interesujący nas plik (ewentualnie w celu jego modyfikacji); aby go wykonać wystarczy wybrać `Exec`. Jako przykład skryptu rozważmy ponownie wykres funkcji $e^{-x} \sin(4x)$ zadając za każdym razem inny rozmiar przedziału $[a, b]$ i ilość podprzedziałów. Napiszmy zatem w pliku nazywającym się na przykład `script1.sce` następujące instrukcje

```
// pierwszy skrypt

a = input(" Podaj lewy kraniec przedzialu : ");
b = input(" Podaj prawy kraniec przedzialu : ");
n = input(" Podaj ilosc podprzedzialow : ");

// obliczenie odcietych
x = linspace(a,b,n+1);

// obliczenie rzędnych
y = exp(-x).*sin(4*x);

// maly rysunek
plot(x,y,'x','y','y=exp(-x)*sin(4x)')
```

Uwaga:

- Aby odnaleźć się w naszych plikach Scilab-a zaleca się wykorzystać w nazwie pliku skryptowego rozszerzenie `*.sce` (w przypadku gdy plik zawiera funkcję, rozszerzeniem powinno być `*.scu`).
- Pewne edytory mogą być wyposażone w narzędzia specyficzne dla edycji w Scilab-ie (zobacz strona Scialba). Dla emacs istnieją dwa, z których lepszy pochodzi od Alexandra Vigodnera, którego najnowsze wersje można znaleźć pod adresem <http://www.geocities.com/avezunchik/scilab.html>
- Skrypt jest zazwyczaj pierwotnym programem dla aplikacji napisanych w Scilab-ie.

2.8 Dodatkowe informacje

2.8.1 Skracanie instrukcji przy zapisie macierzowym

Wcześniej dowiedzieliśmy się, że mnożenie macierzy przez skalar (podobnie dzielenie macierzy przez skalar) jest zdefiniowane w Scilab-ie. Natomiast Scilab stosuje uproszczeń mniej oczywistych, takich jak dodawanie skalaru i macierzy. Wyrażenie $M + s$ gdzie M jest macierza a s skalarom jest skrótem dla instrukcji

```
M + s*ones(M)
```

to znaczy skalar jest dodany do wszystkich elementów macierzy.

Inny skrót: w wyrażeniu typu $A ./ B$ (oznaczającym dzielenie *element po elemencie* macierzy o tych samych wymiarach), jeżeli A jest skalarom wówczas wyrażenie to jest skróconym zapisem dla instrukcji :

```
A*ones(B) ./ B
```

otrzymuje się macierz $[a/b_{ij}]$. Takie uproszczenia pozwalają na zapis bardziej syntetyczny w wielu przypadkach (por. ćwiczenia). Na przykład, jeśli f jest funkcją zdefiniowaną w środowisku, x jest wektorem a s jest zmienną, wówczas

```
s ./ f(x)
```

jest wektorem tych samych wymiarów co x , w którym i -ta współrzędna równa jest $s/f(x_i)$. W ten sposób, aby wyznaczyć wektor o współrzędnych $1/f(x_i)$, użyjemy składni :

```
1 ./ f(x)
```

Taka składnia interpretuje $1.$ jako jedynkę i wynik nie będzie właściwy. Dobrym rozwiązaniem aby otrzymać poszukiwany wynik jest ujęcie liczby w nawias lub oddzielenie liczby spacją :

```
(1) ./ f(x)      // lub także 1 ./ f(x)   lub   1.0 ./ f(x)
```

2.8.2 Pozostałe uwagi dotyczące rozwiązywania układów równań liniowych (*)

1. W przypadku gdy mamy więcej wyrazów wolnych, można stosować następujące polecenie :

```
-->y1 = [1;0;0;0]; y2 = [1;2;3;4]; // przypadek gdy mamy 2 wyrazy wolne (można
                                // ująć więcej instrukcji w jednej linii)
-->X=A\[y1,y2] // konkatenacja/lączenie y1 i y2
X =
!   4.          - 0.8333333 !
! - 3.          1.5        !
!   1.3333333   - 0.5      !
! - 0.25        0.0833333 !
```

Pierwsza kolumna macierzy X jest rozwiązaniem układu równań $Ax^1 = y^1$, natomiast druga jest rozwiązaniem układu $Ax^2 = y^2$.

2. Wcześniej zobaczyliśmy, że jeżeli A jest macierzą kwadratową (n,n) oraz b jest wektorem kolumnowym o n współrzędnych (a więc macierzą $(n,1)$) to :

```
x = A\b
```

da nam rozwiązanie układu równań liniowych postaci $Ax = b$. Jeżeli natomiast macierz A okaże się macieżą osobliwą, Scilab zwróci błąd. Na przykład :

```
-->A=[1 2;1 2];
```

```
-->b=[1;1];
```

```
-->A\b
```

```
!--error 19
singular matrix
```

Podczas gdy macierz A jest źle uwarunkowana (lub ewentualnie źle zrównoważona) odpowiedź będzie dostarczona ale wraz z komentarzem w postaci ostrzeżenia zawierającym oszacowanie odwrotności uwarunkowania ($cond(A) = \|A\| \|A^{-1}\|$):

```
-->A=[1 2;1 2+3*%eps];
```

```
-->A\b
```

```
warning
matrix is close to singular or badly scaled.
results may be inaccurate. rcond = 7.4015D-17
```

```
ans =
```

```
! 1. !
! 0. !
```

Z drugiej strony, jeżeli macierz nie jest kwadratowa, ale posiada tę samą liczbę wierszy co wektor wyrazów wolnych, Scilab obliczy rozwiązanie (w postaci wektora kolumnowego, którego liczba współrzędnych będzie równa liczbie kolumn macierzy A) nie informując użytkownika o błędzie. W efekcie, jeżeli równanie $Ax = b$ nie ma w ogólności rozwiązania jednoznacznego⁷, można zawsze wybrać wektor x który zweryfikuje pewne własności (x o minimalne normie i jednocześnie będący rozwiązaniem $\min \|Ax - b\|$). W tym przypadku takie rozwiązanie jest wynikiem działania innych algorytmów które umożliwiają (ewentualne) otrzymanie pseludo-rozwiązania⁸. Niedogodność jest taka, że jeśli zostanie popełniony błąd podczas definiowania macierzy (na przykład zdefiniowana zaostanie dodatkowa kolumna tak, że macierz będzie miała wymiar $(n, n+1)$) błąd ten nie zostanie wykryty natychmiast. Rozważmy przykład :

```
-->A(2,3)=1 // zaburzenie
```

```
A =
```

```
! 1. 2. 0. !
! 1. 2. 1. !
```

```
-->A\b
```

```
ans =
```

```
! 0. !
! 0.5 !
! - 3.140D-16 !
```

```
-->A*ans - b
```

```
ans =
```

```
1.0D-15 *
```

```
! - 0.1110223 !
! - 0.1110223 !
```

Poza zwróceniem naszej uwagi na konsekwencje tego typu zaklęć, powyższy przykład ilustruje następujące fakty/aspekty :

⁷niech (m, n) będzie wymiarem macierzy A (gdzie $n \neq m$), mamy jedno rozwiązanie wtedy i tylko wtedy, gdy $m > n$, $Ker A = \{0\}$ i w konsekwencji $b \in Im A$ ten ostatni warunek jest wyjątkiem jeśli b jest zadane z góry w K^m ; w każdym innym przypadku albo nie ma żadnego rozwiązania albo istnieje nieskończenie wiele rozwiązań

⁸w przypadkach trudnych, tzn. takich, gdzie macierz nie ma maksymalnego rzędu ($rg(A) < \min(n, m)$ gdzie n i m są dwuwymiarowe) należy wyznaczyć rozwiązanie korzystając z pseludo-odwrotnej macierzy do A ($x = pinv(A)*b$).

- $x = A \backslash y$ pozwala rozwiązać problem mniej kwadratowy (kiedy macierz nie ma maksymalnego rzędu, należy lepiej użyć/wykozystać $x = \text{pinv}(A) * b$, pseudo-inwersja zostanie obliczona poprzez dekompozycję pojedynczych wartości A (tę dekompozycję można otrzymać za pomocą instrukcji `svd`));
- instrukcja `A(2,3)=1` (błąd zaklucenia...) jest w rzeczywistości skrótem od :

```
A = [A,[0;1]]
```

to znaczy Scilab domyśla się, że macierz A ma być uzupełniona (o 3 kolumnę) ale brakuje mu jednego elementu. W takim przypadku uzupełni je zerami.

- element na pozycji (2,2) jest równy $2 + 3\varepsilon_m$. Epsilon maszynowy (ε_m) może być zdefiniowany jako bardzo duża liczba, dla której $1 \oplus \varepsilon_m = 1$ w arytmetyce zmiennoprzecinkowej⁹. W konsekwencji musimy mieć $2 \oplus 3\varepsilon_m > 2$ aby na ekranie pojawiła się 2. Wynika to z użytego domyślnie formatu danych, można go jednak zmodyfikować używając instrukcji `format` :

```
-->format('v',19)
```

```
-->A(2,2)
```

```
ans =
2.00000000000000009
```

W ten sposób zmienimy format domyślny `format('v',10)` (patrz `Help` aby poznać znaczenie argumentów).

- Rozwiązanie układu $Ax = b$, które nie zostało przypisane żadnej konkretnej zmiennej, jest domyślnie nazwane `ans`. Zmienną tę można następnie wykozystać do obliczenia wartości rezydualnej $Ax - b$.

3. Przy użyciu Scilab-a można również odpowiednio rozwiązać układ równań postaci $xA = b$ gdzie x i b są wektorami wierszowymi, a A jest macierzą kwadratową (poprzez transpozycję wracamy do układu klasycznego $A^T x^T = b^T$), wystarczy pomnożyć prawostronnie przez A^{-1} (odpowiednikiem tej operacji jest prawostronne podzielenie przez macierz A) :

```
x = b/A
```

I podobnie jak poprzednio, jeśli A jest macierzą prostokątną (gdzie liczba kolumn jest równa liczbie wierszy wektora b), Scilab wyznaczy rozwiązanie.

2.8.3 Kilka prostych macierzy (*)

Suma, iloczyn współczynników macierzy, macierz pusta

Aby zsumować współczynniki macierzy, używamy funkcji `sum` :

```
-->sum(1:6) // 1:6 = [1 2 3 4 5 6] : powinniśmy zatem otrzymać 6*7/2 = 21 !!!!!
ans =
21.
```

Funkcja ta przyjmuje argument dodatkowy dla obliczenia tylko wierszy lub tylko kolumn :

```
-->B = [1 2 3; 4 5 6]
B =
! 1. 2. 3. !
! 4. 5. 6. !

-->sum(B,"r") // oblicza sumę wyrazów w poszczególnych kolumnach,
// otrzymujemy wektor wierszowy postaci
ans =
! 5. 7. 9. !

-->sum(B,"c") // oblicza sumę wyrazów w poszczególnych wierszach,
// otrzymujemy wektor kolumnowy postaci
ans =
! 6. !
! 15. !
```

⁹Ściśle mówiąc wszystkie liczby rzeczywiste x takie, że $m \leq |x| \leq M$ mogą być zakodowane/zapisane za pomocą liczby zmiennoprzecinkowej $fl(x)$ następująco : $|x - fl(x)| \leq \varepsilon_m |x|$ gdzie m i M są odpowiednio najmniejszą i największą liczbą dodatnią możliwą do zakodowania za pomocą znormalizowanej liczby zmiennoprzecinkowej.

Jednym z wyjątkowo użytecznych obiektów jest *macierz pusta*, którą definiuje się następująco :

```
-->C = [ ]
C =
[ ]
```

Macierz ta ma następujące własności : $[] + A = A$ i $[] * A = []$. Stosując teraz funkcję `sum` do macierzy pustej otrzymujemy naturalnie rezultat :

```
-->sum([ ])
ans =
0.
```

według matematycznej konwencji sumowania :

$$S = \sum_{i \in E} u_i = \sum_{i=1}^n u_i \text{ gdy } E = \{1, 2, \dots, n\}$$

jeżeli E jest zbiorem pustym wówczas $S = 0$ W analogiczny sposób, aby otrzymać iloczyn elementów macierzy, stosuje się

funkcję `prod` :

```
-->prod(1:5)      // otrzymujemy 5! = 120
ans =
120.

-->prod(B,"r")    // napisz B aby zobaczyc macierz...
ans =
!   4.    10.    18. !

-->prod(B,"c")
ans =
!   6.    !
!  120.  !

-->prod(B)
ans =
720.

-->prod([ ])
ans =
1.
```

wynik otrzymuje się zgodnie z konwencją znaną w matematyce :

$$\prod_{i \in E} u_i = 1, \text{ si } E = \emptyset.$$

Suma i iloczyn skumulowany

Funkcje `cumsum` i `cumprod` obliczają odpowiednio sumę i iloczyn skumulowany macierzy lub wektora :

```
-->x = 1:6
x =
!   1.    2.    3.    4.    5.    6. !

-->cumsum(x)
ans =
!   1.    3.    6.   10.   15.   21. !

-->cumprod(x)
ans =
!   1.    2.    6.   24.   120.  720. !
```

Dla macierzy kumulowanie dokonuje się zazwyczaj jedynie w porządku kolumnowym :

```
-->x = [1 2 3;4 5 6]
x =
! 1. 2. 3. !
! 4. 5. 6. !

-->cumsum(x)
ans =
! 1. 7. 15. !
! 5. 12. 21. !
```

Podobnie jak w przypadku funkcji `sum` i `prod`, można dokonywać kumulowania według wierszy i kolumn :

```
-->cumsum(x,"r") // suma skumulowana według kolumn !
ans =
! 1. 2. 3. !
! 5. 7. 9. !

-->cumsum(x,"c") // suma skumulowana według wierszy !
ans =
! 1. 3. 6. !
! 4. 9. 15. !
```

Pojawia się tutaj pozorna niezgodność pomiędzy nazwą a sposobem dokonywania obliczeń na wierszach i kolumnach¹⁰ : dla funkcji `sum` i `prod` argument informuje o ostatecznej formie otrzymanego wyniku (`sum(x,"r")` pozwala otrzymać wektor wierszowy (r jak row, ang. wiersz) a więc sumę każdej kolumny) lecz takie rozumowanie działa jedynie w przypadku tych funkcji.

minimum i maksimum wektora i macierzy

Najmniejszą i największą wartość wektora lub macierzy można wyznaczyć posługując się funkcjami `min` i `max`. Ich działanie jest takie jak w przypadku funkcji `sum` i `prod` gdzie dodatkowy argument określa czy minimum lub maksimum ma być wyznaczone dla wiersza czy dla kolumny. Dodatkowo możliwe jest określenie wskaźnika dla miejsca, w którym znajduje się owo minimum lub maksimum. Przykłady :

```
-->x = rand(1,5)
x =
! 0.7738714 0.7888738 0.3247241 0.4342711 0.2505764 !

-->min(x)
ans =
0.2505764

-->[xmin, imin] = min(x)
imin =
5. // min jest osiągnięte w x(5)
xmin =
0.2505764

-->y = rand(2,3)
y =
! 0.1493971 0.475374 0.8269121 !
! 0.1849924 0.1413027 0.7530783 !

-->[ymin, imin] = min(y)
imin =
! 2. 2. ! // min jest osiągnięte dla y(2,2)
ymin =
0.1413027

-->[ymin, imin] = min(y,"r") // minimum każdej kolumny
```

¹⁰sum, prod, cumsum, cumprod, mean, st_deviation, min, max

```

imin =
! 1.    2.    2. !           // => min to y(1,1) y(2,2) y(2,3)
ymin =
! 0.1493971    0.1413027    0.7530783 !

-->[ymin, imin] = min(y,"c") // minimum kazdego wiersza
imin =
! 1. !           // min to y(1,1)
! 2. !           //           y(2,2)
ymin =
! 0.1493971 !
! 0.1413027 !

```

Średnia i odchylenie standardowe

Funkcje `mean` i `st_deviation` pozwalają wyznaczyć średnią i odchylenie standardowe współrzędnych wektora lub macierzy. Formuła używana dla odchylenia standardowego jest następująca :

$$\sigma(x) = \left(\frac{1}{n-1} \sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2 \right)^{1/2}, \quad \bar{x} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i$$

```

-->x = 1:6
x =
! 1.    2.    3.    4.    5.    6. !

-->mean(x)
ans =
    3.5

-->st_deviation(x)
ans =
    1.8708287

```

Podobnie można wyznaczyć średnią (a także odchylenie standardowe) wiersza lub kolumny macierzy :

```

-->x = [1 2 3; 4 5 6]
x =
! 1.    2.    3. !
! 4.    5.    6. !

-->mean(x,"r") // srednia wyrazow kazdej z kolumn macierzy
ans =

! 2.5    3.5    4.5 !

-->mean(x,"c") // srednia kazdego z wierszy
ans =

! 2. !
! 5. !

```

Przekształcenie macierzy. Funkcja `matrix` umożliwia takie przekształcenie macierzy aby miała ona nowe wymiary (przy zachowaniu tych samych współczynników).

```

-->B = [1 2 3; 4 5 6]
B =
! 1.    2.    3. !
! 4.    5.    6. !

-->B_new = matrix(B,3,2)
B_new =

```

```
! 1.    5. !
! 4.    3. !
! 2.    6. !
```

Jest to możliwe dzięki temu, że współczynniki macierzy zapamiętywane są kolumnowo. Jednym z zastosowań funkcji `matrix` jest transpozycja wektora wierszowego na kolumnowy i odwrotnie. Należy zaznaczyć, że w ogólności pozwala ona także przekształcić macierz A zamieniając (wektory wierszowe i kolumnowe) na wektor kolumnowy v : $v = A(:, :)$, przykład:

```
-->A = rand(2,2)
A =
! 0.8782165    0.5608486 !
! 0.0683740    0.6623569 !

-->v=A(:, :)
v =
! 0.8782165 !
! 0.0683740 !
! 0.5608486 !
! 0.6623569 !
```

Wektory z postępowaniem logarytmicznym. Czasami istnieje potrzeba operowania wektorem którego współrzędne stanowią postęp logarytmiczny (tzn. takie, że stosunek dwóch sąsiednich jest stały: $x_{i+1}/x_i = \text{const}$): można użyć w tym przypadku funkcję `logspace`: `logspace(a,b,n)`: pozwalającą otrzymać taki wektor o n współrzędnych w którym pierwsza i ostatnia współrzędna są odpowiednio 10^a i 10^b , np:

```
-->logspace(-2,5,8)
ans =
! 0.01    0.1    1.    10.    100.    1000.    10000.    100000. !
```

Wartości i wektory własne

Funkcja `spec` pozwala obliczyć wartości własne macierzy (kwadratowej!):

```
-->A = rand(5,5)
A =
! 0.2113249    0.6283918    0.5608486    0.2320748    0.3076091 !
! 0.7560439    0.8497452    0.6623569    0.2312237    0.9329616 !
! 0.0002211    0.6857310    0.7263507    0.2164633    0.2146008 !
! 0.3303271    0.8782165    0.1985144    0.8833888    0.312642 !
! 0.6653811    0.0683740    0.5442573    0.6525135    0.3616361 !

-->spec(A)
ans =
! 2.4777836 !
! - 0.0245759 + 0.5208514i !
! - 0.0245759 - 0.5208514i !
! 0.0696540 !
! 0.5341598 !
```

oraz wyświetla wyniki w postaci wektora kolumnowego (Scilab stosuje metodę QR polegającą na iteracyjnej dekompozycji *Schur* macierzy). Wektory własne mogą być otrzymane za pomocą `bdiag`. W ogólności aby wyznaczyć wartości własne można wykorzystać funkcję `gspec`.

2.8.4 Funkcje `size` i `length`

`size` pozwala uzyskać informację o wymiarach macierzy (w kolejności: liczba wierszy, liczba kolumn):

```
-->[nl,nc]=size(B) // B jest macierza (2,3) z poprzedniego przykładu
nc =
3.
nl =
2.
```



```
-->x=5:-1:1
x =
!   5.    4.    3.    2.    1. !

-->size(x)
ans =
!   1.    5. !
```

natomiast `length` mówi o liczbie elementów macierzy (rzeczywistych lub zespolonych). W ten sposób dla wektora wierszowego lub kolumnowego otrzymuje się dokładnie liczbę jego współczynników :

```
-->length(x)
ans =
5.

-->length(B)
ans =
6.
```

Obie te instrukcje używane są po to aby poznać rozmiar macierzy lub wektora będącego argumentem tych funkcji. Należy dodać, że `size(A, 'r')` (lub `size(A,1)`) oraz `size(A, 'c')` (lub `size(A,2)`) mówią o liczbie wierszy (rows) oraz kolumn (columns) macierzy A .

2.9 Ćwiczenia

1. Zdefiniować macierz wymiaru n następująco (zob. szczegóły dotyczące funkcji `diag` za pomocą `Help`):

$$A = \begin{pmatrix} 2 & -1 & 0 & \cdots & 0 \\ -1 & \ddots & \ddots & \ddots & \vdots \\ 0 & \ddots & \ddots & \ddots & 0 \\ \vdots & \ddots & \ddots & \ddots & -1 \\ 0 & \cdots & 0 & -1 & 2 \end{pmatrix}$$

2. Niech A będzie macierzą kwadratową; czym będzie `diag(diag(A))` ?
3. Funkcja `tril` pozwala wydobyć trójkątną dolną część macierzy (`triu` dla części trójkątnej górnej). Zdefiniować dowolną macierz kwadratową A (np. za pomocą `rand`) i skonstruować pojedynczą instrukcją macierz trójkątną górną T taką, że $t_{ij} = a_{ij}$ dla $i > j$ (części trójkątne górne macierzy A i T są jednakowe) i taką, że $t_{ii} = 1$ (T jest diagonalnie jednostkowa).
4. Niech X będzie macierzą (lub wektorem) zdefiniowanym w środowisku. Napisać instrukcję pozwalającą obliczyć macierz Y (tego zamego rozmiaru co X) w której element na pozycji (i, j) jest równy wartości $f(X_{ij})$ w następujących przypadkach :

- (a) $f(x) = 2x^2 - 3x + 1$
- (b) $f(x) = |2x^2 - 3x + 1|$
- (c) $f(x) = (x - 1)(x + 4)$
- (d) $f(x) = \frac{1}{1+x^2}$

5. Naskicować wykres funkcji $f(x) = \frac{\sin x}{x}$ dla $x \in [0, 4\pi]$ (napisać skrypt).
6. *Mała ilustracja prawa wielkich liczb* : wyznaczyć za pomocą funkcji `rand` n próbek według prawa zero-jedynkowego w postaci wektora x , obliczyć średnią skumulowaną tego wektora, tzn. wektor \bar{x} , którego każda z n współrzędnych ma wartość : $\bar{x}_k = \frac{1}{k} \sum_{i=1}^k x_i$ oraz naskicować wykres ciągu otrzymanego w ten sposób. Zbadać jego zachowanie, zwiększając wartość n .

3 Programowanie w Scilabie

Scilab, oprócz prostych instrukcji (pozwalających, z wykozystaniem instrukcji macierzowych, na bardzo syntetyczne programować bliskie językowi matematycznemu, co najmniej macierzowemu) dysponuje prostym aczkolwiek wystarczająco kompletnym językiem programowania. Zasadniczą różnicą w porównaniu z najpopularniejszymi dziś językami (C, C++, Pascal, ...) jest brak konieczności deklarowania zmiennych: w przeciwieństwie do operacji wcześniej wykonywanych, nie musimy w żadnym momencie precyzować rozmiaru macierzy ani jej typu (rzeczywista, zespolona, ...). To na interpreterze Scilaba spoczywa zadanie rozpoznawania każdego nowego obiektu. Takie podejście nie jest często brane pod uwagę, gdyż z punktu widzenia programisty prowadzić może do powstawania trudnych do wychwycenia błędów. W przypadku języków takich jak Scilab (czy MATLAB) nie powoduje to problemów dzięki używaniu zapisu wektorowego/macierzowego oraz gotowych instrukcji prostych, pozwalających na znaczne zmniejszenie ilości zmiennych oraz wielkości kodu (na przykład dzięki instrukcjom macierzowym unikamy znacznej ilości pętli służących do definiowania macierzy). Inną zaletą języków programowania tego typu jest dysponowanie instrukcjami graficznymi (dzięki czemu unikamy konieczności korzystania z innego programu lub stosowania bibliotek graficznych) oraz bycie interpretowanym (co pozwala na łatwe wyszukiwanie błędów bez pomocy debugera). Nie mniej jednak niedogodnym jest, że programy napisane w Scilabie są wolniejsze od tych napisanych w C (ale program w C wymaga 50 razy więcej czasu na jego poprawne napisanie). Z innej strony, w aplikacjach gdzie ilość zmiennych jest szczególnie istotna (na przykład macierz 1000 x 1000) lepiej powrócić do języka kompilowanego. Istotnym punktem wpływającym na szybkość wykonania jest konieczność stosowania maksymalnie często instrukcji prostych i instrukcji macierzowych (oznacza to ograniczenie do minimum ilość pętli)¹¹. W efekcie Scilab odwołuje się także do skompilowanych funkcji (fortran) dzięki czemu interpreter ma mniej pracy (pracuje mniej). Dla wykorzystania najlepszego z tych dwóch modeli (to znaczy szybkości języka kompilowanego i wygody środowiska takiego jak Scilab), użytkownik ma możliwość wywoływania podprogramów w fortranie(77) lub C.

3.1 Pętle

W Scilabie mamy możliwość użycia jednej z dwóch pętli: `for` oraz `while`.

3.1.1 Pętla `for`

Pętla `for` służy do powtarzania pewnego ciągu instrukcji; zmienna sterująca pętli przyjmuje kolejne wartości wektora liniowego

```
-->v=[1 -1 1 -1]
-->y=0; for k=v, y=y+k, end
```

Ilość iteracji (powtórzeń) określona jest przez ilość składników wektora; w i -tej iteracji wartość k jest równa $v(i)$. Opisowo pętla `for` przedstawić można następująco

dla $i := i_{start}$ aż do i_{end} z krokiem i_{step} powtarzaj :
instrukcje
koniec powtarzaj

Jako wektora można użyć wyrażenia `iStart:iStep:iEnd`; jeśli przyrost `iStep` ma wartość 1 to jak widzieliśmy wcześniej może zostać pominięty. Przedstawiona wcześniej jako przykład pętla `for` może zostać także napisana w bardziej naturalny sposób

```
-->y=0; for i=1:4, y=y+v(i), end
```

Kilka uwag:

- Zmienna sterująca może także przyjmować wartości pochodzące z macierzy. W takim przypadku ilość iteracji równa jest ilości kolumn macierzy, a zmienna sterująca w i -tym przebiegu pętli jest równa i -tej kolumnie macierzy

```
-->A=rand(3,3);y=zeros(3,1); for k=A, y = y + k, end
```

- Dokładna składnia instrukcji `for` wygląda następująco

```
for zmienna = macierz, ciag instrukcji, end
```

gdzie instrukcje oddzielone są od siebie przecinkiem (lub średnikiem jeśli nie chcemy widzieć na ekranie rezultatów wykonania instrukcji). Ponieważ lista zmiennych rozdzielonych przecinkiem równoważna jest takiej samej liście rozdzielonej spacjami, dlatego w skryptach lub funkcjach częściej stosuje się wygodniejszy (bardziej czytelny) zapis:

¹¹patrz również: sekcja "Kilka uwag dotyczących szybkości"

```

for zmienna = macierz
    instrukcja1
    instrukcja2
    .....
    instrukcja_n
end

```

gdzie instrukcja może kończyć się średnikiem (będzie tak zawsze jeśli chcemy uniknąć pojawiania się rezultatów instrukcji na ekranie)¹².

3.1.2 Pętla while

Pętla while pozwala na powtarzanie ciągu instrukcji tak długo dopóki prawdziwy jest pewien warunek:

```
-->x=1 ; while x<14,x=2*x, end
```

Zadając warunek możemy wykorzystać następujące operatory porównania:

==	równe
<	mniejsze
>	większe
<=	mniejsze lub równe
>=	większe lub równe
~= lub <>	różne

Scilab posiada wbudowany typ logiczny, w którym dla oznaczenia prawdy stosuje się symbole %t lub %T zaś fałszu %f lub %F. Można oczywiście zdefiniować macierz lub wektor złożony z wartości logicznych. Dostępne są następujące operatory logiczne :

&	i
	lub
~	nie

Formalna składnia pętli while przedstawia się jak poniżej

```
while warunek, instrukcja_1, ... ,instrukcja_N , end
```

lub (często w przypadku skryptu lub funkcji):

```

while warunek
    instrukcja_1
    .....
    instrukcja_N
end

```

gdzie każda instrukcja_k może zostać zakończona średnikiem, warunek zaś jest wyrażeniem zwracającym wartość logiczną.

3.2 Instrukcja warunkowa

Są dwie instrukcje sterujące przebiegiem wykonania programu: *if-then-else* oraz *select-case*.

3.2.1 Instrukcja if-then-else

Spójrzmy na przykład poniżej :

```
-->if x>0 then, y=-x,else,y=x,end // zmienna x powinna zostac wczesniej zdefiniowana
```

Podobnie jak to miało miejsce dla instrukcji pętli przecinki nie są znakami obowiązkowymi. Jak w większości spotykanych języków programowania, w przypadku gdy nie podejmujemy żadnego działania związanego z niespełnieniem warunku, możemy część else pominąć. W przypadku gdy część else zawierać by miała kolejną instrukcję if-then-else zamiast ciągu else oraz if można użyć elseif co prowadzi do ogólnego schematu tej instrukcji

¹²jest tak tylko w przypadku, gdy mamy do czynienia ze skryptem, w przypadku funkcji, wynik instrukcji nie jest wyświetlany nawet gdy nie jest ona zakończona średnikiem; zasadę tę można zmodyfikować używając instrukcji mode

```

if warunek1 then
    ciag instrukcji wykonywanych
    gdy spelniony jest warunek1
elseif warunek2 then
    ciag instrukcji wykonywanych
    gdy spelniony jest warunek2

...

elseif warunekN then
    ciag instrukcji wykonywanych
    gdy spelniony jest warunekN
else
    ciag instrukcji wykonywanych
    gdy nie jest spelniony zadnen
    z warunk\ow od 1 do N
end

```

Podobnie jak dla instrukcji while warunek jest wyrażeniem zwracającym wartość logiczną.

3.2.2 Instrukcja select-case (*)

Spójrzmy na przykład poniżej (proszę sprawdzić jego działanie dla różnych wartości zmiennej num)¹³

```

-->num = 1, select num, case 1, y = 'przypadek 1', case 2, y = 'przypadek 2',...
-->else, y = 'inne przypadki', end

```

który w skrypcie lub funkcji przyjmie raczej postać

```

// zakładamy, że zmienna num została dobrze określona
select num
case 1 y = 'przypadek 1'
case 2 y = 'przypadek 2'
else y = 'inne przypadki'
end

```

Scilab sukcesywnie porównuje wartość zmiennej num z możliwymi wartościami przypadków (1, potem 2). Jeśli zajdzie równość, wykonywane są instrukcje począwszy od case równego zmiennej num aż do końca instrukcji select-case (tutu jak działa ten select-case?). Przekazanie sterowania do nieobowiązkowej gałęzi else ma miejsce w sytuacji gdy nie powiodą się wszystkie wcześniejsze testy. Formalnie instrukcja ta przedstawia się następująco

```

select zmiennaTestujaca
case wyrazenie1
    ciag instrukcji wykonywany gdy
    zmiennaTestujaca rowna jest wyrazeniu1
...

case wyrazenieN
    ciag instrukcji wykonywany gdy
    zmiennaTestujaca rowna jest wyrazeniuN
else
    ciag instrukcji wykonywany gdy
    zmiennaTestujaca nie jest rowna zadnemu
    z wyrazen od 1 do N
end

```

gdzie wyrazenie1 jest wyrażeniem zwracającym wartość, która może zostać porównana ze zmiennaTestujaca. Konstrukcja select-case równoważna jest następującej konstrukcji if-then-else

```

if zmiennaTestujaca == wyrazenie1 then
    ciag instrukcji wykonywany gdy

```

¹³Zmienna y jest łańcuchem znaków – patrz kolejny rozdział.

```

    zmiennaTestujaca rowna jest wyrażeniu1
...
elseif zmiennaTestujaca = wyrażeniuN then
    ciąg instrukcji wykonywany gdy
    zmiennaTestujaca rowna jest wyrażeniuN
else
    ciąg instrukcji wykonywany gdy
    nie jest spełniony żaden z powyższych
    warunków
end

```

3.3 Inne rodzaje zmiennych

Do tej pory używaliśmy zmiennych będących macierzami (wektorami, skalarami) złożonymi z wartości typu rzeczywistego, zespolonego lub logicznego. Oprócz nich mamy również do dyspozycji zmienne reprezentujące łańcuchy znaków oraz listy.

3.3.1 Łańcuchy znaków

W przykładzie dotyczącym konstrukcji `select-case` zmienna `y` jest typu *łańcuch znaków*. W Scilabie łańcuchy znaków ograniczane są za pomocą znaku apostrofu lub cudzysłowu (jeśli chcemy któryś z tych znaków wykorzystać w takim łańcuchu, to należy napisać go dwukrotnie). Aby przypisać zmiennej `czyToPrawda` wartość

Czy Scilab jest "cool" ?

należy napisać

```
-->czyToPrawda = "Czy Scilab jest ""cool"" ?"
```

lub równoważnie

```
-->czyToPrawda = 'Czy Scilab jest ""cool"" ?'
```

Można także zdefiniować macierz złożoną z łańcuchów znaków

```
-->M = ["a" "bc" "def"]
M =
!a  bc  def !
```

```
-->size(M) // w celu otrzymania wymiarów składowych
ans =
! 1.  3. !
```

```
-->length(M)
ans =
! 1.  2.  3. !
```

Zauważmy, że w tym przypadku `length` nie zachowuje się tak samo jak dla macierzy liczbowej. Zwraca bowiem jako wynik macierz o takim samym wymiarze jak `M`, w której współczynnik określony przez współrzędne (i, j) równy jest co do wartości ilości znaków w łańcuchu na pozycji (i, j) .

Do łączenia (konkatenacji) łańcuchów używamy operatora `+`

```
-->s1 = 'abc'; s2 = 'def'; s = s1 + s2
s =
abcdef
```

podciąg wydobywamy zaś (operacja ekstrakcja) przy pomocy funkcji `part`

```
-->part(s,3)
ans =
c

-->part(s,3:4)
ans =
cd
```

Drugim argumentem funkcji `part` jest wektor określający indeksy znaków jakie mamy wydobyć z łańcucha.

3.3.2 Listy (*)

Lista jest uporządkowanym zbiorem obiektów Scilaba (macierzy i skalarów rzeczywistych, zespolonych czy też złożonych z łańcuchów znaków, wartości logicznych, funkcji, list, ...; każdemu elementowi przypisuje się numer). Dostępne są dwa rodzaje list: lista obiektów oraz lista typów. Oto przykład listy obiektów :

```
-->L=list(rand(2,2),["Obym skonczyl" " ten skrypt..."],[%t ; %f])
L =
```

```
L(1)
```

```
! 0.2113249 0.0002211 !
! 0.7560439 0.3303271 !
```

```
L(2)
```

```
!Obym skonczyl ten skrypt... !
```

```
L(3)
```

```
! T !
! F !
```

W ten oto sposób zdefiniowaliśmy listę, w której pierwszy element jest macierzą o wymiarze (2, 2), drugi wektorem łańcuchów znakowych a trzeci wektorem o składnikach logicznych. Oto kilka podstawowych operacji na listach

```
-->M = L(1) // ekstrakcja (wydobycie) pierwszego skł{ad}nika
M =
```

```
! 0.2113249 0.0002211 !
! 0.7560439 0.3303271 !
```

```
-->L(1)(2,2) = 100; // modyfikowanie pierwszego skł{ad}nika
```

```
-->L(1)
ans =
```

```
! 0.2113249 0.0002211 !
! 0.7560439 100. !
```

```
-->L(2)(4) = " przed wakacjami !"; // modyfikacja drugiego skł{ad}nika
```

```
-->L(2)
ans =
```

```
!Obym skonczyl ten skrypt... przed wakacjami ! !
```

```
-->L(4)="Aby dodac czwarty skł{ad}nik"
L =
```

```
L(1)
```

```
! 0.2113249 0.0002211 !
! 0.7560439 100. !
```

```
L(2)
```

!Obym skonczyl ten skrypt... przed wakacjami ! !

L(3)

! T !

! F !

L(4)

Aby dodac czwarty skladnik

```
-->size(L)    // ile elementow ma lista  
ans =
```

4.

```
-->length(L)    // podobnie jak wyzej  
ans =
```

4.

```
-->L(2) = null()    // usuniecie drugiego elementu  
L =
```

L(1)

```
!    0.2113249        0.0002211 !  
!    0.7560439        100.        !
```

L(2)

! T !

! F !

L(3)

Aby dodac czwarty skladnik

```
-->Lbis=list(1,1:3)        // definicja innej listy  
Lbis =
```

Lbis(1)

1.

Lbis(2)

```
!    1.        2.        3. !
```

```
-->L(3) = Lbis    // 3 skladnik L jest teraz lista  
L =
```

L(1)

```
! 0.2113249 0.0002211 !
! 0.7560439 100.      !
```

```
L(2)
```

```
! T !
! F !
```

```
L(3)
```

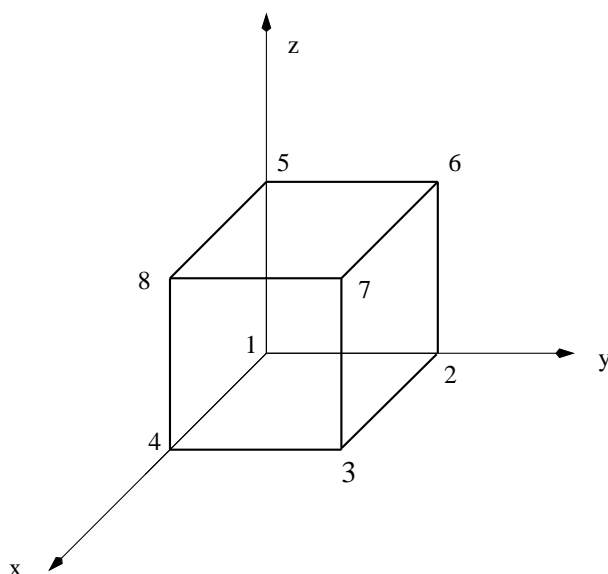
```
L(3)(1)
```

```
1.
```

```
L(3)(2)
```

```
! 1. 2. 3. !
```

Przejdźmy teraz do list typów. W tych listach pierwszy element jest łańcuchem określającym typ elementów listy (co pozwala zdefiniować nowy typ danych a następnie określić operatory na tym typie danych), kolejne elementy mogą być dowolnymi obiektami Scilaba. Pierwszy element może być także wektorem złożonym z łańcuchów znaków; pierwszy określa typ elementów listy, pozostałe zaś służą jako indeksy elementów listy (w miejsce ich numerów na liście). Rozważmy następujący przykład: chcemy reprezentować wielościan (w którym wszystkie ściany mają identyczną ilość krawędzi). W tym celu przechowujemy w macierzy współrzędne wszystkich wierzchołków (o wymiarze $(3, \text{ilośćWierzchołków})$ do której odwoływać się będziemy używając ciągu *coord*). Następnie definiujemy macierz (o wymiarze $(\text{ilośćWierzchołków}, \text{ilośćŚcian})$) określającą związek pomiędzy ścianą a wierzchołkami: dla każdej ściany podajemy numery wierzchołków ją opisujących w kolejności zgodnej z regułą korkociągu dla zewnętrznego wektora normalnego. Do tej listy odwoływać się będziemy pisząc *fence*. Dla sześcianu (porównaj



Rysunek 2: Numéros des sommets du cube

rysunek 2) będzie to wyglądało jak poniżej

```
P=[ 0 0 1 1 0 0 1 1;... // współrzędne wierzchołkow
    0 1 1 0 0 1 1 0;...
    0 0 0 0 1 1 1 1];

connect = [1 5 3 2 1 1;... // zależności pomiędzy wierzchołkami i ścianami
           2 8 7 6 5 4;...
```



```

3 7 8 7 6 8;...
4 6 4 3 2 5];

```

Pozostaje zdefiniować listę typu `cube`, która zawierać będzie wszystkie informacje o sześcianie

```

-->Cube = tlist(["polyedre","coord","fence"],P,connect)
Cube =

```

```

Cube(1)

```

```

!polyedre coord fence !

```

```

Cube(2)

```

```

! 0. 0. 1. 1. 0. 0. 1. 1. !
! 0. 1. 1. 0. 0. 1. 1. 0. !
! 0. 0. 0. 0. 1. 1. 1. 1. !

```

```

Cube(3)

```

```

! 1. 5. 3. 2. 1. 1. !
! 2. 8. 7. 6. 5. 4. !
! 3. 7. 8. 7. 6. 8. !
! 4. 6. 4. 3. 2. 5. !

```

W celu wskazania pewnego elementu z wykorzystaniem jego numeru, można wykorzystać odpowiadający jemu łańcuch znaków:

```

-->Cube.coord(:,2) // lub inaczej Cube("coord")(:,2)
ans =

```

```

! 0. !
! 1. !
! 0. !

```

```

-->Cube.fence(:,1)
ans =

```

```

! 1. !
! 2. !
! 3. !
! 4. !

```

Pomijając te szczególne możliwości, listami typów manipuluje się tak samo jak innymi. Ich zaletą jest możliwość samodzielnego zdefiniowania (rozszerzenia) operatorów `+`, `-`, `*`, `/` itd. na listę danych tego typu (porównaj przyszłą wersję tej dokumentacji, albo lepiej stronę Scilaba z podobnymi informacjami).

3.3.3 Kilka przykładów z wektorami i macierzami logicznymi

Typ boolowski (używany do reprezentacji wartości logicznych typu *prawda* i *fałsz*) okazuje się często przydatny ze względów praktycznych podczas manipulowania macierzami. Gdy porównujemy dwie macierze tego samego wymiaru za pomocą jednego z operatorów porównania (`<`, `>`, `<=`, `>=`, `==`, `~=`) jako wynik otrzymujemy macierz o wartościach logicznych, również tego samego formatu, której zawartość jest wynikiem porównania *element po elemencie* odpowiadających sobie elementów porównywanych macierzy

```

-->A = rand(2,3)
A =
! 0.2113249 0.0002211 0.6653811 !
! 0.7560439 0.3303271 0.6283918 !

-->B = rand(2,3)
B =

```

```
!   0.8497452    0.8782165    0.5608486 !
!   0.6857310    0.0683740    0.6623569 !
```

```
-->A < B
ans =
! T T F !
! F F T !
```

Jeśli natomiast porównujemy macierz z liczbą, a więc $A < s$ gdzie s jest skalarą to faktycznie dokonujemy porównania $A < s * \text{one}(A)$

```
-->A < 0.5
ans =
! T T F !
! F T F !
```

Operatory logiczne również stosuje się dla macierzy na zasadzie *element po elemencie*

```
-->b1 = [%t %f %t]
b1 =
! T F T !
```

```
-->b2 = [%f %f %t]
b2 =
! F F T !
```

```
-->b1 & b2
ans =
! F F T !
```

```
-->b1 | b2
ans =
! T F T !
```

```
-->~b1
ans =
! F T F !
```

Ponadto istnieją dwie przydatne funkcje pozwalające dokonać wektoryzacji testu

1. Funkcja `bool2s` przekształca macierz boolowską w macierz o takich samych wymiarach przekształcając wartość logiczną *prawda* na 1, *fałsz* zaś na 0

```
-->bool2s(b1)
ans =
!   1.    0.    1. !
```

2. Funkcja `find` zwraca współrzędne wartości *prawda* w macierzy boolowskiej

```
-->v = rand(1,5)
v =
!   0.5664249    0.4826472    0.3321719    0.5935095    0.5015342 !

-->find(v < 0.5) // v < 0.5 daje wektor boolowski
ans =
!   2.    3. !
```

Stosowanie tych funkcji jest dosyć kosztowne czasowo (porównaj "Kilka uwag związanych z szybkością wykonania"). Funkcje `and` oraz `or` oznaczające odpowiednio iloczyn logiczny (i) oraz sumę logiczną (lub) wszystkich elementów macierzy boolowskiej dając w efekcie jedną wartość logiczną. Funkcje te mogą przyjmować dodatkowy argument określający czy odpowiednie działanie logiczne ma zostać wykonane na wierszach czy kolumnach macierzy.

3.4 Funkcje

W celu zdefiniowania funkcji w Scilabie, najbardziej odpowiednią metodą jest zapisanie jej w utworzonym pliku; będzie można do niego dopisywać kolejne funkcje grupując na przykład te związane z tym samym czy podobnym zagadnieniem czy aplikacją. Każda funkcja powinna rozpoczynać się w następujący sposób

```
function [y1,y2,y3,...,yn]=nazwaFunkcji(x1,...,xm)
```

gdzie x_i są argumentami funkcji, natomiast y_i wartościami przez nią zwracanymi. Dalej występuje ciało funkcji czyli wszystkie instrukcje niezbędne do wykonania przez funkcję określonego zadania. Funkcja powinna kończyć się słowem kluczowym `endfunction`. Oto pierwszy przykład

```
function [y] = silnia1(n)
    // silnia; zakładamy, że n jest liczba naturalna
    y = prod(1:n)
endfunction
```

Załóżmy, że powyższą funkcję zapisaaliśmy w pliku o nazwie `silnia1.sci`¹⁴. Aby można z niej korzystać w Scilabie należy ją najpierw wczytać

```
getf("silnia1.sci") // lub inaczej exec("silnia1.sci")
```

Można tego dokonać także z menu `File operations` tak jak dla skryptów. Dopiero teraz możemy użyć zdefiniowanych w danym pliku funkcji, zarówno w „samodzielnnych” poleceniach jak i w skryptach czy innych funkcjach.

```
-->m = silnia1(5)
m =
    120.

-->n1=2; n2 =3; silnia1(n2)
ans =
    6.

-->silnia1(n1*n2)
ans =
    720.
```

Zanim przejdziemy do kolejnych przykładów musimy ustalić jeszcze pewną terminologię. Wartości zwracane przez funkcję (y_i) oraz te przez nią zwracane (x_i) nazywać będziemy *argumentami formalnymi*. Używając funkcji na przykład w skrypcie czy innej funkcji

```
argS = silnia1(argE)
```

użyte argumenty (`argS` oraz `argE`) nazywać będziemy *argumentami efektywnymi*. I tak w pierwszym przykładzie argumentem wejściowym jest stała o wartości 5, w drugim zmienna `n2`, natomiast w trzecim wyrażenie `n1*n2`. Związek między argumentem efektywnym a formalnym może obiawiać się na różne sposoby (por. następny paragraf, gdzie precyzuje się te zagadnienia przy użyciu środowiska Scilaba). ce qui concerne Scilab).

rinom

Drugi przykład pokazuje funkcję znajdującą pierwiastki trójmianu kwadratowego

```
function [x1,x2] = trinom(a, b, c)
    // oblicza pierwiastki trójmianu kwadratowego postaci  $x^2 + b x + c = 0$ 
    // a, b oraz c muszą być liczbami rzeczywistymi lub zespolonymi różnymi od zera
    delta = b^2 - 4*a*c
    x1 = (-b - sqrt(delta))/(2*a)
    x2 = (-b + sqrt(delta))/(2*a)
endfunction
```

Oto wyniki trzech prób jej użycia

```
-->[r1, r2] = trinom(1,2,1)
r2 =
    - 1.
```

¹⁴Tradycyjnie plik zawierający funkcję posiada rozszerzenie `.sci` natomiast skrypt `.sce`

```

r1 =
- 1.

-->[r1, r2] = trinom(1,0,1)
r2 =
i
r1 =
- i

-->trinom(1,0,1) // wywołanie bez przypisania do zmiennej
ans =
- i

```

Zauważmy, że w trzecim przypadku nie widzimy drugiego z pierwiastków. Jest to normalne zachowanie w sytuacji gdy funkcja zwraca więcej niż jedną wartość i nie zostaną one przypisane do zmiennych (tak jak ma to miejsce w drugim przypadku). W takiej sytuacji Scilab wykorzystuje domyślną zmienną `ans` aby przechowywać wynik; `ans` będzie przyjmowało kolejno zwracane wartości aby ostatecznie przyjąć wartość równą tej zwróconej jako ostatniej.

Teraz trzeci przykład. Należy rozwinąć w punkcie t wielomian zapisany w bazie Newtona (*Uwaga: Dla $x_i = 0$ otrzymujemy bazę kanoniczną.*)

$$p(t) = c_1 + c_2(t - x_1) + c_3(t - x_1)(t - x_2) + \dots + c_n(t - x_1) \dots (t - x_{n-1}).$$

Używając rozkładu na czynniki i wykonując obliczenia od prawej do lewej (tutaj dla $n = 4$)

$$p(t) = c_1 + (t - x_1)(c_2 + (t - x_2)(c_3 + (t - x_3)(c_4))),$$

otrzymujemy algorytm Hornera

- (1) $p := c_4$
- (2) $p := c_3 + (t - x_3)p$
- (3) $p := c_2 + (t - x_2)p$
- (4) $p := c_1 + (t - x_1)p$.

Uogólniając to na dowolne n otrzymujemy następującą funkcję Scilaba

```

function [p]=myhorner(t,x,c)
// rozwija wielomian c(1) + c(2)*(t-x(1)) + c(3)*(t-x(1))*(t-x(2)) +
// ... + c(n)*(t-x(1))*...*(t-x(n-1))
// zgodnie z algorytmem Hornera
n=length(c)
p=c(n)
for k=n-1:-1:1
    p=c(k)+(t-x(k))*p
end
endfunction

```

Jeśli wektory `coef`, `xx`, `tt` zostały dobrze określone instrukcja

```
val = myhorner(tt,xx,coef)
```

spowoduje przypisanie do `val` wartości równej

$$coef_1 + coef_2(tt - xx_1) + \dots + coef_m \prod_{i=1}^{m-1} (tt - xx_i)$$

Małe przypomnienie: instrukcja `length` zwraca iloczyn dwóch wymiarów macierzy dając liczbę elementów co w przypadku wektora (kolumnowego lub wierszowego) równoważne jest jego długości. Instrukcja ta, wraz z instrukcją `size` zwracającą ilość wierszy i ilość kolumn, pozwala zrezygnować z przekazywania do funkcji informacji o wymiarze przekazywanych obiektów.

3.4.1 Przekazywanie parametrów (*)

Przekazywanie parametrów odbywa się przez referencję jeśli wewnątrz funkcji nie są one modyfikowane oraz przez wartość¹⁵ w przeciwnym razie (to znaczy, parametry wejściowe funkcji nie mogą być modyfikowane). Uwzględnienie tego faktu w waszych programach może spowodować w znacznym stopniu przyspieszenie pewnych funkcji. Poniżej przedstawiamy sztuczny, ale dobrze ilustrujący zagadnienie, przykład ukazujący koszt związany z przekazywaniem parametrów przez wartość.

```
function [w] = toto(v, k)
    w = 2*v(k)
endfunction

function [w] = titi(v, k)
    v(k) = 2*v(k)
    w = v(k)
endfunction

// skrypt testujący
m = 200000;
ilPowtorzen = 2000;
x = rand(m,1);
timer(); for i=1:nb_rep; y = toto(x,300); end; t1=timer()/ilPowtorzen
timer(); for i=1:nb_rep; y = titi(x,300); end; t2=timer()/ilPowtorzen
```

Otrzymane wyniki będą różniły się w zależności od maszyny na jakiej działa Scilab; my otrzymaliśmy

```
t1 = 0.00002
t2 = 0.00380
```

Wraz z zakończeniem funkcji destrukcji ulegają wszystkie jej zmienne wewnętrzne.

3.4.2 Wstrzymywanie funkcji

Podczas debugowania funkcji przydatna okazuje się funkcja `disp(v1, v2, ...)` pozwalająca wyświetlić wartości zmiennych `v1, v2, ...`. Należy mieć na uwadze, że funkcja `disp` wyświetla wartości swoich argumentów w **odwrotnej kolejności**. W celu chwilowego wstrzymania wykonania programu można użyć funkcji `pause`; po jej napotkaniu mamy możliwość sprawdzenia wartości wszystkich zdefiniowanych do tej pory zmiennych (znak zachęty `-->` Scilaba zmieni się na `-1->`). Polecenie `resume` powoduje wznowienie przebiegu obliczeń.

Istnieje także inny sposób wskazywania miejsca wstrzymania programu (tak zwany *break point, ang.*) niż dodawanie instrukcji `pause`

```
setbpt(NazwaFunkcji [, numerLinii ])
```

Argumentem funkcji `setbpt` jest `NazwaFunkcji`, która ma być wstrzymywana oraz opcjonalny numer wiersza, w którym ma to nastąpić (domyslną wartością jest 1). Po napotkaniu przez Scilaba wskazanego miejsca zatrzymania, dalej wszystko odbywa się tak jak gdyby zastosowano instrukcję `pause` **po** instrukcji wskazanej przez `numerLinii`. Punkt zatrzymania może zostać usunięty przez

```
delbpt(NazwaFunkcji [, numerLinii ])
```

Jeśli nie zostanie wskazana żadna linia, wszystkie punkty zatrzymania zostaną usunięte. Zdefiniowane do tej pory punkty zatrzymania można zobaczyć korzystając z `dispbpt()`. Oto przykład związany z wcześniej zdefiniowaną funkcją `trinom` (patrz strona 33). Załóżmy, że wczytaliśmy uprzednio tę funkcję czy to za pomocą funkcji `getf` czy też `exec`.

```
-->setbpt("trinom") // pierwszy punkt zatrzymania
-->[r1,r2] = trinom(1,2,7) // rozpoczynamy obliczenia => zatrzymanie
Stop after row      1 in function trinom :

-1->a // sprawdzamy wartosci zmiennych
a =
    1.

-1->b
```

¹⁵Przez wartość czyli we wnętrzu funkcji pracujemy na kopii przekazywanego argumentu. Przez referencję czyli we wnętrzu funkcji pracujemy na oryginalnym argumencie. (przyp. tłum.)

```

b =
    2.

-1->dispbpt() // sprawdzamy punkty zatrzymania
breakpoints of function :trinom
    1

-1->setbpt("trinom",5) // dodajemy kolejny punkt zatrzymania

-1->x1 // x1 nie zostal jeszcze zdefiniowany
x1
!--error      4
undefined variable : x1

-1->resume // wznawiamy wykonani az do nastepnego punktu zatrzymania
Stop after row      5 in function trinom :

-1->x1 // teraz mozemy sprawdzic jaka wartosc ma x1
x1 =
    - 1. - 2.4494897i

-1->x2 // x2 nie zostal jeszcze zdefiniowany (nastapi to dopiero w linii 6)
x2
!--error      4
undefined variable : x2

-1->dispbpt() // sprawdzamy punkty zatrzymania
breakpoints of function :trinom
    1
    5

-1->resume // wznawiamy wykonanie funkcji
r2 =
    - 1. + 2.4494897i
r1 =
    - 1. - 2.4494897i

-->delbpt("trinom") // usuwamy wszystkie punkty zatrzymania

```

4 Grafika

W zakresie tworzenia grafiki Scilab posiada wiele możliwości zarówno jeśli brać pod uwagę operacje niskopoziomowe jak też bardziej złożone funkcje pozwalające operować skomplikowanymi obiektami. W dalszym ciągu zostanie wyjaśniona jedynie mała część dostępnych możliwości. *Uwaga:* Dla osób znających instrukcje graficzne MATLABA Stephane Mottelet napisała (tutu czy napisał) bibliotekę funkcji graficznych wywoływanych w stylu MATLABA; dostępna jest ona pod adresem

<http://www.dma.utc.fr/~mottelet/scilab/>

4.1 Okna graficzne

Wywołanie instrukcji graficznej takiej jak `plot` czy `plot3d` powoduje umieszczenie rysowanego obrazu w oknie raficznym o numerze 0. Wywołanie funkcji graficznej powoduje na ogół powstanie nowego obrazu na już istniejącym, stąd potrzeba uprzedniego wymazania zawartości okna przy pomocy funkcji `xbasc()`. Wymazania zawartości okna można także dokonać wybierając z menu File opcję `clear`. Manipulowanie oknami możliwe jest dzięki następującym funkcjom

<code>xset("window", num)</code>	okno o numerze <code>num</code> staje się oknem bieżącym; jeśli żadne okno nie istniało to zostanie utworzone
<code>xselect()</code>	uaktywia bieżące okno; jeśli żadne okno nie istniało to zostanie utworzone
<code>xbasc([num])</code>	wymazuje zawartość okna o numerze <code>num</code> ; jeśli zostanie pominięty numer to wymazana zostanie zawartość bieżącego okna
<code>xdel([num])</code>	powoduje zamknięcie okna o numerze <code>num</code> ; jeśli zostanie pominięty numer to zamknięte zostanie bieżące okno

Jako generalną zasadę można przyjąć, że po wybraniu bieżącego okna (przez `xset("window", num)`) za pomocą instrukcji `xset("nom", a1, a2, ...)` możemy dokonywać zmian w parametrach związanych z oknem. `nom` określa nazwę parametru, który chcemy zmienić jak na przykład `thickness` gdy chcemy dostosować grybność strzałek czy `colormap` gdy chcemy zmienić używaną paletę kolorów. Za nazwą podajemy jeden lub więcej argumentów wmaganych do ustawienia nowej wartości parametru. Zbiór tych parametrów nazywany jest kontekstem graficznym; każde okno posiada swój taki kontekst. W celu zdobycia większej ilości informacji na temat parametrów (których jest całkiem pokaźny zbiór) odsyłamy do `Help-u` i tematu `Graphic Library`. W większości sytuacji mogą one być zmieniane interaktywnie przez menu graficzne, ukazujące się po wydaniu polecenia `xset()`. (Uwaga: W tym menu dostępne jest również podokno opisujące kolory; nie jest jednak możliwe wprowadzanie zmian do tegoż opisu. Rodzina funkcji `[a1, a2, ...]=xget('nazwa')` pozwala otrzymać parametry związane z pewnym kontekstem graficznym.

4.2 Wprowadzenie do `plot2`

Wcześniej mieliśmy już do czynienia z prostą instrukcją `plot`. Jeśli jednak zamierzamy wykreślić więcej krzywych lepiej stosować funkcję `plot2d`. Najprościej można ją użyć jak to pokazano poniżej

```
x=linspace(-1,1,61)'; // odcinek (wektor kolumnowy)
y = x.^2; // rzędne (wektor kolumnowy)
plot2d(x,y) // --> il lui faut des vecteurs colonnes ! tutu
```

Dołączmy teraz inną krzywą...

```
ybis = 1 - x.^2;
plot2d(x,ybis)
xlabel("Krzywe...") // dodajemy tytuł
```

...i jeszcze jedną, która tutaj jest w innej skali¹⁶ niż poprzednie

```
yter = 2*y;
plot2d(x,yter)
```

Zauważmy, że Scilab przeskalował okno tak aby zmieściła się w nim trzecia krzywa, ale także odrysował dwie poprzednie krzywe w nowej skali (wydaje się to naturalne, ale mechanizm ten nie był obecny aż do wersji 2.6 wprowadzając często w błąd). Możliwe jest wykreślenie tych trzech krzywych za jednym razem

```
xbasc() // aby wyczyścić obszar rysowania
plot2d(x,[y ybis yter]) // konkatencja macierzy
xlabel("Krzywe...","x","y") // tytuł i nazwy dla obu osi
```

Otrzymujemy w ten sposób wykres podobny do tego przedstawionego na rysunku 3. W celu jednoczesnego wykreślenia kilku krzywych, instrukcja przyjmuje postać `plot2d(Mx,My)` gdzie `Mx` oraz `My` są macierzami o identycznym wymiarze, ilość kolumn `nc` jest równa ilości krzywych a i -ta krzywa jest otrzymywana na podstawie wektorów `Mx(:,i)` (odcięte) i `My(:,i)` (rzędne). W sytuacji gdy wektor odciętych jest taki sam dla wszystkich krzywych (jak w naszym przypadku), można podać go jeden raz zamiast powtarzać nc razy (`plot2d(x,My)` zamiast `plot2d([x x ... x],My)`).

4.3 `plot2d` z argumentami opcjonalnymi

Ogólna składnia przedstawia się następująco

```
plot2d(Mx,My <,opt_arg>*)
```

¹⁶Pod pojęciem skali rozumiemy tutaj obszar w jakim zostanie wykreślona krzywa oraz ewentualne dodatkowe cechy.

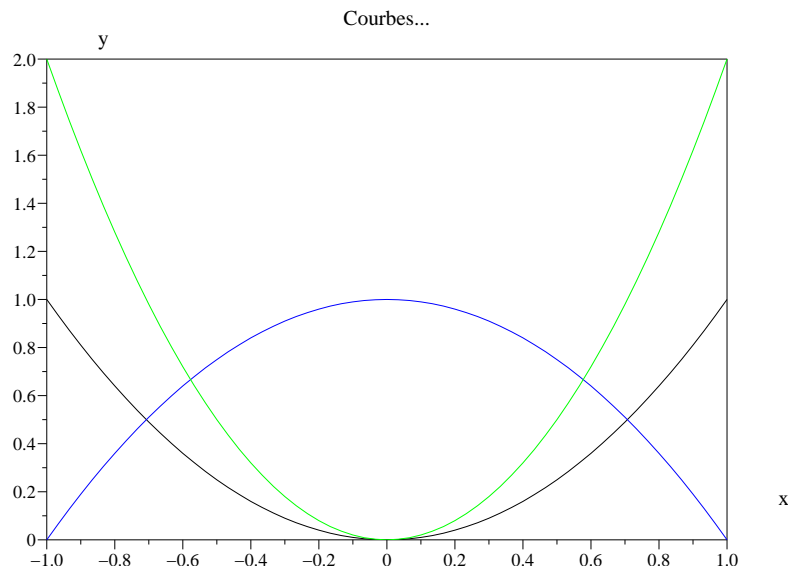


fig:1

Rysunek 3: Les fonctions x^2 , $1 - x^2$ et $2x^2$

gdzie `<, opt_arg>*` oznacza opcjonalny ciąg dodatkowych argumentów postaci¹⁷

słowoKluczowe=wartość

podanych w dowolnej kolejności. Pokażemy podstawowe opcje przy pomocy kilku przykładów

1. **Wybór koloru i definiowanie legendy** W poprzednim przykładzie można było zaobserwować, że Scilab wykreślił 3 krzywe przy użyciu 3 różnych (pierwszych) kolorów określonych w domyślnej paletce kolorów

1	czarny	5	czerwony	23	fioletowy
2	niebieski	6	fioletkowo-różowy	26	brązowy
3	jasno-zielony	13	ciemno-zielony	29	różowy
4	cyan	16	jasno-niebieski	32	jaune orangé

Instrukcja `xset()` pozwala na ich zmianę¹⁸. Celem wybrania koloru używamy zapisu `styl=vect`, gdzie `vect` jest wektorem liniowym zawierającym numery kolorów dla każdej krzywej. Legendę otrzymujemy pisząc `leg=str`, gdzie `str` jest łańcuchem znaków postaci `leg1@leg2@...` w którym `legi` jest podpisem dla *i*-tej krzywej. Oto przykład (porównaj rysunek (4)):

```
x = linspace(0,15,200)';
y = besselj(1:5,x);
xbasc()
plot2d(x, y, style=[2 3 4 5 6], leg="J1@J2@J3@J4@J5")
xtitle("Funkcje Bessela J1, J2,...", "x", "y")
```

Ponieważ kolejność argumentów opcjonalnych nie jest istotna równie dobrze można napisać

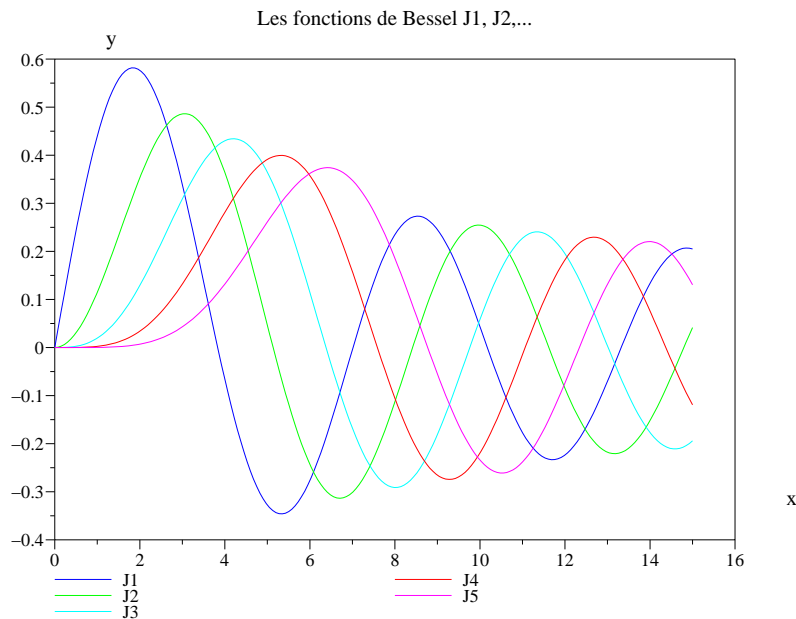
```
plot2d(x, y, leg="J1@J2@J3@J4@J5", style=[2 3 4 5 6])
```

2. **Wkresy zawierające symbole** Czasami, gdy ważne jest wyraźne wskazanie punktów przez które wykres przechodzi, przydatne mogą okazać się znaczniki tutaj. Możemy wybrać jeden z kilku rodzajów znacznika przedstawionych poniżej

styl	0	-1	-2	-3	-4	-5	-6	-7	-8	-9
symbol	·	+	×	⊕	◆	◇	△	▽	♣	○

¹⁷argumentFormalny = argumentEfektywny

¹⁸tutu



Rysunek 4: Wybrany styl i legenda

Dla przykładu spróbujmy (porównaj rysunek (5)) :

```
x = linspace(0,2*pi,40)';
y = sin(x);
yp = sin(x) + 0.1*rand(x,"normal");
xbasc()
plot2d(x, [yp y], style=[-2 2], leg="y=sin(x)+perturbation@y=sin(x)")
```

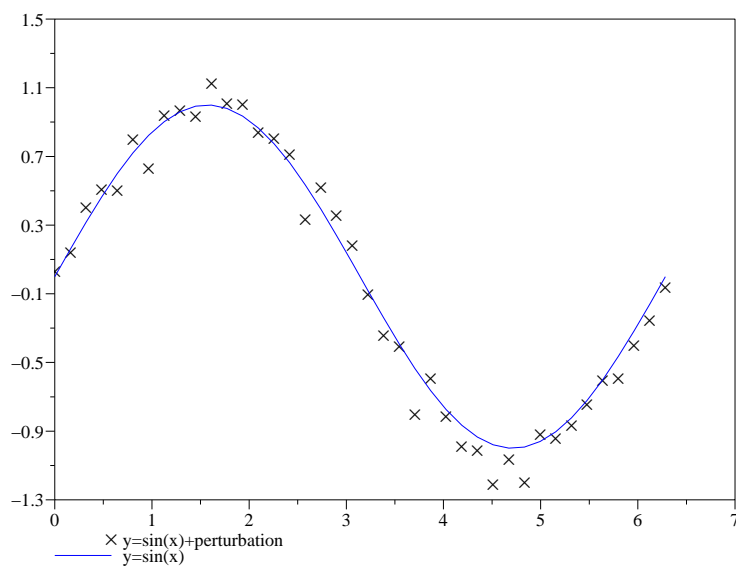
3. **Określanie skali** Oto przykład gdzie niezbędne jest narzucenie skali izometrycznej tutaj bowiem chcemy narysować okrąg (patrz rysunek (6)). Dodatkowy parametr będzie postaci `frameflag=val`, gdzie `val` powinna przyjąć wartość 4 aby otrzymać skalę izometryczną (dobraną na podstawie wartości minimalnej i maksymalnej)

```
t = linspace(0,2*pi,60)';
x1 = 2*cos(t); y1 = sin(t); // elipsa
x2 = cos(t); y2 = y1; // okrąg
x3 = linspace(-2,2,60)'; y3 = erf(x3); // funkcja błędna
legenda = "elipsa@okrąg@funkcja błędna"
plot2d([x1 x2 x3],[y1 y2 y3],style=[1 2 3], frameflag=4, leg=legenda)
xtitle("Znowu krzywe...", "x", "y")
```

W pewnych przypadkach `frameflag` towarzyszyć powinien parametr `rect`. Jeśli na przykład chcemy samodzielnie określić obszar rysowania (zwalniając z tego punkcję `plot2d` tutaj) musimy napisać `rect = [xmin, ymin, xmax, ymax]` w połączeniu z `frameflag=1` jak w przykładzie poniżej

```
x = linspace(-5,5,200)';
y = 1 ./ (1 + x.^2);
xbasc()
plot2d(x, y, frameflag=1, rect=[-6,0,6,1.1])
xtitle("Funkcja Rungego tutaj")
```

Oto wszystkie możliwe wartości dla `frameflag`



Rysunek 5: dessin en trait plain et avec des symboles non reliés tutu

frameflag=0	użycie wcześniej zdefiniowanej skali (lub domyślnej)
frameflag=1	skala zadana przez kwadrat
frameflag=2	skala obliczona jako maksimum i minimum z Mx i My
frameflag=3	échelle isométrique calculée en fonction de rect tutu
frameflag=4	skala izometryczna obliczona jako maksimum i minimum z Mx et My
frameflag=5	identycznie 1 ale z ewntualnym dostosowaniem graduation tutu
frameflag=6	identycznie 2 mais avec adaptation eventuelle pour la graduation
frameflag=7	identycznie 1 ale wcześniejsze krzywe są odrysowywane
frameflag=8	identycznie 2 ale wcześniejsze krzywe są odrysowywane

Uwaga: W przypadkach 4 i 5 może zajść (ewentualna) modyfikacja obszaru rysowania w taki sposób aby stopniowanie (tutu) (które jest zawsze tutu) tutu (tak zwane tutu).

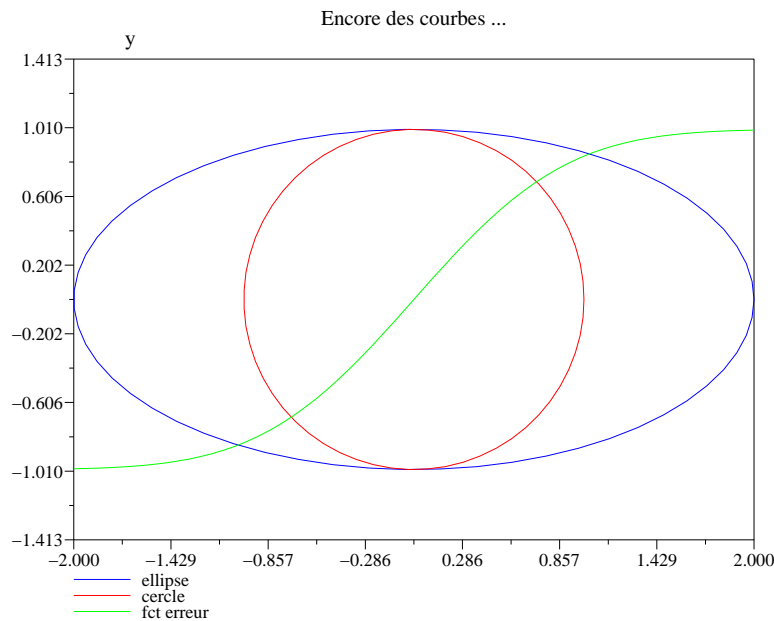
4. **Precyzowanie umieszczenia osi** Rozmieszczenie osi możemy określać pisząc `axesflag=val`. W kolenym przykładzie (patrz rysunek (7)) `val` ma wartość 5 co powoduje, że osie przetna się wpunkcie (0,0)¹⁹ bez tutu boite englobante :

```
x = linspace(-14,14,300)';
y = sinc(x);
xbasec()
plot2d(x, y, style=2, axesflag=5)
xtitle("Funkcja sinc")
```

Oto tabela podająca wszystkie możliwości:

axesflag=0	bez pudełka, osi oraz jednostek
axesflag=1	z pudełkiem, osiami i jednostkami (x na dole, y po lewej)
axesflag=2	z pudełkiem, ale bez osi i jednostek
axesflag=3	z pudełkiem, osiami i jednostkami (x na dole, y po lewej)
axesflag=4	bez pudełka, ale z osiami i jednostkami (punkt przecięcia w środku)
axesflag=5	bez pudełka, ale z osiami i jednostkami (punkt przecięcia dla $x = 0$ i $y = 0$)

¹⁹Gdy punkt (0,0) jest we wnętrzu obszaru rysowania.



Rysunek 6: Elipsa, okrąg i funkcja błędu

5. **Skala logarymiczna** Odpowiedni parametr jest postaci `logflag=str`, gdzie `str` jest łańcuchem złożonym z dwóch znaków – pierwszy dotyczy osi OX, drugi OY i każdy przyjmuje wartość `n` (nie logarymiczna) lub `l` (logarymiczna).

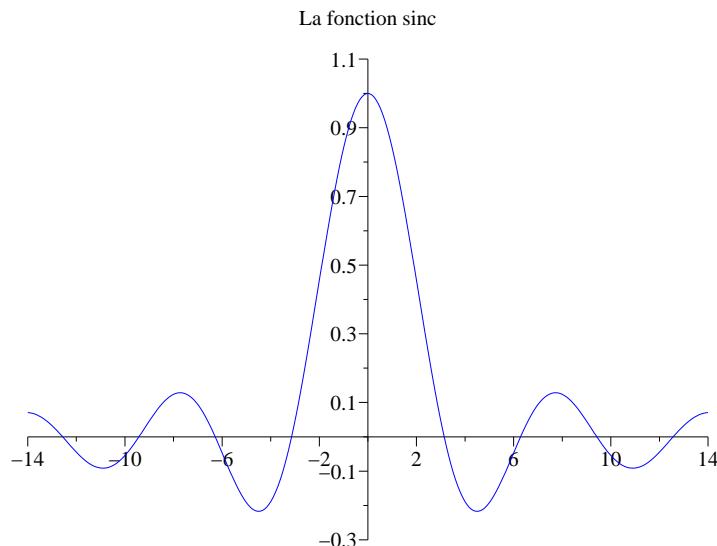
```
x = logspace(0,4,200)';
y = 1 ./x;
xbasec()
subplot(1,2,1)
plot2d(x, y, style=2, logflag= "ln")
xtitle("logflag=" "ln" " ")
subplot(1,2,2)
plot2d(x, y, style=2, logflag= "ll")
xtitle("logflag=" "ll" " ")
```

Przykład ten pokazuje także jak przy pomocy funkcji `subplot(m,n,num)` w jednym oknie umieścić kilka (niezależnych) wykresów. Parametr `m` informuje o podziale okna w pionie na `m` równych części, `n` decyduje o podziale w poziomie, `num` jest natomiast kolejnym numerem okna spośród $m \times n$ okien. Okna numerowane są od lewej do prawej i od góry do dołu poczynając od numeru 1. Stąd okno na pozycji (i,j) ma numer²⁰ $n \times (i - 1) + j$. Nic nie stoi na przeszkodzie aby modyfikować siatkę tutaj celem dobranie najbardziej nam odpowiadającego układu wykresów. Na przykład

```
xbasec()
subplot(1,2,1)
titlepage("po lewej")
subplot(3,2,2)
titlepage(["po prawej"; "powy\ .zej"])
subplot(3,2,4)
titlepage(["po prawej"; "w centrum"])
subplot(3,2,6)
titlepage(["po prawej"; "poni\ .zej"])
xselect()
```

tutu okna w pionie na dwie części (lewą i prawą), okna po prawej podzielono w poziomie na trzy części. Funkcję `subplot` można rozumieć jako dyrektywę pozwalającą wybrać pewien podobszar okna graficznego.

²⁰A nie $m \times (i - 1) + j$ jak napisane jest w pomocy!



Rysunek 7: Umieszczenie osi otrzymane dla `axesflag=5`

6. **Słowo kluczowe** `strf` Pozwala ono zastąpić zarazem `frameflag` i `axesflag` oraz, ze względu na kompatybilność z wcześniejszymi wersjami `plot2d` zawiera także flagę określającą czy ma ono zastosowanie do legendy, czy nie tutaj. Podawana wartość składa się z trzech znaków `xyz`, gdzie

- x** równe 0 (nie ma legendy) lub 1 (legenda tworzona jest przez podanie `leg=val`) ;
- y** cyfra od 0 do 9, odpowiadająca wartości podawanej w `frameflag` ;
- z** cyfra od 0 do 5, odpowiadająca wartości podawanej w `axesflag`.

En fait il faut savoir l'utiliser car les séquences optionnelles de nombreuses primitives de dessin ne disposent pas encore des mots clés `frameflag` i `axesflag` tutaj. Dodatkowo jest to bardzo praktyczne jeśli chcemy dodać nowy wykres do już istniejącego bez zmieniania skali i ramki co można osiągnąć pisząc `strf="000"` (unikając w ten sposób pisanie `frameflag=0, axesflag=0`).

4.4 Inne wersje `plot2d`: `plot2d2`, `plot2d3`

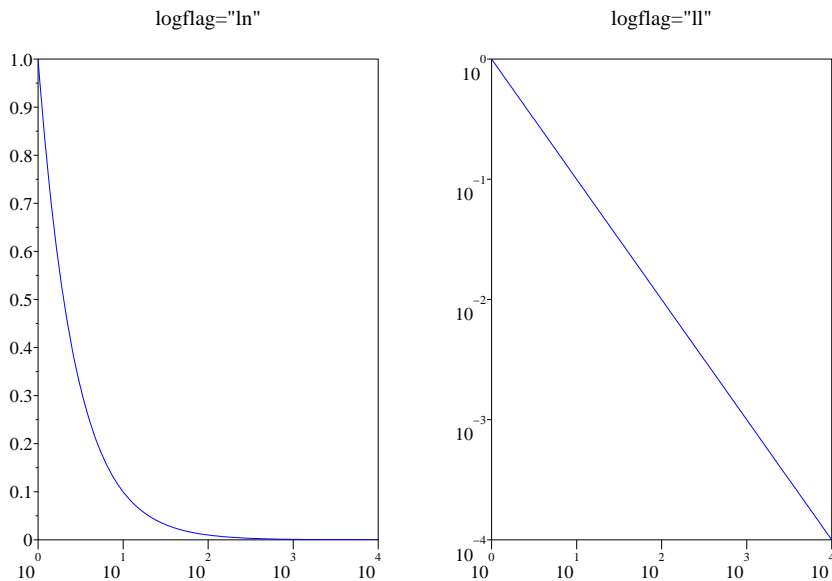
Zasadniczo używa się ich jak `plot2d` taka sama składnia, takie same argumenty opcjonalne.

1. **plot2d2** tutaj pozwala narysować funkcję w oparciu o skalary: w miejsce wykresu prostego odcinka wprowadzamy punkty (x_i, y_i) i (x_{i+1}, y_{i+1}) , `plot2d2` odcinek poziomy (od (x_i, y_i) do (x_{i+1}, y_i)) a następnie odcinek pionowy (od (x_{i+1}, y_i) do (x_{i+1}, y_{i+1})). Oto przykład (porównaj rysunek (9)):

```
n = 10;
x = (0:n)';
y = x;
xbasc()
plot2d2(x,y, style=2, frameflag=5, rect=[0,-1,n+1,n+1])
xtitle("plot2d2")
```

2. **plot2d3** Rysuje diagram tutaj batonów: dla każdego punktu (x_i, y_i) `plot2d3` rysuje jeden segment pionowy od $(x_i, 0)$ do (x_i, y_i) (porównaj rysunek (10)):

```
n = 6;
x = (0:n)';
y = binomial(0.5,n)';
```



Rysunek 8: Wykorzystanie parametru logflag

```
xbasc()
plot2d3(x,y, style=2, frameflag=5, rect=[-1,0,n+1,0.32])
xtitle("Prawdopodobienstwo dla prawa binomialnego tutu B(6,1/2)")
```

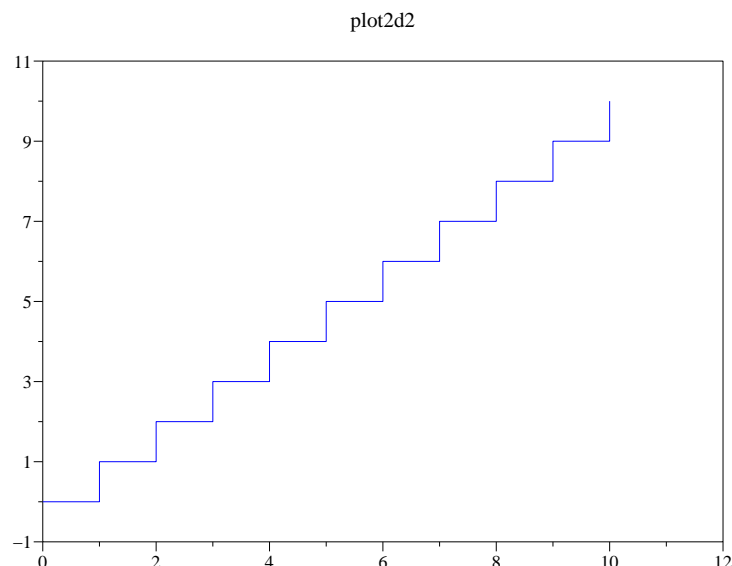
4.5 Rysowanie większej ilości krzywych złożonych z różnej ilości punktów

Za pomocą `plot2d` i jego wariantów nie można narysować za jednym razem większej ilości krzywych, które nie są dyskretyzowane na takiej samej ilości przedziałów (i chyba takich samych przedziałów tutu) co pociąga za sobą konieczność kilkakrotnego użycia tej funkcji. Od wersji 2.6 można obyć się bez podawania skali bez obawy o przykre niespodzianki, ponieważ domyślnie (`frameflag=8`) wcześniejsze krzywe są odrysowywane w przypadku zmiany skali. Dlatego jeśli ktoś chce opanować skalę (chodzi tutaj chyba o to aby nie była ona zmieniana automatycznie tutu), musi to zrobić przy pierwszym wywołaniu a dla następnych używać `frameflag=0`²¹. Oto odpowiedni przykład (porównaj rysunek (11))

```
x1 = linspace(0,1,61)';
x2 = linspace(0,1,31)';
x3 = linspace(0.1,0.9,12)';
y1 = x1.*(1-x1).*cos(2*pi*x1);
y2 = x2.*(1-x2);
y3 = x3.*(1-x3) + 0.1*(rand(x3)-0.5); // identyczne jak y2, ale z zaburzeniem
ymin = min([y1 ; y2 ; y3]); ymax = max([y1 ; y2 ; y3]);
dy = (ymax - ymin)*0.05; // aby doda\c margines tutu
rect = [0,ymin - dy,1,ymax+dy]; // okno wykresu
xbasc() // wyczyszczenie poprzednich wykres\ow
plot2d(x1, y1, style=1, frameflag=5, rect=rect) // 1-sze wywo\l{}anie, kt\ore ustali skal\k
plot2d(x2, y2, style=2, frameflag=0) // 2-ie i 3-ie wywo\l{}anie;
plot2d(x3, y3, style=-1,frameflag=0) // u\zywamy poprzedniej skali
xtitle("Krzywe...", "x", "y")
```

Uwaga: Wypróbuj ten przykład pisząc `frameflag=1` w miejsce `frameflag=5`. Nie można mieć osobnej legendy dla każdej krzywej niemniej jest to możliwe do osiągnięcia przy pomocy niewielkiej ilości programowania.

²¹Metoda ta jest konieczna jeśli używamy skali iso-metrycznej.



Rysunek 9: Wykorzystanie plot2d2

4.6 Zabawa z kontekstem graficznym

może lepiej „praca”? :))) Jeśli wypróbowaliśmy poprzednie przykłady bez wątpienia i z ochotą będziemy chcieli modyfikować niektóre rzeczy jak rozmiar symboli, rozmiar czy styl użtego fontu lub też grubość strzałek.

1. **Fonty** : Aby zmienić font należy użyć poniższego wywołania

```
xset("font",font_id,fontsize_id)
```

gdzie `font_id` i `fontsize_id` są liczbami całkowitymi odpowiadającymi odpowiednio z rodzaj i wielkość wybranego fontu. Bieżący font można otrzymać pisząc

```
f=xget("font")
```

gdzie `f` jest wektorem, `f(1)` opisuje rodzaj fontu a `f(2)` jego wielkość. Można prostozmieniać/uzyskać wielkość za pomocą `xset("font size",size_id)` i `fontsize_id = xget("font size")`. Oto te, które są teraz dostępne

Nazwa fontu	Courier	Symbol	Times	Times-Italic	Times-Bold	Times-Bold-Italic
Identyfikator	0	1	2	3	4	5

Wielkość	8 pts	10 pts	12 pts	14 pts	18 pts	24 pts
Identyfikator	0	1	2	3	4	5

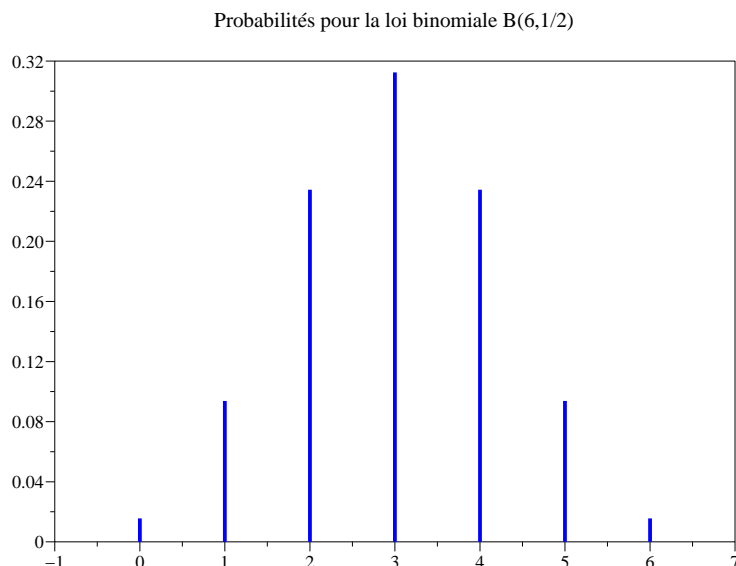
Uwagi:

- Courier est í chasse fixe tutu;
- font Symbol pozwala na użycie liter greckich (p odpowiada π , a – α , etc...);
- Times jest fontem domyślnym a jego domyślny rozmiar to 10 punktów.

2. **rozmiar symboli:** zmieniamy poleceniem

```
xset("mark size",marksize_id)
```

bieżący otrzymujemy natomiast pisząc



Rysunek 10: Wykorzystanie plot2d3

```
marksize_id = xget("mark size")
```

gdzie podobnie jak dla fontów rozmiar określamy za pomocą cyfr od 0 do 5; 0 jest wielkością domyślną.

3. **grubość linii:** zmieniamy / otrzymujemy pisząc

```
xset("thickness", thickness_id)
thickness_id = xget("thickness")
```

Grubość jest wielkością dodatnią odpowiadającą liczbie pikseli (na grubość) jaką ma mieć krzywa. Dokonując zmiany grubości kreślonych linii wpływamy także, czy tego chcemy czy nie, na grubość kreślonej ramki i skali na osiach. Wyjściem w takiej sytuacji jest dwukrotne tworzenie rysunku. Za pierwszym razem pomijamy ramkę i skalę (`axesflag=0`). Następnie powracamy do normalnej grubości i nie zmieniając skali widocznego obszaru (`frameflag=0`) rysujemy coś poza nim (na przykład krzywą zredukowaną do jednego punktu $(-\infty, -\infty)$):

```
xset("thickness", 3)
plot2d(x, y, axesflag=0, ...)
xset("thickness", 1)
plot2d(-%inf, -%inf, frameflag=0, ...)
```

Zatem drugie wywołanie służy jedynie do narysowania ramki i skali.

4.7 Tworzenie histogramów

Odpowiednia do tego celu funkcja scilaba nazywa się `histplot` a jej wywołanie jest następujące

```
histplot(n, X, <,opt_arg>*)
```

gdzie

- n jest albo liczbą całkowitą albo wektorem liniowym (w którym $n_i < n_{i+1}$):
 1. w przypadku gdy n jest wektorem liniowym dane dzielone są na k klas $C_i = [n_i, n_{i+1}[$ (wektor n ma więc $k + 1$ składowych);

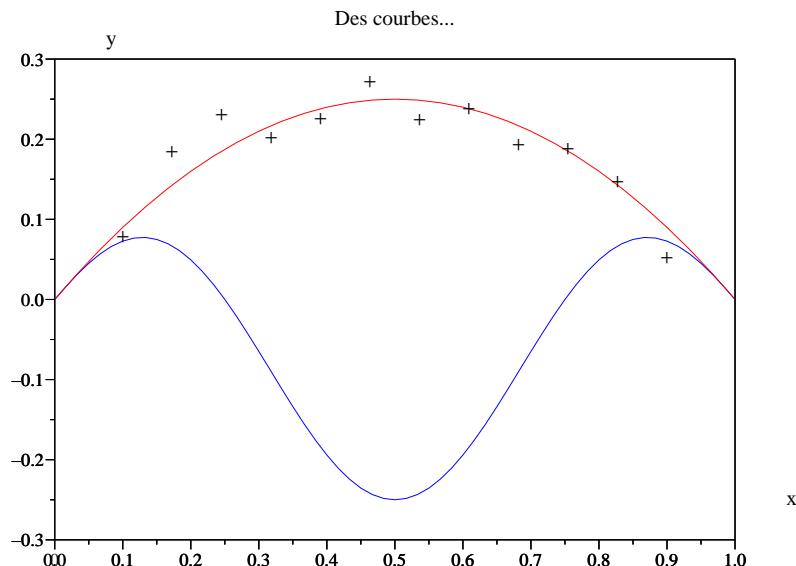


fig:3

Rysunek 11: Jeszcze krzywe...

2. w przypadku gdy n jest liczbą całkowitą, dane dzielone są na n równoodległych klas

$$C_1 = [c_1, c_2], C_i = [c_i, c_{i+1}], i = 2, \dots, n, \text{ avec } \begin{cases} c_1 = \min(X), c_{n+1} = \max(X) \\ c_{i+1} = c_i + \Delta C \\ \Delta C = (c_{n+1} - c_1)/n \end{cases}$$

- X wektor (liniowy lub kolumnowy) z danymi;
- `<,opt_arg>*` ciąg opcjonalnych argumentów jak dla `plot2d` z dodatkową kombinacją `normalization = val` gdzie `val` jest stałą (zmienną lub wyrażeniem) boolowskim (domyślnie `true`). Kiedy histogram jest znormalizowany, `tutu son intégrale vaut 1 et approche donc une densité` (dans le cas contraire, la valeur d'une plage correspond au nombre de composantes de X tombant dans cette plage). Plus précisément, la plage de l'histogramme correspondant à l'intervalle C_i vaut donc (m étant le nombre de données, et $\Delta C_i = n_{i+1} - n_i$) :

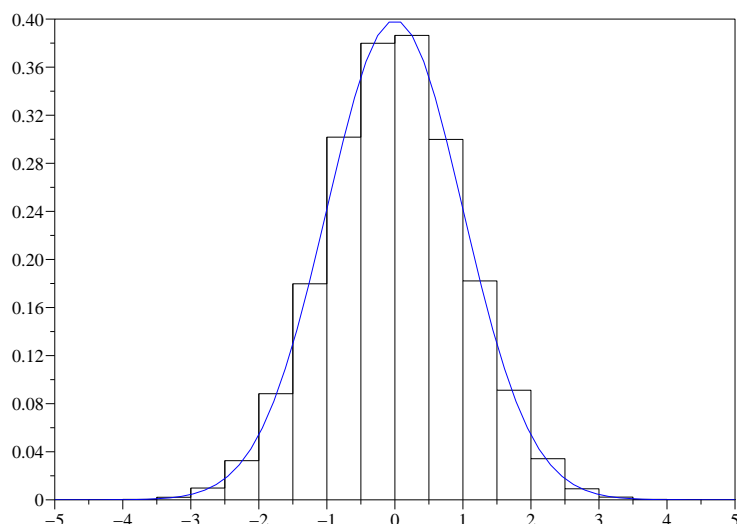
$$\begin{cases} \frac{\text{card}\{X_j \in C_i\}}{m \Delta C_i} & \text{si } normalization = \text{vrai} \\ \text{card}\{X_j \in C_i\} & \text{si } normalization = \text{faux} \end{cases}$$

Ponizej przedstawiamy mały przykład, tutu toujours avec la loi normale (patrz rysunek (12)) :

```
X = rand(100000,1,"normal"); classes = linspace(-5,5,21);
histplot(classes,X)
// tutu on lui superpose le tracé de la densité de N(0,1)
x = linspace(-5,5,60)'; y = exp(-x.^2/2)/sqrt(2*pi);
plot2d(x,y, style=2, frameflag=0, axesflag=0)
```

4.8 Zapisywanie grafiki w różnych formatach

W celu zachowanie utworzonego rysunku wybieramy z menu File okna graficznego opcję Export a następnie wybieramy pożądany format. tutu - sprawdzić to Większość z nich opiera się na postscriptcie... . Począwszy od wersji 2.5 mamy także możliwość eksportu grafiki do pliku typu gif.



Rysunek 12: Histogram próbki liczb losowych wybranych z rozkładem $N(0, 1)$ tutaj

4.9 Prosta animacja

Realizacja animacji przy pomocy Scilaba jest dość prosta, jako że pozwala on na podwójne buforowanie dzięki czemu unikamy efektu migotania, gdyż wykres tworzony jest „w ukryciu” i dopiero potem pokazywany. Mamy do wyboru dwa „drivery” mające wpływ na tworzenie wykresu na ekranie²²

- `Rec`, który powoduje, że wszystkie operacje graficzne związane są z oknem; jest to domyślny driver;
- `X11`, tutaj `qui se contente simplement d'afficher les graphiques (il est alors impossible de „zoomer”)`.

Do celów tworzenia animacji najczęściej odpowiedni będzie ten ostatni; wybieramy go pisząc `driver("X11")` (w celu powrotu do drivera domyślnego piszemy `driver("Rec")`).

Przy podwójnym buforowaniu każdy kolejny obraz tworzony jest najpierw w pamięci (powstaje wówczas tak zwana `pixmap`) a dopiero później przenoszony na ekran. Oto prosty schemat postępowania przy tworzeniu animacji

```
driver("X11")      // tutaj pas d'enregistrement des opérations graphiques
xset("pixmap",1)   // przejście do trybu podwójnego buforowania
.....           // ewentualne instrukcje ustalające skalę
for i=1:nb_dessins
    xset("wvpc")    // wyczyszczenie pixmapy
    .....
    .....          // tworzenie i-tego rysunku
    .....
    xset("wshow")   // przeniesienie rysunku na ekran
end
xset("pixmap",0)   // powrót do bezpośredniego tworzenia rysunków na ekranie
driver("Rec")      // przejście do domyślnego drivera
```

Uwaga: W powyższym postępowaniu czyszczenie całego obszaru rysowania przy pomocy `xset("wvpc")` nie czynnością wymaganą. Zamiast tego można użyć na przykład funkcji `xclear`, co uchroni nas przed każdorazowym odrysowywaniem tych obszarów rysunku, które się nie zmieniają. Aby tutaj użyć technik maskowania należy za pomocą wywołania `xset('alufunction', num)` zmienić funkcję sterującą wyświetlaniem (gdzie `num` to liczba całkowita związana z wybraną funkcją); patrz Help i przykłady.

Poniżej przedstawiony zostanie przykład animacji: poruszający się środek ciężkości prostokąta (o długości L i szerokości l) po okręgu o promieniu r i środku w punkcie $(0, 0)$; prostokąt dodatkowo obraca się wokół swojego środka ciężkości. tutaj `Il y a certain un nombre de détails qui se greffent autour du canevas général exposé ci-avant :`

- `l'ordre plot2d sert uniquement à régler l'échelle (isométrique) pour les dessins ;`

²²Oprócz „driverów” pozwalających tworzyć rysunki jako `postscript`, `fig` czy `gif`.

- `xset("background", 1)` impose la couleur 1 (du noir dans la carte des couleurs par défaut) comme couleur d'arrière plan, mais il est recommandé d'exécuter l'instruction `xbasr()` pour mettre effectivement à jour la couleur du fond ;
- le dessin consiste à appeler la fonction `xfpoly` suivi de `xpoly` pour dessiner le bord (avec ici 3 pixels ce qui est obtenu avec `xset("thickness", 3)`); à chaque fois on change la couleur à utiliser avec `xset("color", num)` ;
- l'instruction `xset("default")` repositionne le contexte graphique de la fenêtre à des valeurs par défaut ; ainsi la variable `pixmap` reprend la valeur 0, `thickness` la valeur 1, `background` sa valeur par défaut, etc...

```
n = 4000;
L = 0.6; l = 0.3; r = 0.7;
nb_tours = 4;
t = linspace(0,nb_tours*2*pi,n)';
xg = r*cos(t); yg = r*sin(t);
xy = [-L/2 L/2 L/2 -L/2;... // 4 punkty graniczne
      -l/2 -l/2 l/2 l/2];

xselect()
driver("X11")
xset("pixmap",1)
plot2d([%inf,%inf, frameflag=3, rect=[-1,-1,1,1], axesflag=0)
xset("background",1); // czarne tło
xbasr() // tutaj użyte dla aktualizacji tła
xset("thickness",3) // zwiększenie grubości kreślonych linii (3 piksele)

xset("font",2,4)
for i=1:n
    xset("wpc")
    theta = 3*t(i);
    xyr = [cos(theta) -sin(theta);...
          sin(theta) cos(theta)]*xy;
    xset("color",2)
    xfpoly(xyr(1,:)+xg(i), xyr(2,:)+yg(i))
    xset("color",5)
    xpoly(xyr(1,:)+xg(i), xyr(2,:)+yg(i),"lines",1)
    xset("color",32)
    xtitle("Animation simple")
    xset("wshow") // przeniesienie pixmapy na ekran
end
driver("Rec") // powrót do domyślnego drivera
xset("default") // przywrócenie domyślnego kontekstu graficznego
```

4.10 Powierzchnie

Podstawową funkcją pozwalającą na tworzenie wykresów powierzchni jest `plot3d`²³. Przy prezentacji powierzchni za pomocą `facettes` tutaj mamy możliwość określenia innego koloru dla każdej z nich. Od wersji 2.6 można także, zarówno dla `facettes` trójkątnych jak i kwadratowych określić kolor dla każdego z wierzchołków, przez co render tutaj otrzymywane jest przez interpolację kolorów określonych w wierzchołkach.

4.10.1 Wprowadzenie do `plot3d`

Gdy powierzchnia opisana jest przez równanie typu $z = f(x, y)$, szczególnie łatwo można ją narysować jeśli argumenty są z obszaru prostokątnego. Jako przykład rozważmy funkcję $f(x, y) = \cos(x)\cos(y)$ dla $(x, y) \in [0, 2\pi] \times [0, 2\pi]$:

```
x=linspace(0,2*pi,31); // dyskretyzacja zmiennej x (a tak samo y)
z=cos(x).*cos(x); // zbiór wartości zmiennej z : macierz z(i,j) = f(x(i),y(j))
plot3d(x,x,z) // rysunek
```

W efekcie otrzymamy coś podobnego do rysunku (13)²⁴. W najbardziej ogólnej formie funkcji `plot3d` lub `plot3d1` używamy pisząc

²³`plot3d1` używana analogicznie pozwala uzależnić wartość koloru od wartości przyjmowanej na osi OZ.

²⁴Dokładnie rzecz biorąc rysunek ten przedstawia efekt użycia funkcji `plot3d1` gdzie na potrzeby publikacji zamiast kolorów użyto odcieni szarości a także ustawiono trochę inny punkt widzenia.

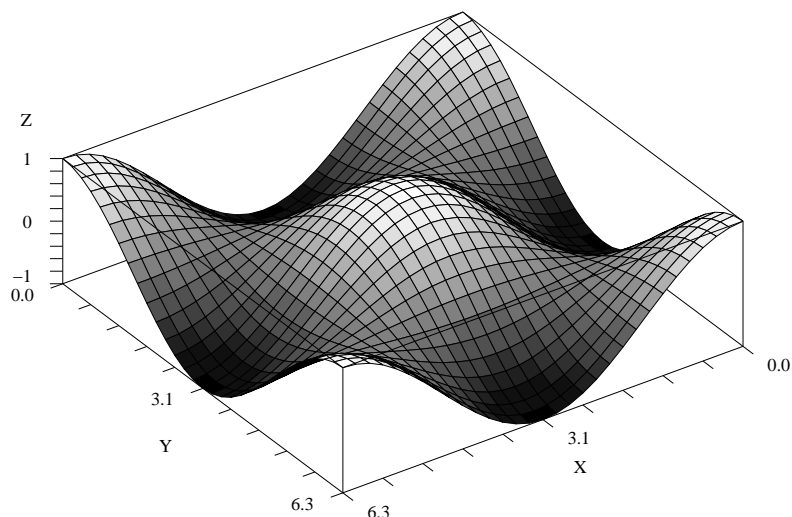


fig:4

Rysunek 13: Funkcja $z = \cos(x)\cos(y)$

```
plot3d(x,y,z <,opt_arg>*)
plot3dl(x,y,z <,opt_arg>*)
```

gdzie dla `plot2d`, `<,opt_arg>*` oznacza ciąg argumentów opcjonalnych, `opt_arg` przyjmuje formę *słowo_kluczowe*=*wartość*. W najprostszym przypadku, `x` i `y` są wektorami liniowymi $((1, nx)$ i $(1, ny)$) odpowiadającymi dyskretyzacji zmiennej x oraz y , natomiast `z` jest macierzą (nx, ny) taką, że $z_{i,j}$ jest „wysokością” w punkcie (x_i, y_j) .

Opcjonalne argumenty to:

1. `theta=val_theta` i `alpha=val_alpha` to dwa kąty (w stopniach) określające punkt widzenia we współrzędnych sferycznych (jeśli O jest środkiem pudełka englobante tutu, O_c kierunkiem patrzenia kamery, wówczas $\alpha = kt(Oz, Oc)$ i $\theta = kt(Ox, Oc')$ gdzie Oc' jest rzutem Oc na płaszczyznę Oxy);
2. `leg=val_leg` pozwala określić nazwę dla każdej z osi (na przykład `leg="x@y@z"`), argument efektywny `val_leg` jest łańcuchem znakowym, w którym `@` stanowi separator pomiędzy nazwami;
3. `flag=val_flag` gdzie `val_flag` jest wektorem o trzech składowych `[mode type box]` pozwalającym określić:

(a) parametr `mode` związany jest z rysunkiem faces tutu i siatki:

- i. dla `mode > 0`, faces niewidoczne są usuwane²⁵, siatka pozostaje widoczna;
- ii. dla `mode = 0`, otrzymujemy tutu un rendu (*fr. fil de fer, ang. wireframe*) de la surface;
- iii. dla `mode < 0`, faces niewidoczne są usuwane a siatka nie jest rysowana.

Dodatkowo określona strona face tutu (patrz dalej) będzie malowana z wykorzystaniem koloru numer `mode` zaś strona przeciwna przy użyciu koloru, który możemy określić instrukcją `xset("hidden3d", colorid)` (domyślnie jest to 4 kolor z palety).

(b) parametr `type` pozwala określić skalę:

type	otrzymana skala
0	użycie poprzedniej skali (tutu ou par défaut)
1	skala wraz z ebox
2	skala otrzymana w oparciu o minimum i maximum zmiennych tutu
3	jak 1 ale skala jest izometryczna
4	jak 2 ale skala jest izometryczna
5	variante de 3
6	variante de 4

²⁵tutu actuellement c'est l'algorithme du peintre qui est utilisé, c-a-d qu'un tri des facettes est effectué et les plus éloignées de l'observateur sont dessinées en premier.

(c) parametr *box* kontroluje tutaj le pourtour du graphe :

<i>box</i>	otrzymany efekt
0	juste le dessin de la surface
2	osie pod powierzchnią są rysowane
3	jak dla 2 z dodatkowym tutaj la boîte englobante
4	jak dla 3 z dodatkowym tutaj la graduation des axes

4. *ebox=val_ebox* pozwala określić tutaj la boîte englobante, *val_ebox* jest wektorem o 6 składowych $[x_{min}, x_{max}, y_{min}, y_{max}, z_{min}, z_{max}]$

Oto mały przykład, w którym używa się prawie wszystkich parametrów *plot3d*. Jest to prosta animacja pozwalająca lepiej zrozumieć zmianę punktu widzenia przy pomocy parametrów *theta* i *alpha*. W skrypcie tym używamy *flag=[2 4 4]*, co oznacza

- *mode = 2* powierzchnia będzie rysowana (jej dodatkowo określona strona) kolorem 2 oraz będzie widoczna siatka;
- *type = 4* zostanie użyta skala izometryczna obliczona na podstawie danych (jest to równoważne wyborowi *type = 3* z parametrem *ebox* przyjmującym wartości równe minimum i maksimum danych);
- *box = 4* rysunek będzie zawierał pudełko tutaj la boîte oraz stopniowanie et des graduations.

```
x=linspace(-%pi,%pi,31);
z=sin(x)'*sin(x);
n = 200;
theta = linspace(30,390,n); // pól{}ny obró{}t
alpha = [linspace(60,0,n/2) linspace(0,80,n/2)]; // od gó{}ry
// do dół{}u

xselect()
xset("pixmap",1) // aktywowanie podwójnego buforowania
driver("X11")
// zmieniamy parametr theta
for i=1:n
    xset("wwpc") // wyczyszczenie bieżącego bufora
    plot3d(x,x,z,theta=theta(i),alpha=alpha(1),leg="x@y@z",flag=[2 4 4])
    xtitle("zmiany punktu widzenia przy pomocy parametru theta")
    xset("wshow")
end
// zmieniamy parametr alpha
for i=1:n
    xset("wwpc") // wyczyszczenie bieżącego bufora
    plot3d(x,x,z,theta=theta(n),alpha=alpha(i),leg="x@y@z",flag=[2 4 4])
    xtitle("zmiany punktu widzenia przy pomocy parametru alpha")
    xset("wshow")
end
xset("pixmap",0)
driver("Rec")
```

4.10.2 Kolory

Powróćmy jeszcze na chwilę do ostatniego przykładu i zamiast *plot3d* napiszmy *plot3d1* uzależniając tym samym kolory od wartości zmiennej *z*. Narysowana powierzchnia powinna przypominać w tym momencie mozaikę gdyż wykorzystywana paleta kolorów domyślnie nie jest „ciągła”.

Paleta kolorów jest macierzą o wymiarze $(nb_couleurs, 3)$, gdzie *i*-ta linia definiuje intensywności składowej czerwonej (wartość zawarta w przedziale od 0 do 1), zielonej i niebieskiej dla *i*-tego koloru. Mając taką macierz, którą nazwiemy *C*, polecenie *xset(‘colormap’,C)* pozwala ją wczytać (załadować) do kontekstu graficznego bieżącego okna graficznego. Funkcje, *hotcolormap* oraz *greycolormap* dostarczają mapy ze stopniową zmianą kolorów²⁶. Mała uwaga: jeśli dokonujemy zmiany palety kolorów po narysowaniu jakiegoś rysunku, zmiany nie będą widoczne natychmiast (jest to zachowanie normalne); wystarczy zmienić rozmiar okna lub tutaj d’envoyer l’ordre xbasr(numero_fenetre). Oto nowy przykład

```
x = linspace(0,2*%pi,31);
z = cos(x)'*cos(x);
```

²⁶Patrz także sekcja Contributions na stronie Scilab.

```

C = hotcolormap(32); // hot colormap z 32 kolorami
xset("colormap",C)
xset("hidden3d",30) // wyb\or koloru 30 do rysowania po ujemnie okre\slonej stronie
xbasc()
plot3d1(x,x,z, flag=[1 4 4]) // spr\obuj tak\ze z flag=[-1 4 4]

```

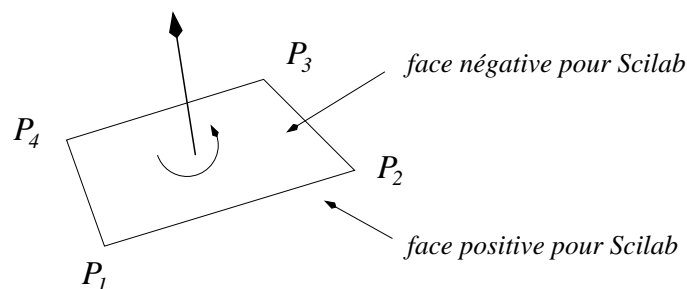
Uwaga : w `plot3d1`, wykorzystuje się jedynie znak parametru *mode* (jeśli $mode \geq 0$ siatka zostanie narysowana, nie zostanie zaś gdy $mode < 0$).

4.10.3 plot3d z des facettes

Chcąc użyć tej funkcji w jak najogólniejszej postaci należy podać opis powierzchni uwzględniając pojedynczy tutaj *facettes*. Określany jest on przy pomocy 3 macierzy xf , yf , zf o wymiarze $(nb_sommets_par_face, nb_faces)$, gdzie $xf(j, i)$, $yf(j, i)$, $zf(j, i)$ są współrzędnymi j -tego wierzchołka i -tego tutaj *facette*. Poza tymi zmianami dalsze użycie jest takie samo jak w poprzednich przykładach:

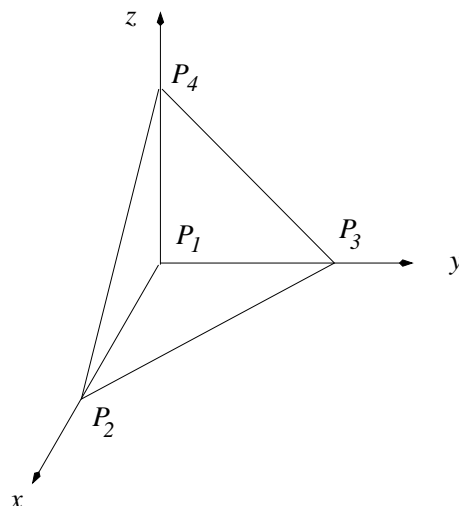
```
plot3d(xf,yf,zf <,opt_arg>*)
```

Orientacja tutaj *facettes* jest odmienna od zwyczajowo przyjętej (patrz rysunek (14)).



Rysunek 14: orientacja tutaj *facettes* w Scilab-ie

W celu zdefiniowania kolorów dla każdego *facette*, trzeci argument musi być listą : `list(zf, colors)` gdzie *colors* jest wektorem o rozmiarze nb_faces , `colors(i)` określany numer (w paletce) koloru i -tego tutaj *facette*.



Rysunek 15: Trójszian

Jak w pierwszym przykładzie, narysujemy ściany trójszianu z rysunku (15), dla którego:

$$P_1 = \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}, P_2 = \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}, P_3 = \begin{bmatrix} 0 \\ 1 \\ 0 \end{bmatrix}, P_4 = \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ 1 \end{bmatrix},$$

gdzie definicja ścian jest następująca (w ten sposób otrzymujemy ściany zewnętrzne z orientacją dodatnią dla Scilab-a):

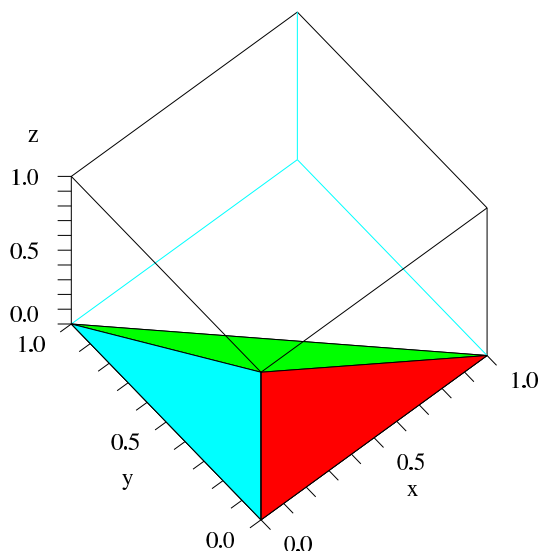
$$f_1 = (P_1, P_2, P_3), f_2 = (P_2, P_4, P_3), f_3 = (P_1, P_3, P_4), f_4 = (P_1, P_4, P_2)$$

Napiszmy więc:

```
//      f1 f2 f3 f4
xf = [ 0  1  0  0;
      1  0  0  0;
      0  0  0  1];
yf = [ 0  0  0  0;
      0  0  1  0;
      1  1  0  0];
zf = [ 0  0  0  0;
      0  1  0  1;
      0  0  1  0]; // tutu ouf !

xbasc()
plot3d(xf,yf,list(zf,2:5), flag=[1 4 4], leg="x@y@z",alpha=30, theta=230)
xselect()
```

Otrzymany efekt powinien przypominać rysunek 16. Można zauważyć, że plot 3d używa prostej tutaj projection orthographique et non une projection perspective plus réaliste.



Rysunek 16: Trójscian narysowany w Scilab-ie.

Na bieżące potrzeby, obliczenia tutaj des facettes, mogą być efektywniejsze dzięki funkcjom:

- eval3dp i nf3d dla powierzchni zdefiniowanych przy pomocy $x = x(u, v)$, $y = y(u, v)$, $z = z(u, v)$ (patrz 4.10.4);
- genfac3d dla powierzchni definiowanych przy pomocy $z = f(x, y)$ (przykład pokazany jest trochę dalej (4.10.5)).

Jeśli powierzchnia (wielościan) zdefiniowana jest w taki sam sposób jak trójscian z przykładu nie można jego narysować bezpośrednio przy użyciu plot3d. W celu otrzymania opisu oczekiwanego przez Scilab-a można wykorzystać funkcję podobną do przedstawionej poniżej:

```
function [xf,yf,zf] = facettes_polyedre(P)
// tutu transforme la structure Polyedre de l'exemple
// sur les tlist en description de facettes pour
// visualisation avec plot3d
[ns, nf] = size(P.face) // ns: ilo\ 's\ 'c wierzcho\ l\ }k\ 'ow tworzy\ k\ {a\ cych \ 'scian\ k\ {e}
// nf: ilo\ 's\ 'c \ 'scian
xf=zeros(P.face); yf=zeros(P.face); zf=zeros(P.face)
```

```

for j=1:ns
    num = connect(ns+1-j,:) // dla odwr\ocenia orientacji
    xf(j,:) = P.coord(1, num)
    yf(j,:) = P.coord(2, num)
    zf(j,:) = P.coord(3, num)
end
endfunction

```

Mając tak określoną funkcję, rysunek wielościanu otrzymamy pisząc

```

[xf,yf,zf] = facettes_polyedre(Cube);
plot3d(xf,yf,list(zf,2:7), flag=[1 4 0],theta=50,alpha=60)

```

4.10.4 Rysowanie powierzchni opisanej przy pomocy $x = x(u, v)$, $y = y(u, v)$, $z = z(u, v)$

Odpowiedź: wziąć dyskretyzację dziedziny parametrów obliczyć tutaj les facettes przy pomocy funkcji (eval3dp). Ze względów wydajnościowych, funkcja określająca parametry powierzchni powinna być napisana „wektorowo”. Jeśli (u_1, u_2, \dots, u_m) i (v_1, v_2, \dots, v_n) stanowią dyskretyzację dziedziny parametrów, funkcja powinna być wywoływana jednokrotnie z dwoma „dużymi” wektorami rozmiaru $m \times n$:

$$\begin{aligned}
 U &= (\underbrace{u_1, u_2, \dots, u_m}_1, \underbrace{u_1, u_2, \dots, u_m}_2, \dots, \underbrace{u_1, u_2, \dots, u_m}_n) \\
 V &= (\underbrace{v_1, v_1, \dots, v_1}_m \text{ fois } v_1, \underbrace{v_2, v_2, \dots, v_2}_m \text{ fois } v_2, \dots, \underbrace{v_n, v_n, \dots, v_n}_m \text{ fois } v_n)
 \end{aligned}$$

W oparciu o te dwa wektory, funkcja powinna tworzyć 3 wektory X, Y et Z wymiaru $m \times n$ takie, że:

$$X_k = x(U_k, V_k), Y_k = y(U_k, V_k), Z_k = z(U_k, V_k)$$

Oto kilka przykładów parametryzacji powierzchni, tutaj écrite²⁷ de façon à pouvoir être utilisée avec eval3dp :

```

function [x,y,z] = tore(theta, phi)
// tutu paramétrisation classique d'un tore de rayons R et r et d'axe Oz
R = 1; r = 0.2
x = (R + r*cos(phi)).*cos(theta)
y = (R + r*cos(phi)).*sin(theta)
z = r*sin(phi)
endfunction

```

```

function [x,y,z] = helice_torique(theta, phi)
// tutu paramétrisation d'une helice torique
R = 1; r = 0.3
x = (R + r*cos(phi)).*cos(theta)
y = (R + r*cos(phi)).*sin(theta)
z = r*sin(phi) + 0.5*theta
endfunction

```

```

function [x,y,z] = moebius(theta, rho)
// wst\k{e}ga Moëbius-a
R = 1;
x = (R + rho.*sin(theta/2)).*cos(theta)
y = (R + rho.*sin(theta/2)).*sin(theta)
z = rho.*cos(theta/2)
endfunction

```

```

function [x,y,z] = tore_bossele(theta, phi)
// tutu paramétrisation d'un tore dont le petit rayon r est variable avec theta
R = 1; r = 0.2*(1+ 0.4*sin(8*theta))
x = (R + r.*cos(phi)).*cos(theta)

```

²⁷Piszemy je w naturalny sposób, pamiętając aby zamiast * i / napisać . * i . / i wszystko powinno działać!

```

y = (R + r.*cos(phi)).*sin(theta)
z = r.*sin(phi)
endfunction

```

Oto przykład wykorzystujący ostatnią powierzchnię:

```

// skrypt rysuj\k{a}cy powierzchni\k{e} opisan\k{a} za pomoc\k{a} r\'ownania parametrycznego
theta = linspace(0, 2*%pi, 160);
phi = linspace(0, -2*%pi, 20);
[xf, yf, zf] = eval3dp(tore_bossele, theta, phi); // tutu calcul des facettes
xbasec()
plot3d1(xf,yf,zf)
xselect()

```

Jeśli chcemy użyć kolorów a nie otrzymujemy ich na rysunku, spowodowane jest to niewłaściwą orientacją; wystarczy odwrócić kierunek jednego z wektorów stanowiącego dyskretyzację dziedziny.

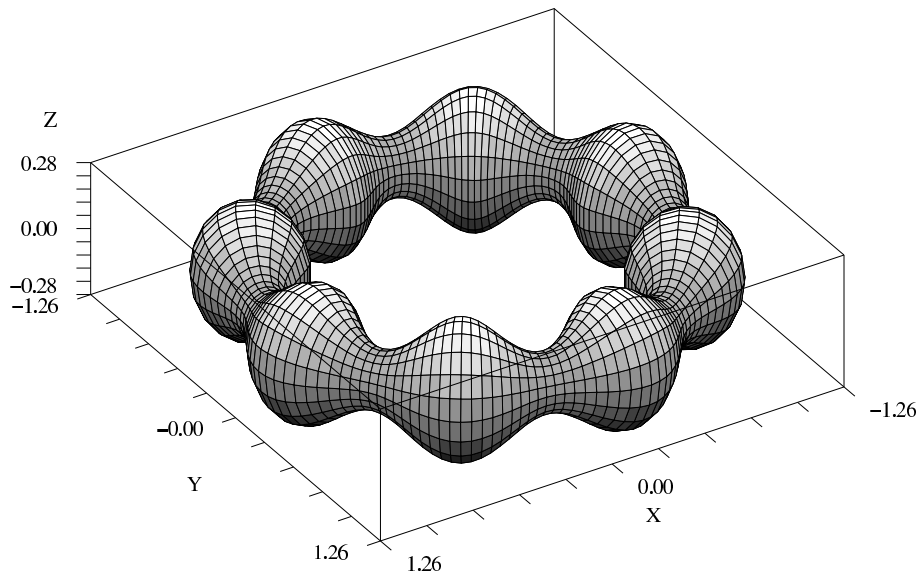


fig:6

Rysunek 17: Un tore bosselé... tutu

tutu Funkcja `nf3d` jest lekko podobna do `eval3dp`, ale mając dyskretyzację u i v trzeba zdefiniować soit-même des matrices X, Y, Z taką, że:

$$\begin{aligned} X_{i,j} &= x(u_i, v_j) \\ Y_{i,j} &= y(u_i, v_j) \\ Z_{i,j} &= z(u_i, v_j) \end{aligned}$$

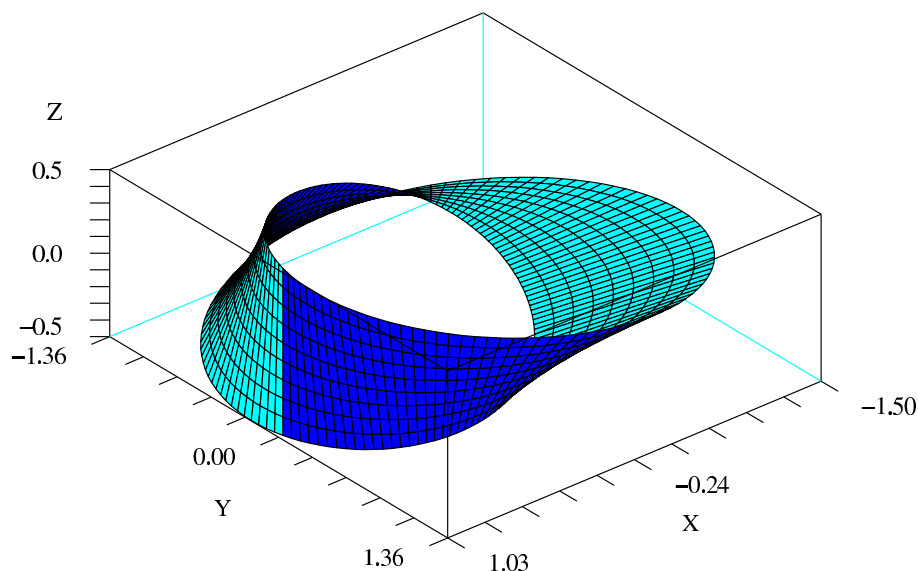
et vos facettes s'obtiennent alors avec `[xf,yf,zf] = nf3d(X,Y,Z)`. Jako przykład rozważmy wstęgę Moëbius-a définit juste avant :

```

nt = 120;
nr = 10;
rho = linspace(-0.5,0.5,nr);
theta = linspace(0,2*%pi,nt);
R = 1;
X = (R + rho'*sin(theta/2)).*(ones(nr,1)*cos(theta));
Y = (R + rho'*sin(theta/2)).*(ones(nr,1)*sin(theta));
Z = rho'*cos(theta/2);
[xf,yf,zf] = nf3d(X,Y,Z);
xbasec()
plot3d(xf,yf,zf, flag=[2 4 6], alpha=60, theta=50)
xselect()

```

Uwaga: w celu otrzymania prawidłowej macierzy należało użyć funkcji `ones`, tutu ce qui ne rend pas le code très clair: funkcja `eval3dp` jest łatwiejsza w użyciu!



Rysunek 18: Wstęga Moëbius-a

4.10.5 plot3d z interpolacją kolorów

Od wersji 2.6, możliwe jest określenie koloru dla każdego wierzchołka tutaj d'une facette. Wystarczy określić macierz colors takiego samego wymiaru jak `xf`, `yf`, `zf` dającą opis każdego facette, to znaczy taką, że `colors(i, j)` jest kolorem związanym z i-tym wierzchołkiem j-tego face, i połączyć z trzecim argumentem (`zf`) w listę:

```
plot3d(xf,yf,list(zf,colors) <,opt_arg>*)
```

Oto przykład początkowy `plot3d` bez rysowania siatki:

- tutaj une couleur par face pour le dessin de gauche,
- tutaj une couleur par sommet pour celui de droite.

Aby obliczyć wartości kolorów, wykorzystano pomocniczą funkcję wiążącą w sposób liniowy wartości na karcie graficznej tutaj!!! (użyto funkcji `dsearch` dostępnej od wersji 2.7 ale można łatwo tutaj vous en passer). Zauważyć także będzie można wykorzystanie funkcji `genfac3d` pozwalającej na obliczenie tutaj les facettes.

```
// przyk\l{}ad wykorzystania plot3d z interpolacj\k{a} kolor\ow
function [col] = associe_couleur(val)
    // przypisanie koloru dla ka\zdej z warto\sci z val tutaj przypisanie do warto\sci?!!!
    n1 = 1 // numer 1-ego koloru
    n2 = xget("lastpattern") // numer ostatniego koloru
    nb_col = n2 - n1 + 1
    classes = linspace(min(val),max(val),nb_col)
    col = dsearch(val, classes)
endfunction

x=linspace(0,2*\%pi,31);
z=cos(x)*cos(x);
[xf,yf,zf] = genfac3d(x,x,z);
xset("colormap",graycolormap(64))

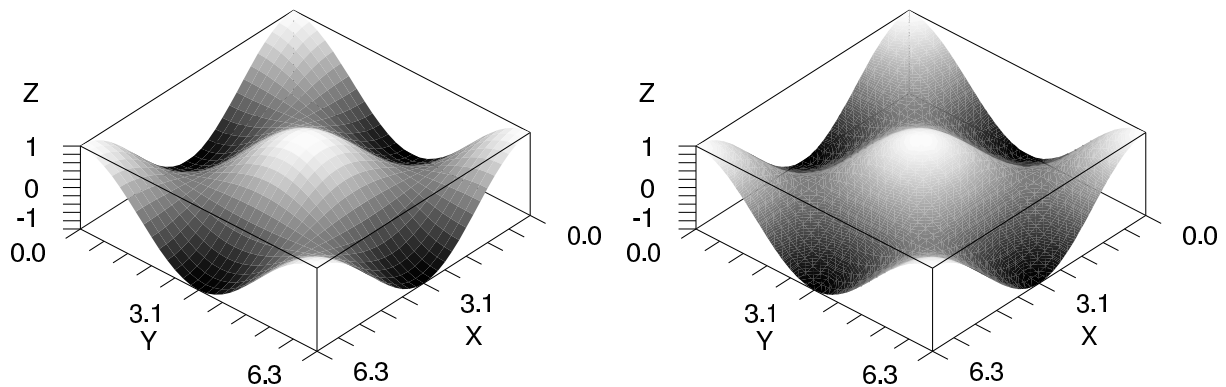
zmeanf = mean(zf,"r");
zcolf = associe_couleur(zmeanf);
zcols = associe_couleur(zf);

xbasc()
xset("font",6,2) // font 6 (helvetica) tutaj n'est disponible
// que dans la version cvs de scilab
subplot(1,2,1)
plot3d(xf,yf,list(zf,zcolf), flag=[-1 4 4])
```

```

    xtitle("Jeden kolor na tutu face")
subplot(1,2,2)
    plot3d(xf,yf,list(zf,zcols), flag=[-1 4 4])
    xtitle("Jeden kolor na wierzcho\l{}ek")
xselect()

```



Rysunek 19: Z i bez interpolacji kolorów.

4.11 Krzywe w przestrzeni

Podstawową funkcją pozwalającą rysować krzywe w przestrzeni jest `param3d`. Oto klasyczny przykład *tutu de l'hélice*:

```

t = linspace(0,4*\%pi,100);
x = cos(t); y = sin(t) ; z = t;
param3d(x,y,z) // ewentualne wymazanie okna graficznego za pomoc\k{a} xbas()

```

tutu mais comme cette dernière ne permet que d'afficher une seule courbe nous allons nous concentrer sur `param3d1` qui permet de faire plus de choses. Oto jej składnia:

```

param3d1(x,y,z <,opt_arg>*)
param3d1(x,y,list(z,colors) <,opt_arg>*)

```

Macierze `x`, `y` et `z` muszą być tego samego wymiaru (`np,nc`) a ilość krzywych (`nc`) jest określona przez ilość kolumn (jak dla `plot2d`). Parametry opcjonalne są takie same jak dla funkcji `plot3d`, modulo le fait que `flag` *tutu* ne ne comporte pas de paramètre *mode*.

`colors` jest wektorem określającym styl dla każdej krzywej (dokładnie jak `plot2d`), to znaczy gdy `colors(i)` jest wartością całkowitą dodatnią, *i*-ta krzywa rysowana jest *i*-tym kolorem z bieżącej palety kolorów (*tutu* ou avec différents pointillés sur un terminal noir et blanc); jeśli zaś zawarta jest pomiędzy -9 i 0, otrzymujemy rysunek złożony z punktów (*tutu* non reliés) zaznaczonych odpowiednim symbolem. Oto przykład, który powinien doprowadzić nas do rysunku (20):

```

t = linspace(0,4*\%pi,100)';
x1 = cos(t); y1 = sin(t) ; z1 = 0.1*t; // spirala
x2 = x1 + 0.1*(1-rand(x1));
y2 = y1 + 0.1*(1-rand(y1));
z2 = z1 + 0.1*(1-rand(z1));
xbas();
xset("font",2,3)
param3d1([x1 x2],[y1 y2],list([z1 z2], [1,-9]), flag=[4 4])
xset("font",4,4)
xtitle("Spirala z per\l{}ami")

```

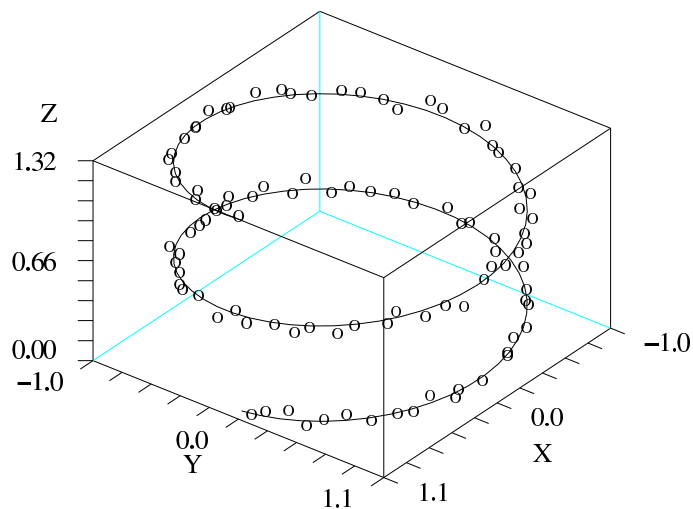
Jak dla `plot2d` funkcję tą należy wywołać kilkakrotnie jeśli różne krzywe nie mają takiej samej ilości punktów. Oto skrypt, wyjaśniający jak utworzyć dwie grupy punktów ze różnymi znakami i kolorami:

```

n = 50; // ilo's\c punkt\ow
P = rand(n,3); // losowanie punkt\ow
// tutu on impose les dimensions de la boite englobante
ebox = [0 1 0 1 0 1];

```

Helice avec perles



Rysunek 20: Krzywa i punkty w przestrzeni.

```
// rozdzielenie punkt\ow na dwie grupy aby pokaza\c jak przypisa\c
// r\o\zne symbole i kolory do punkt\ow
m = 30;
P1 = P(1:m,:) ; P2 = P(m+1:n,:);

// rysunek
xbasc()
// pierwsza grupa punkt\ow
xset("color",2) // tutu du bleu avec la carte par default niebieski w domy\slnej palecie (?)
param3dl(P1(:,1),P1(:,2),list(P1(:,3), -9), alpha=60, theta=30,...
    leg="x@y@z", flag=[3 4], ebox=ebox)
    // tutu flag=[3 4] : 3 -> echelle iso se basant sur ebox
    // tutu          4 -> boite + graduation
// druga grupa punkt\ow
xset("color",5) // tutu du rouge avec la carte par default
param3dl(P2(:,1),P2(:,2),list(P2(:,3), -5), flag=[0 0])
    // tutu -5 pour des triangles inverses
    // tutu [0 0] : echelle fixée et cadre dessiné avec l'appel précédent
xset("color",1) // aby ustawi\c czarny jako bie\z\k{a}cy kolor
xtitle("Punkty...")
xselect()
```

4.12 Różności

Istnieje jeszcze wiele prymitywów graficznych:

1. `contour2d` i `contour` pozwalają rysować linie poziomowe dla funkcji $z = f(x, y)$ określonej na prostokącie;
2. `grayplot` i `Sgrayplot` pozwalają reprezentować wartości funkcji tutu qui permettent de représenter les valeurs d'une telle fonction en utilisant des couleurs ;
3. `fec` odgrywają taką samą rolę jak dwie poprzednie dla funkcji określonej tutu est définie sur une triangulation plane ;
4. `champ` pozwala określić pole wektorowe w 2D ;
5. tutu wiele funkcji wywoływanych w tym rozdziale dopuszcza różne parametry aby tworzyć wykresy funkcji bardziej bezpośrednio si on fournit une fonction scilab comme argument (le nom de ces fonctions commence par un `f` `fplot2d`, `fcontour2d`, `fplot3d`, `fplot3dl`, `fchamp`,...).

Aby zdać sobie sprawę z możliwości²⁸ wystarczy przejrzeć tutaj rubricę (dział,sekcja (!)) Graphic Library pomocy. Od wersji 2.7 istnieje nowy model graficzny „zorientowany obiektowo” pozwalający modyfikować właściwości grafiki po ujrzeniu rysunku. Domyślnie nie jest on aktywny, ale jeśli ktoś chce poeksperymentować należy wydać polecenie:

```
set("figure_style","new")
```

przed utworzeniem rysunku. Jako że ten nowy tryb jest w trakcie rozwijania zalecane jest używanie wersji tutaj cvs de scilab.

Biblioteka Enrico Ségre, którą można tutaj „ściągnąć” z jego strony:

<http://www.weizmann.ac.il/~feseigre/>

tutu compléte celle de Scilab et contient takze funkcje pozwalające uprościć tutaj certaines taches.

5 Zastosowania i uzupełnienia

Rozdział ten przedstawia metody rozwiązywania w Scilabie pewnych typów problemów analizy numerycznej (aktualnie równań różniczkowych...) oraz dostarcza uzupełnień/dodatkowych informacji niezbędnych podczas projektowania prostych symulacji stochastycznych.

5.1 Równania różniczkowe

Scilab dysponuje potężnym interfejsem dla rozwiązywania numerycznego (w sposób przybliżony) równań różniczkowych przy zastosowaniu prostej instrukcji ode. Rozważmy zatem następujące równanie różniczkowe z warunkiem początkowym :

$$\begin{cases} u' = f(t, u) \\ u(t_0) = u_0 \end{cases}$$

gdzie $u(t)$ jest wektorem w \mathbb{R}^n , f jest funkcją $\mathbb{R} \times \mathbb{R}^n \rightarrow \mathbb{R}^n$, oraz $u_0 \in \mathbb{R}^n$. Zakładamy warunki brzegowe dla których rozwiązanie istnieje i jest jednoznaczne do okresu T .

5.1.1 Podstawowe użycie ode

Zdefiniujmy funkcję f jako funkcję Scilaba w następujący sposób :

```
function [f] = MojaFunkcja(t,u)
//
    tutaj kod definiujący f jako funkcję t i u.
endfunction
```

Rmq : Podobnie, jeśli równanie jest ...autonome..., należy doprowadzić równanie do postaci w której mamy funkcję zależną od zmiennej t Oto przykład kodu dla równania Van der Pola :

$$y'' = c(1 - y^2)y' - y$$

kładąc $u_1(t) = y(t)$ oraz $u_2(t) = y'(t)$ przekształcamy je do układu dwóch równań różniczkowych pierwszego rzędu :

$$\frac{d}{dt} \begin{bmatrix} u_1(t) \\ u_2(t) \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} u_2(t) \\ c(1 - u_1^2(t))u_2(t) - u_1(t) \end{bmatrix}$$

```
function [f] = VanDerPol(t,u)
// second membre pour Van der Pol (c = 0.4)
f(1) = u(2)
f(2) = 0.4*(1 - u(1)^2)*u(2) - u(1)
endfunction
```

Następnie wywołujemy ode aby rozwiązać równanie (układ równań) względem t_0 w T , wychodząc od u_0 (wektor kolumnowy) i chcąc otrzymać rozwiązanie w chwili $t(1) = t_0$, $t(2)$, ..., $t(m) = T$, wpiszemy instrukcję :

```
t = linspace(t0,T,m);
[U] = ode(u0,t0,t,MojaFunkcja)
```

²⁸tutu attention risque de noyade !

Otrzymamy w ten sposób macierz U o wymiarach (n, m) , w której $U(i, j)$ jest rozwiązaniem częściowym/cząstkowym $u_i(t(j))$ (i -ta składowa w chwili $t(j)$). Uwaga: Liczba składowych branych dla t (czyli momenty w których otrzymuje się rozwiązanie) nie mają nic wspólnego z precyzją obliczeń. Funkcja `ode` bazuje na wielu algorytmach pozwalających dostosowanie jej do wielu sytuacji... Aby wybrać odpowiednią metodę należy dodać odpowiedni parametr w trakcie wywołania (patrz `Help`). Domyślnie (tzn. bez wybierania `explicit` jednej metody) stosowana jest metoda Adamsa predykcji, natomiast w przypadku gdy Scilab określi równanie jako sztywne²⁹ algorytm zostaje zmieniony na metodę Gear-a.

Oto kompletny przykład dla równania Van der Pola. W tym przypadku przestrzeń stanów jest płaska, można zatem otrzymać obraz dynamiki rysując pole wektorowe w prostokącie $[x_{min}, x_{max}] \times [y_{min}, y_{max}]$ za pomocą instrukcji graficznej `fchamp` w następujący sposób:

```
fchamp(MojaFunkcja,t,x,y)
```

gdzie `MojaFunkcja` oznacza nazwę funkcji Scilaba będącą składnikiem po prawej stronie równania różniczkowego, t jest momentem w którym chcemy naszkicować pole (w przypadku ciągłym równania możemy przyjąć dowolną wartość np. 0) oraz x i y są wektorami wierszowymi o n_x i n_y współrzędnych wyznaczającymi punkty siatki na której znajdują się kierunki wyznaczające pole wektorowe.

```
// 1/ kreślmy pole wektorowe odpowiadające równaniu Van der Pola
n = 30;
delta = 5
x = linspace(-delta,delta,n); // tutaj y = x
xbasc()
fchamp(VanDerPol,0,x,x)
xselect()

// 2/ rozwiązujemy równanie różniczkowe
m = 500 ; T = 30 ;
t = linspace(0,T,m); // moment w którym znajduje się rozwiązanie
u0 = [-2.5 ; 2.5]; // warunek początkowy
[u] = ode(u0, 0, t, VanDerPol);
plot2d(u(1,:),u(2,:),2,"000")
```

5.1.2 Van der Pol jeszcze raz

W tej części zwrócimy naszą uwagę na możliwości graficzne Scilaba pozwalające otrzymać wiele żądanych trajektorii bez ponownego uruchamiania skryptu z inną wartością argumentu u_0 Po wyświetleniu pola wektorowego, każdy warunek początkowy będzie zadany poprzez kliknięcie lewym przyciskiem myszy³⁰; pojawi się wówczas punkt na żądanej pozycji początkowej. Jest to możliwe dzięki funkcji `xclick`, której składnia jest następująca :

```
[c_i,c_x,c_y]=xclick();
```

Jak widać, Scilab dysponuje odpowiednimi procedurami, które umożliwiają między innymi reagowanie na tzw zdarzenia graficzne jak kliknięcie myszą . Kiedy takie zdarzenia ma miejsce, następuje automatyczna lokalizacja pozycji punktu (w bieżącej skali) poprzez przypisanie jego współrzędnych do zmiennych `c_x` oraz `c_y`. Trzeci argument, czyli `c_i` oznacza odpowiedni klawisz myszy zgodnie z poniższą tabelką :

wartość dla <code>c_i</code>	klawisz
0	lewy
1	środkowy
2	prawy

W skrypcie wykorzystano kliknięcie na lewy klawisz myszy jako ten, wyznaczający punkt początkowy dla pęku zdarzeń.

Na koniec nadano każdej z wyrysowanych trajektorii inny kolor (tablica `couleur` pozwala wybrać jeden z dostępnych kolorów). Aby otrzymać skalę izometryczną urzyjemy `fchamp` dodając opcjonalny argument jak dla `plot2d` (należy użyć `strf=wartosc_strf` jako że parametry `frameflag` i `axesflag` nie są). Ostatni aspekt : aby zaznaczyć punkt początkowy obrysowano go nałum kółkiem, natomiast aby pokazać wszystkie możliwości okna graficznego wykorzystano sześcienny układ współrzędnych. Ostatnia uwaga : podczas gdy jest wyświetlone pole wektorowe, można maksymalizować okno graficzne! Klikając dwukrotnie otrzymano rysunek (21) wszystkie trajektorie zbieżne na jednej sferze, będącej dla tego równania

²⁹równanie jest raide w przypadku gdy (mniej lub bardziej) łączy się z metodami jednoznaczными

³⁰jak sugerowano w jednym z artykułów dotyczących Scilaba, zamieszczonym w *Linux Magazine*

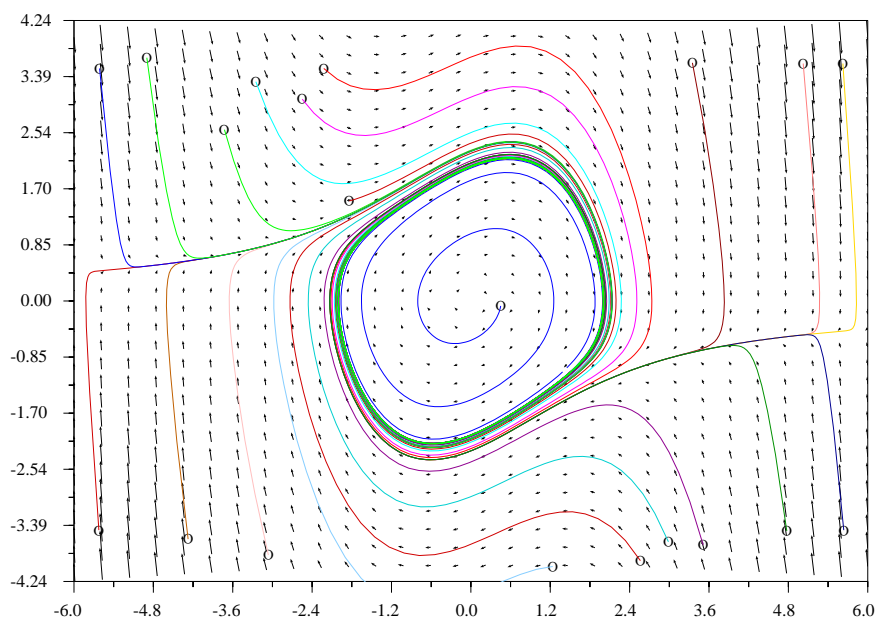
```

// 1/ wykres pola wektorowego dla rownania Van der Pola
n = 30;
delta_x = 6
delta_y = 4
x = linspace(-delta_x,delta_x,n);
y = linspace(-delta_y,delta_y,n);
xbasc()
fchamp(VanDerPol,0,x,y, strf="041")
xselect()

// 2/ resolution de l'equation differentielle
m = 500 ; T = 30 ;
t = linspace(0,T,m);

couleurs = [21 2 3 4 5 6 19 28 32 9 13 22 18 21 12 30 27] // 17 couleurs
num = -1
while %t
    [c_i,c_x,c_y]=xclick();
    if c_i == 0 then
        plot2d(c_x, c_y, style=-9, strf="000") // un petit o pour marquer la C.I.
        u0 = [c_x;c_y];
        [u] = ode(u0, 0, t, VanDerPol);
        num = modulo(num+1,length(couleurs));
        plot2d(u(1,:)',u(2,:)', style=couleurs(num+1), strf="000")
    elseif c_i == 2 then
        break
    end
end
end

```



Rysunek 21: Quelques trajectoires dans le plan de phase pour l'équation de Van der Pol

5.1.3 Troche więcej o ode

W tym drugim przykładzie pokażemy inne zastosowanie funkcji ode dla równań z parametrem. Oto nasze nowe równanie różniczkowe (Równanie Brusselator) :

$$\begin{cases} \frac{du_1}{dt} = 2 - (6 + \epsilon)u_1 + u_1^2 u_2 \\ \frac{du_2}{dt} = (5 + \epsilon)u_1 - u_1^2 u_2 \end{cases}$$

które przyjmuje jako punkt krytyczny $P_{stat} = (2, (5 + \epsilon)/2)$. Ponieważ wartości parametru ϵ zmieniają się z ujemnej na dodatnią, punkt stacjonarny zmienia swoją charakter (jest stały lub zmienny, wchodząc, dla $\epsilon = 0$ w zjawisko rozgałęzienia Hopf). Interesują nas trajektorie z warunkami początkowymi z sąsiedztwa tego punktu. Oto funkcja licząca to równanie :

```
function [f] = Brusselator(t,u,eps)
//
f(1) = 2 - (6+eps)*u(1) + u(1)^2*u(2)
f(2) = (5+eps)*u(1) - u(1)^2*u(2)
endfunction
```

Aby podać parametr, zastąpimy w wywołaniu ode nazwę funkcji (tutaj Brusselator) przez uporządkowaną listę zawierającą nazwę funkcji oraz jej parametry :

```
[x] = ode(x0,t0,t,list(MojaFunkcja, par1, par2, ...))
```

W naszym przypadku :

```
[x] = ode(x0,t0,t,list(Brusselator, eps))
```

a następnie zastosujemy fchamp aby narysować pole.

Aby ustalić zakres tolerancji dla błędu lokalnego rozwiązania użyjemy dodatkowych parametrów rtol oraz atol zaraz po nazwie funkcji (lub listy zawierającej tę funkcję wraz z jej parametrami. W każdym kroku czasowym, $t_{k-1} \rightarrow t_k = t_{k-1} + \Delta t_k$, obliczane jest oszacowanie błędu lokalnego e (tzn. błędu dla kroku czasowego wychodząc z warunku początkowego $v(t_{k-1}) = U(t_{k-1})$) :

$$e(t_k) \simeq U(t_k) - \left(\int_{t_{k-1}}^{t_k} f(t, v(t)) dt + U(t_{k-1}) \right)$$

(drugi składnik jest rozwiązaniem dokładnym zależnym od rozwiązania numerycznego $U(t_{k-1})$ otrzymanego w poprzednim kroku) a następnie sprawdza czy zawiera się on w zakresie tolerancji formułowane za pomocą dwóch parametrów rtol et atol :

$$tol_i = rtol_i * |U_i(t_k)| + atol_i, 1 \leq i \leq n$$

w przypadku gdy dane są dwa wektory długości n dla tych parametrów, oraz:

$$tol_i = rtol * |U_i(t_k)| + atol, 1 \leq i \leq n$$

gdy dane są skalary. Jeżeli $|e_i(t_k)| \leq tol_i$ dla wszystkich t_k , krok jest akceptowany a następnie obliczony zostaje nowy krok czasowy w taki sposób, że kryterium nałożone na przyszły błąd będzie pewnym sposobem jego realizacji<?????. W przeciwnym razie, ponownie całkuje się wyrażenie dla t_{k-1} przyjmując nowy, nieco mniejszy krok(.....). Metody tego typu oprócz zmiany czasu, manipulują również kolejnością równań w celu otrzymania dobrej skuteczności/wydajności informacji... Domyślnie stosowanymi wartościami są $rtol = 10^{-5}$ i $atol = 10^{-7}$ (za wyjątkiem typów wybierających metodę Runge Kutta). Ważna uwaga : całkowanie może często się nie powieść...

Poniżej przedstawiamy przykładowy skrypt, w którym punkty krytyczne oznaczono małymi, czarnymi kwadratami (otrzymano je przy pomocy prostej funkcji graficznej xfreect) :

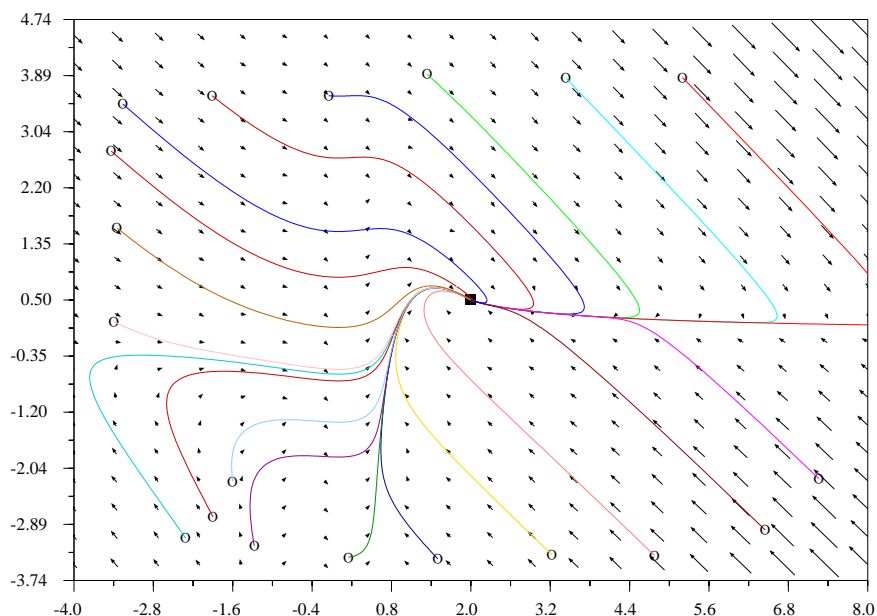
```
// Brusselator
eps = -4
P_stat = [2 ; (5+eps)/2];
// granice dla wykresu pola wektorowego
delta_x = 6; delta_y = 4;
x_min = P_stat(1) - delta_x; x_max = P_stat(1) + delta_x;
y_min = P_stat(2) - delta_y; y_max = P_stat(2) + delta_y;
n = 20;
x = linspace(x_min, x_max, n);
y = linspace(y_min, y_max, n);
// 1/ wykres pola wektorowego
xbasc()
fchamp(list(Brusselator,eps),0,x,y, strf="041")
xfrect(P_stat(1)-0.08,P_stat(2)+0.08,0.16,0.16) // dla zaznaczenia punktów krytycznych
```

```

xselect()

// 2/ rozwiązanie rownania rozniczkowego
m = 500 ; T = 5 ;
rtol = 1.d-09; atol = 1.d-10; // zakres tolerancji bledu
t = linspace(0,T,m);
couleurs = [21 2 3 4 5 6 19 28 32 9 13 22 18 21 12 30 27]
num = -1
while %t
    [c_i,c_x,c_y]=xclick();
    if c_i == 0 then
        plot2d(c_x, c_y, style=-9, strf="000") // male o aby zanaczyc C.I.
        u0 = [c_x;c_y];
        [u] = ode(u0, 0, t, rtol, atol, list(Bruscelator,eps));
        num = modulo(num+1,length(couleurs));
        plot2d(u(1,:)',u(2,:)', style=couleurs(num+1), strf="000")
    elseif c_i == 2 then
        break
    end
end
end

```



Rysunek 22: Niektóre trajektorie w polu fazowym dla Brusselatora ($\epsilon = -4$)

5.2 Generowniów liczb losowych

5.2.1 Funkcja rand

Do tej pory funkcja ta służyła nam głównie do wypełniania liczbami losowymi naszych macierzy i wektorów... Funkcja ta używa liniowego generatora następująco³¹ :

$$X_{n+1} = f(X_n) = (aX_n + c) \bmod m, \quad n \geq 0, \quad \text{gdzie} \quad \begin{cases} m = 2^{31} \\ a = 843314861 \\ c = 453816693 \end{cases}$$

³¹Według tego, co autor rozumiał oglądając kod

Jej okres jest z pewnością równy m (oznacza to, że f jest permutacją cykliczną na przedziale $[0, m - 1]$.) Zauważmy, że wszystkie generatory losowe w komputerze są Aby przekształcić je do liczb rzeczywistych z przedziału $[0, 1]$, dzieli się otrzymaną daną przez m (i otrzymuje się generator liczb rzeczywistych.....). Składnik początkowy szeregu jest często zwany inicjatorem i przyjmuje domyślnie wartość $X_0 = 0$. Zatem pierwsze wywołanie `rand` (pierwszy otrzymany współczynnik jeśli wypełniamy macierz lub wektor) jest zawsze :

$$u_1 = 453816693/2^{31} \approx 0.2113249$$

Istnieje możliwość zmiany, w dowolnym momencie inicjatora za pomocą instrukcji :

```
rand("seed", inicjator)
```

gdzie `inicjator` jest zawarty w przedziale $[0, m - 1]$. Często istnieje potrzeba zainicjowania szeregu poprzez wybór inicjatora mniej lub bardziej przypadkowo (sytuacja taka, aby nie mieć tej samej liczby za każdym razem), możemy chcieć na przykład otrzymać losowo datę lub godzinę czy też kombinować inicjatory<-??? Scilab dysponuje funkcją `getdate` która generuje wektor złożony z 9 elementów. Wśród nich są :

- drugi oznacza miesiąc (1-12),
- szesty, dzień miesiąca (1-31),
- siódmy, godzinę (0-23),
- ósmy, minuty (0-59),
- i dziewiąty, sekundy (0-61 ?).

Aby otrzymać inicjator można na przykład dodawać powyższe elementy między sobą :

```
v = getdate()
rand("seed", sum(v([2 6 7 8 9])))
```

Zwróćmy uwagę również na możliwość zastąpienia bierzącego inicjatora przez :

```
germe = rand("seed")
```

Począwszy od rozkładu jednostajnego na $[0, 1]$, można otrzymać inne rozkłady a funkcja `rand` dostarcza dostateczny interfejs pozwalający otrzymać rozkład normalny (średnia 0 i wariancja 1). Aby przejść od jednego do drugiego, stosuje się następującą składnię :

```
rand("normal") // aby otrzyma\ 'c rozk\l\}ad normalny
rand("uniform") // aby powr\ 'oci\ 'c do rozk\l\}adu jednostajnego
```

Domyślnie generator przyjmuje rozkład jednostajny ale jest rozsądnie w każdej symulacji upewnić się czy `rand` daje oczekiwany wynik używając jedną w tych instrukcji. Można zrasztą sprawdzić aktualny rozkład za pomocą :

```
loi=rand("info") // rozk\l\}ad jest jeden z dw\ 'och mo\ .zliwo\k\{a\ci "jednostajny" lub "r
```

Ponowne wywołanie `rand` może przyjąć następujące formy :

1. $A = \text{rand}(n, m)$ uzupełnia macierz $A(n, m)$ liczbami losowymi ;
2. jeśli B jest macierzą już zdefiniowaną o wymiarach (n, m) to $A = \text{rand}(B)$ daje ten sam efekt (pozwalą uniknąć odzyskania<-??? wymiarów macierzy B) ;
3. wreszcie, $u = \text{rand}()$ daje pojedynczą liczbę losową.

Do dwóch pierwszych metod można dodać argument aby wskazać dodatkowo rozkład : $A = \text{rand}(n, m, \text{loi})$, $A = \text{rand}(B, \text{loi})$, gdzie `loi` jest jednym z dwóch łańcuchów `normal` lub `uniform`.

Wybrane zastosowania z użyciem funkcji `rand` Począwszy od rozkładu jednostajnego, w prosty sposób można otrzymać macierz (n, m) liczb według :

1. rozkład jednostajny na $[a, b]$:

$$X = a + (b-a) * \text{rand}(n, m)$$

2. rozkład jednostajny na liczbach całkowitych z przedziału $[n_1, n_2]$:

$$X = \text{floor}(n_1 + (n_2+1-n_1) * \text{rand}(n, m))$$

(losujemy następujące liczby rzeczywiste rozkładu jednostajnego na przedziale rzeczywistym $[n_1, n_2 + 1[$ a następnie bierzemy ich część całkowitą).

Symulacja pojedynczej próby Bernulliego z prawdopodobieństwem sukcesu p :

```
succes = rand() < p
```

otrzymujemy dzięki prostej metodzie³² symulującej rozkład dwumianowy $B(N, p)$:

```
X = sum(bool2s(rand(1,N) < p))
```

(bool2s przekształca sukcesy w 1 i nie sumuje ich w funkcji sum). Z uwagi na fakt, że wykonywanie iteracji przez Scilaba jest dość wolne, można otrzymać bezpośrednio wektor (kolumnowy) składający się z m realizacji tego rozkładu :

```
X = sum(bool2s(rand(m,N) < p), "c")
```

ale korzystne będzie użycie funkcji grand, która używa metodę bardziej wyczynowej³³. Z drugiej strony, jeśli używacie tego sposobu³³, jest bardziej przejrzyste aby kodować go jako funkcję Scilaba. A oto prosta funkcja symulująca rozkład geometryczny (ilość prób Bernulliego potrzebnych aby otrzymać sukces)³⁴ :

```
function [X] = G(p)
// rozkład geometryczny
X = 1
while rand() > p // pora\zka
    X = X+1
end
endfunction
```

Wreszcie, w nawiązaniu do rozkładu Normalnego $\mathcal{N}(0, 1)$, otrzymamy rozkład Normalny $\mathcal{N}(\mu, \sigma^2)$ (średnia μ i odchylenie standardowe σ) za pomocą :

```
rand("normal")
X = mu + sigma*rand(n,m) // aby otrzymać macierz (n,m) tych liczb
// lub przy użyciu pojedynczej instrukcji : X = mu + sigma*rand(n,m,"normal")
```

5.2.2 Funkcja grand

W skomplikowanych symulacjach wykorzystujących wiele liczb losowych klasyczna funkcja rand z jej okresem rzędu $2^{31} (\simeq 2.147 \cdot 10^9)$ może okazać się trochę za ciasna. Jest zatem wskazane użycie grand która również umożliwia symulację wszystkich klasycznych rozkładów. grand używa się prawie w taki sam sposób co rand, tzn. że można użyć jednej z dwóch następujących składni (oczywiście dla drugiej macierz A musi być zdefiniowana w momencie jej wywołania) :

```
grand(n,m,loi, [p1, p2, ...])
grand(A,loi, [p1, p2, ...])
```

oś loi oznacza łańcuch znaków precyzujący rozkład po którym następują ewentualnie jego parametry. Kilka przykładów (aby otrzymać próbę n realizacji, pod postacią wektora kolumnowego) :

1. rozkład jednostajny na liczbach całkowitych z dużego przedziału $[0, m[$:

```
X = grand(n,1,"lgi")
```

gdzie m zależy od generatora bazy (domyślnie $m = 2^{32}$) ;

2. rozkład jednostajny na liczbach całkowitych z przedziału $[k_1, k_2]$:

```
X = grand(n,1,"uin",k1,k2)
```

(musi być spełniony warunek aby $k_2 - k_1 \leq 2147483561$ bo w przeciwnym wypadku problem ten jest sygnalizowany jako błąd);

3. dla rozkładu jednostajnego na przedziale $[0, 1[$:

³²ale bardzo efektywnej dla dużych N !

³³w ogólności używać będziemy funkcji grand pozwala otrzymać większość klasycznych rozkładów

³⁴ta funkcja jest bardziej efektywna dla małych p .

```
X = grand(n,1,"def")
```

4. *dla rozkładu jednostajnego na przedziale $[a, b]$:*

```
X = grand(n,1,"unf",a,b)
```

5. *dla rozkładu dwumianowego $B(N, p)$:*

```
X = grand(n,1,"bin",N,p)
```

6. *dla rozkładu geometrycznego $G(p)$:*

```
X = grand(n,1,"geom",p)
```

7. *dla rozkładu Poissona ze średnią μ :*

```
X = grand(n,1,"poi",mu)
```

8. *dla rozkładu wykładniczego ze średnią λ :*

```
X = grand(n,1,"exp",lambda)
```

9. *dla rozkładu normalnego ze średnią μ i odchyleniem standardowym σ :*

```
X = grand(n,1,"nor",mu,sigma)
```

Inne przykłady można znaleźć na stronach pomocy.

générateurs de base ??????.....

Pour opérer sur ces générateurs de base, vous pouvez utiliser les instructions suivantes :

nom_gen = grand("getgen")	<i>permet de récupérer le (nom du) générateur courant</i>
grand(ŕetgen",nom_gen)	<i>le générateur nom_gen devient le générateur courant</i>
etat = grand("getsd")	<i>permet de récupérer l'état interne du générateur courant</i>
grand(ŕetsd",e1,e2,...)	<i>impose l'état interne du générateur courant</i>

La dimension de l'état interne de chaque générateur dépend du type du générateur : de un entier pour urand ř 624 entiers plus un index pour Mersenne Twister³⁵. Si vous voulez refaire exactement la même simulation il faut connaître l'état initial (avant la simulation) du générateur utilisé et le sauvegarder d'une façon ou d'une autre. Exemple :

```
grand("setgen","kiss") // kiss devient le générateur courant
e = [1 2 3 4];         // etat que je vais imposer pour kiss
                        // (il lui faut 4 entiers)
grand("setsd",e(1),e(2),e(3),e(4)); // voila c'est fait !
grand("getsd")          // doit retourner le vecteur e
X = grand(10,1,"def");  // 10 nombres
s1 = sum(X);
X = grand(10,1,"def");  // encore 10 nombres
s2 = sum(X);
s1 == s2                // en général s1 sera different de s2

grand("setsd",e(1),e(2),e(3),e(4)); // retour ř l'état initial
X = grand(10,1,"def");  // de nouveau 10 nombres
s3 = sum(X);
s1 == s3                // s1 doit etre egal a s3
```

³⁵une procédure d'initialisation avec un seul entier existe néanmoins pour ce générateur.

5.3 Dystrybuanty i ich odwrotności

Dystrybuanty są często używane przy testach statystycznych (χ_r^2 , ...) ponieważ pozwalają na obliczenia, niech :

1. dystrybuanta w 1 lub kilku punktach ;
2. jej odwrotność w 1 lub kilku punktach ;
3. jeden z parametrów rozkładu jest dany przez pozostałe i parę $(x, F(x))$;

W Helpie, dystrybuanty można znaleźć pod hasłem *Cumulative Distribution Functions...* , wszystkie te funkcje poprzedzone są skrótem *cdf*. Przykładowo dla rozkładu Normalnego $\mathcal{N}(\mu, \sigma^2)$, funkcja która nas interesuje nosi nazwę *cdfnor* i jej składnia jest następująca :

1. `[P,Q]=cdfnor("PQ",X,mu,sigma)` aby otrzymać $P = F_{\mu,\sigma}(X)$ i $Q = 1 - P$, X , μ oraz σ mogą być wektorami (o tych zamykach wymiarach) i wówczas otrzymuje się dla P i Q wektor za pomocą $P_i = F_{\mu_i,\sigma_i}(X_i)$;
2. `[X]=cdfnor("X",mu,sigma,P,Q)` aby otrzymać $X = F_{\mu,\sigma}^{-1}(P)$ (podobnie jak poprzednio argumentami mogą być wektory o tych zamykach wymiarach i wówczas otrzymuje się $X_i = F_{\mu_i,\sigma_i}^{-1}(P_i)$;
3. `[mu]=cdfnor("Mean",sigma,P,Q,X)` aby otrzymać średnią ;
4. i ostatecznie `[sigma]=cdfnor("Std",P,Q,X,mu)` aby dostać odchylenie standardowe.

Dwie ostatnie składnie funkcjonują także gdy argumentami są wektory o jednakowych wymiarach.

Uwagi :

- możliwość jednoczesnej pracy z p oraz $q = 1 - p$ pozwala uzyskać precyzję w obszarze gdzie p jest bliskie 0 lub 1. Dla p bliskiego 0 funkcja wykorzystuje wartość p , natomiast dla p bliskiego 1 funkcja wykorzystuje wartość q ;
- łańcuch znaków pozwalający otrzymać funkcję odwrotną nie zawsze ma postać $X...$ zobacznie na odpowiednich stronach pomocy.

5.4 Proste symulacje stochastyczne

5.4.1 Wprowadzenie i notacja

Często symulacja polega przede wszystkim na otrzymaniu wektora :

$$x^m = (x_1, \dots, x_m)$$

którego składowe są rozumiane jako realizacje niezależnych zmiennych losowych i podobnie rozkład X_1, X_2, \dots, X_m (będziemy zapisywać przez X zmienną losową mającą ten sam rozkład $<-???$). W praktyce wektor x^m otrzymuje się bezpośrednio lub pośrednio za pomocą funkcji *rand* lub *grand*³⁶.

W przypadku próby x^m poszukujemy zbliżonych charakterystyk jej rozkładu takich jak wartość oczekiwana, odchylenie standardowe, dystrybuanta (lub funkcja gęstości) lub też gdy stawiamy hipotezę dotyczącą rozkładu, aby określić jej parametry, albo, gdy parametry są już znane, weryfikować za pomocą testów statystycznych, że nasza próba jest (możliwie) dobrze reprezentatywną zmienną losową która podąża efektywnie za rozkładem itd... $<-????????????????????????????????????$ Dla przypadków, które nas interesują, znane są przeważnie dokładne wyniki teoretyczne, a symulacja służy jedynie do zilustrowania wniosków, twierdzeń (Ign?, TCL =? CTG, itd...), działania metody lub algorytmu, ...

5.4.2 Przedziały ufności

Niekiedy o empirycznej wartości oczekiwanej otrzymanej z naszej próby (w Scilabie : `x_bar_m = mean(xm)`) chcielibyśmy powiedzieć, że mieści się w pewnym przedziale. Ponadto chcielibyśmy znać ów przedział aby móc zapisać, że :

$$E[X] \in I_c \text{ z prawdopodobieństwem } 1 - \alpha$$

³⁶w większości przypadków próba statystyczna dotyczy miar fizycznych (temperatura, ciśnienie,...), biometrycznych (wzrost,waga), sondaży, itd... otrzymane dane są zbierane w plikach (lub bazach danych); pewne programy (jak R) proponują dla nich układ danych (dla których studenci będą mogli robić ręcznie !) niestety Scilab nie dysponuje taką możliwością; niemniej przypadków gdzie używamy takich symulacji jest równie wiele, na przykład aby przestudiować zachowanie pewnych systemów wejściowych (lub zakłuceń) losowych lub podobnie aby rozwiązać problemy czysto deterministyczne ale dla których metody analizy numerycznej są zbyt skomplikowane lub niemożliwe do zaimplementowania $<-???$.

gdzie najczęściej $\alpha = 0.05$ lub 0.01 (przedziały ufności odpowiednio 95% i 99%). W celu wyznaczenia tych przedziałów za punkt wyjścia posłużymy na C.T.G.. Jeśli przyjmujemy :

$$\bar{X}_m = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m X_i$$

za zmienną losową dla wartości średniej (gdzie \bar{x}_m jest pojedynczą realizacją), wówczas prawo wielkich liczb mówi nam, że \bar{X}_m jest zbieżne do $E[X]$ i na mocy C.T.G (przy pewnych założeniach...) mamy :

$$\lim_{m \rightarrow +\infty} P(a < \frac{\sqrt{m}(\bar{X}_m - E[X])}{\sigma} \leq b) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}} \int_a^b e^{-t^2/2} dt$$

(przyjmuje się, że $Var[X] = \sigma^2$). Dla dostatecznie dużych m przyjmuje się, że :

$$P(a < \frac{\sqrt{m}(\bar{X}_m - E[X])}{\sigma} \leq b) \approx \frac{1}{\sqrt{2\pi}} \int_a^b e^{-t^2/2} dt$$

Jeżeli chcemy aby przedział ufności był "symetryczny" :

$$\frac{1}{\sqrt{2\pi}} \int_{-a}^a e^{-t^2/2} dt = F_{N(0,1)}(a) - F_{N(0,1)}(-a) = 2F_{N(0,1)}(a) - 1 = 1 - \alpha$$

wówczas :

$$a_\alpha = F_{N(0,1)}^{-1}(1 - \frac{\alpha}{2}) \text{ albo } -F_{N(0,1)}^{-1}(\frac{\alpha}{2})$$

co zapisuje się w scilabie :

```
a_alpha = cdfnor("X", 0, 1, 1-alpha/2, alpha/2)
```

Otrzymujemy ostatecznie³⁷ :

$$E[X] \in [\bar{x}_m - \frac{a_\alpha \sigma}{\sqrt{m}}, \bar{x}_m + \frac{a_\alpha \sigma}{\sqrt{m}}]$$

z prawdopodobieństwem $1 - \alpha$ (jeżeli przybliżenie granicy jest poprawne...).

Problem pojawia się w momencie gdy nieznane jest odchylenie standardowe... Wykorzystuje się wówczas estymator :

$$S_m = \sqrt{\frac{1}{m-1} \sum_{i=1}^m (X_i - \bar{X}_m)^2}$$

Zastępując odchylenie standardowe σ przez s_m (gdzie s_m jest pojedynczą realizacją S_m), otrzymujemy przedział ufności, który przyjmujemy również dla wartości empirycznej.

Szczególne przypadki :

1. jeśli X_i ma rozkład normalny $N(\mu, \sigma^2)$ wówczas :

$$\sqrt{m} \frac{\bar{X}_m - \mu}{S_m} \sim t(m-1)$$

gdzie $t(k)$ ma rozkład Studenta o k stopniach swobody. w tym przypadku wszelkie poprzednie przybliżenia tracą moc (przybliżenie granicy i przybliżenie odchylenia standardowego) oraz otrzymuje się :

$$\mu \in [\bar{x}_m - \frac{a_\alpha s_m}{\sqrt{m}}, \bar{x}_m + \frac{a_\alpha s_m}{\sqrt{m}}] \text{ avec probabilité } 1 - \alpha$$

gdzie s_m jest empirycznym odchyleniem standardowym z próby ($sm = \text{st_deviation}(xm)$ w scilabie) gdzie a_α jest wartością krytyczną rozkładu Studenta :

$$a_\alpha = F_{t(m-1)}^{-1}(1 - \frac{\alpha}{2})$$

otrzymaną w scilabie³⁸ przez :

```
a_alpha = cdfn("T", m-1, 1-alpha/2, alpha/2)
```

2. w momencie gdy wariancja wyraża się przez funkcję wartości oczekiwanej (Bernouilli, Poisson, wykładniczy,...) można posłużyć się przybliżeniem odchylenia standardowego i otrzymuje się przedział ufności poprzez rozwiązanie odpowiedniej nierówności.

³⁷dla przedziału z 95%, mamy $a_\alpha \simeq 1.96$ często zastępowane przez 2.

³⁸zobacz na odpowiednich stronach pomocy : właściwie funkcje cdf nie mają regularnej/universalnej składni i X nie musi być zawsze oznaczeniem pozwalającym otrzymać funkcję odwrotną do dystrybucyjnej, tutaj jest to T !

5.4.3 Wykres dystrybuanty empirycznej

Dystrybuantą zmienne losowej X nazywamy funkcję :

$$F(x) = \text{Probabilité que } X \leq x$$

Dystrybuanta empiryczna pochodząca z próby x^m jest definiowana jako :

$$F_{x^m}(x) = \text{card}\{x_i \leq x\}/m$$

Jest to funkcja schodkowa, którą liczy się łatwo jeśli posortujemy wektor x^m w porządku rosnącym (mamy więc $F_{x^m}(x) = i/m$ dla $x_i \leq x < x_{i+1}$). Standardowym algorytmem sortującym w scilabie jest funkcja `sort` która sortuje malejąco³⁹. Aby posortować wektor x^m w porządku rosnącym użyjemy :

```
xm = - sort(-xm)
```

Łatwym sposobem narysowania wykresu jest funkcja `plot2d2`. Oto przykładowy kod :

```
dystrybuanta_empiryczna(xm)
// wykres dystrybuanty (empirycznej)
// na pr'obie xm
m = length(xm)
xm = - sort(-xm(:))
ym = (1:m)'/m
plot2d2(xm, ym, leg="dystrybuanta empiryczna")
endfunction
```

Zwróćmy uwagę na zapis : `xm(:)`, który jest analogiczny do zapisywania wektora wierszowego.

A teraz przykład dla rozkładu normalnego $\mathcal{N}(0, 1)$:

```
m = 100;
xm = grand(m,1,"nor",0,1);
xbasc()
dystrybuanta_empiryczna(xm); // wykres fct dystrybuanty empirycznej
// dane dla wykresu dystrybuanty "dokładnej"
x = linspace(-4,4,100)';
y = cdfnor("PQ", x, zeros(x), ones(x));
plot2d(x, y, style=2) // nanosimy krzywa na pierwszy wykres
xtitle("Dystrybyanty dokładna i empiryczna")
```

który daje następujący wykres (23).

5.4.4 Test χ^2

Niech $x^m = (x_1, \dots, x_m)$ będzie naszą próbą dla dalszej analizy. Niech będzie dana hipoteza \mathcal{H} : zmienne losowe postaci (X_1, \dots, X_m) mają rozkład \mathcal{L} . Chcemy wiedzieć czy hipoteza jest prawdziwa czy nie. Dla naszej próby można bez wątpienia obliczyć statystyki elementarne (średnią i odchylenie standardowe empiryczne) i jeżeli są one dostatecznie bliskie wartości oczekiwanej oraz odchyleniu standardowemu rozkładu \mathcal{L} , można wówczas zastosować test statystyczny. Test χ^2 stosuje się dla rozkładów dyskretnych o skończonej liczbie wartości. Na przykład zakładając, że rozkład \mathcal{L} jest zadany przez $\{(v_i, p_i), 1 \leq i \leq n\}$. Test polega na obliczeniu wielkości :

$$y = \frac{\sum_{i=1}^n (o_i - mp_i)^2}{mp_i}$$

gdzie o_i jest liczbą realizacji x_j równych v_i i na przyrównaniu otrzymanej wielkości y do wartości progowej y_α , test będzie pozytywny⁴⁰ jeśli $y \leq y_\alpha$.

Jeżeli do równania na y wstawimy w miejsce próby x_1, \dots, x_m , zmienne losowe X_1, \dots, X_m w ten sposób zdefiniujemy⁴¹ zmienną losową Y , którą można przybliżyć (dla dostatecznie dużych m) rozkładem χ^2 o $n - 1$ stopniach swobody. Wartość progową otrzymujemy przez :

$$y_\alpha = F_{\chi_{n-1}^2}^{-1}(1 - \alpha)$$

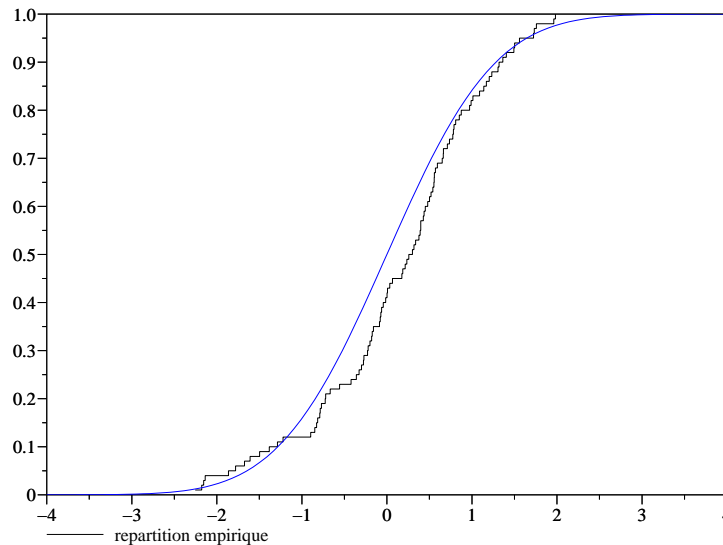
przy $\alpha = 0.05$ lub $\alpha = 0.01$. W Scilabie wartość tę otrzymamy poprzez :

³⁹zobacz także funkcję `gsort`, która robi więcej rzeczy

⁴⁰z intuicyjnego punktu widzenia jeżeli hipoteza jest dobra oczekujemy, że o_i nie odbiega zbytnio od mp_i , zatem jeżeli hipoteza jest fałszywa oczekujemy że otrzymamy wysoką wartość y , skąd odrzucimy hipotezę dla $y > y_\alpha$...

⁴¹poprzez zmienną losową wektorową $O = (O_1, \dots, O_n)$ mającą rozkład wielomianowy<?????

Fonctions de répartition exacte et empirique



Rysunek 23: Systrybuanta dokładna i empiryczna rozkładu normalnego

```
y_progowe = cdfchi("X", n-1, 1-alpha, alpha)
```

Aby obliczyć częstość o_i za pomocą Scilaba możemy użyć następującej metody :

```
occ = zeros(n,1);
for i=1:n
    occ(i) = sum(bool2s(xm == v(i))); // albo length(find(xm==v(i)))
end
if sum(occ) ~= m then, error("b\l{}\k{a}d oblicze\'n"), end
```

I aby otrzymać wielkość y można napisać (stosując zapis wektorowy⁴²) :

```
y = sum( (occ - m*p).^2 ./ (m*p) )
```

pod warunkiem, że p (wektor prawdopodobieństw rozkładu \mathcal{L}), będzie tych samych wymiarów co occ (tutaj wektor kolumnowy ?????????).

Uwagi :

- przybliżanie rozkładem χ^2 jest ważne gdy m jest dostatecznie duże... żądamy często $mp_{min} > 5$ ($p_{min} = \min_i p_i$) jako minimalny warunek zastosowania tego testu; w ten sposób możecie weryfikować to założenie i napisać wiadomość aby uprzedzić użytkownika jeżeli nie jest spełnione.
- można łatwo pogrupować te obliczenia w funkcji;
- dla rozkładu ciągłego test może się stosować grupując wielkości na przedziały, na przykład dla rozkładu $U_{[0,1]}$, stosuje się n równomiernie rozłożonych przedziałów; podobnie dla rozkładu dyskretnego o nieskończonej liczbie wielkości, można pogrupować je w kolejki rozkładu; podobną procedurę można zastosować dla rozkładów skończonych dla których warynek zastosowania testu nie jest spełniony.
- jeżeli testujecie rozkład w którym pewne parametry zostały wcześniej obliczone na podstawie danych, należy określić liczbę stopni swobody dla rozkładu χ^2 ; na przykład jeśli spodziewamy się rozkładu $B(n-1, p)$ i użyjemy $p = \bar{x}_m / (n-1)$ wówczas nieprzekraczalną wartością progową dla testowanej hipotezy zerowej będzie $y_\alpha = F_{\chi_{n-2}^2}^{-1}(1-\alpha)$ a nie $y_\alpha = F_{\chi_{n-1}^2}^{-1}(1-\alpha)$.

⁴²ćwiczenie: przekształć tę instrukcję wektorową aby zrozumieć jak (i dlaczego) działa.

5.4.5 Test Kołmogorowa-Smirnova

Niech X będzie rzeczywistą zmienną losową dla której dystrybucyjną funkcję ciągłą F oraz X_1, X_2, \dots, X_m , m niezależnych zmiennych losowych. Dla realizacji X_i (mówimy wektor $x^m = (x_1, \dots, x_m)$), można skonstruować dystrybucyjną empiryczną która przy $(m \rightarrow +\infty)$ dąży do dystrybucyjnej teoretycznej. Test KS polega na określeniu różnicy pomiędzy dystrybucyjną teoretyczną i empiryczną (otrzymaną na podstawie naszej próby (x_1, \dots, x_m)) w następujący sposób :

$$k_m = \sqrt{m} \sup_{-\infty < x < +\infty} |F(x) - F_{x^m}(x)|$$

i na porównaniu jej z wielkością dopuszczalną. Jeżeli zastąpimy naszą realizację przez odpowiednie zmienne losowe, wówczas k_m staje się również zmienną losową (którą zapisujemy jako K_m). Zgodnie z teorią jej dystrybucyjną jej rozkład jest następujący :

$$\lim_{m \rightarrow +\infty} P(K_m \leq x) = H(x) = 1 - 2 \sum_{j=1}^{+\infty} (-1)^{j-1} e^{-2j^2 x^2}$$

Jak przy teście χ^2 , jeżeli rozważana hipoteza jest fałszywa, otrzymane wartości k_m będą duże i odrzucimy tę hipotezę gdy:

$$k_m > H^{-1}(1 - \alpha)$$

z $\alpha = 0.05$ lub 0.01 na przykład. Jeśli używamy przybliżenia $H(x) \simeq 1 - 2e^{-2x^2}$ wówczas nieprzekraczalną wartość progową jest :

$$k_{seuil} = \sqrt{\frac{1}{2} \ln\left(\frac{2}{\alpha}\right)}$$

Obliczenie k_m nie sprawia problemu jeżeli posortuje się wektor (x_1, x_2, \dots, x_m) . Sortowanie będzie efektywne gdy zwrócimy uwagę na fakt aby :

$$\sup_{x \in [x_i, x_{i+1}[} F_{x^m}(x) - F(x) = \frac{i}{m} - F(x_i), \text{ et } \sup_{x \in [x_i, x_{i+1}[} F(x) - F_{x^m}(x) = F(x_{i+1}) - \frac{i}{m}$$

dwie następne wielkości można łatwo policzyć :

$$k_m^+ = \sqrt{m} \sup_{-\infty < x < +\infty} (F_{x^m}(x) - F(x)) = \sqrt{m} \max_{1 \leq j \leq m} \left(\frac{j}{m} - F(x_j) \right)$$

$$k_m^- = \sqrt{m} \sup_{-\infty < x < +\infty} (F(x) - F_{x^m}(x)) = \sqrt{m} \max_{1 \leq j \leq m} \left(F(x_j) - \frac{j-1}{m} \right)$$

i otrzymujemy w ten sposób $k_m = \max(k_m^+, k_m^-)$.

5.4.6 Ćwiczenia

Czy to sprawka kostki ?

Rzucamy 200 razy symetryczną kostką do gry, doświadczenie jest następujące : rzucamy tyle razy aż wypadnie 1 (ale nie więcej niż 10 rzutów). Otrzymaliśmy następujące wyniki :

liczba rzutów	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	≥ 11
ilość doświadczeń	36	25	26	27	12	12	8	7	8	9	30

na przykład 36 razy jedynka pojawiła się w pierwszym rzucie, 25 razy jedynka pojawiła się w drugim żucie, itd...

Wykonać test χ^2 aby udzielić odpowiedzi na postawione pytanie.

Urna Polya

Losujemy N razy z urny Polya zawierającej początkowo r kul czerwonych i v kul zielonych. Każde losowanie polega na wyciągnięciu jednej kuli i jej odłożeniu spowrotem do urny wraz z c kulami tego samego koloru. Przez X_k oznaczamy stosunek kul zielonych po k losowaniach do sumy kul, V_k oznacza ilość kul zielonych :

$$X_0 = \frac{v}{v+r}, V_0 = v.$$

Jeżeli $v = r = c = 1$, wynik będzie następujący :

1. $E(X_N) = E(X_0) = X_0 = 1/2$;
2. X_N ma rozkład normalny na zbiorze $\left\{ \frac{1}{N+2}, \dots, \frac{N+1}{N+2} \right\}$;

3. dla $N \rightarrow +\infty$, X_N jest zbieżne do rozkładu jednostajnego na przedziale $[0, 1]$.

Wykożystacie symulację aby zilustrować dwa pierwsze wyniki.

1. Aby przeprowadzić różne symulacje, można napisać funkcję zależną od parametru N i która wykonuje N kolejnych losowań. Funkcja ta zwraca więc X_N i V_N :

```
function [XN, VN] = Urna_Polya(N)
// symulacja N losowań z "Urny Polya" :
VN = 1 ; V_plus_R = 2 ; XN = 0.5
for i=1:N
    u = rand() // losowanie jednej kuli
    V_plus_R = V_plus_R + 1 // zwiększa ilość kul
    if (u <= XN) then // wylosowaliśmy kulę zieloną : mamy XN prawdopodobieństwo
        // wylosowania kuli zielonej (1 - XN dla kuli czerwonej)
        VN = VN + 1
    end
    XN = VN / V_plus_R // aktualizujemy stosunek kul zielonych
end
endfunction
```

niestety skuteczne wykonanie statystyk wymaga wielokrotnego wywołania tej funkcji, a zatem, z uwagi na stosunkowo powolne wykonywanie iteracji przez Scilab, należy napisać funkcję wykonującą m procesów równoległych. Można użyć funkcji `find` aby naprawić???? urny z których losujemy kule zielone.

2. Napisać skrypt znajdujący poprzez symulację wartość oczekiwaną (wraz z jej przedziałem ufności).
3. Rozwinąć poprzedni skrypt testując hipotezę H dotyczącą rozkładu zmiennej losowej X_N : $H : X_N$ ma rozkład jednostajny na zbiorze $\{\frac{1}{N+2}, \dots, \frac{N+1}{N+2}\}$ za pomocą testu χ^2 .
4. Porównać wyniki graficznie, na przykład rysując na jednym rysunku dystrybucję empiryczną i teoretyczną, lub też narysować wykres funkcji gęstości rozkładu χ^2 dla otrzymanych wielkości przez ten test, wielkości progowe zaznaczyć liniami pionowymi.

Most ?????

Proces stochastyczny (w którym U oznacza rozkład jednostajny na przedziale $[0, 1]$) :

$$X_n(t) = \frac{1}{\sqrt{n}} \sum_{i=1}^n (1_{\{U_i \leq t\}} - t)$$

jest taki, że dla ustalonego $t \in]0, 1[$ mamy :

$$\lim_{n \rightarrow +\infty} X_n(t) = Y(t) \sim \mathcal{N}(0, t(1-t))$$

Chcemy zilustrować wyniki za pomocą symulacji.

Schemat pracy :

1. Napisać funkcję Scilaba `function [X] = pont_brownien(t,n)` pozwalającą otrzymać realizację $X_n(t)$; w ciągu wywołamy tę funkcję m razy z wartością n dostatecznie dużym⁴³ należy zatem napisać ją bez użycia `pentli`.
2. Napisać skrypt scilaba wykorzystując tę symulację mostu Brownien : wykonać m symulacji $X_n(t)$ (z dużym n) i przedstawić graficznie zachowanie rozkładu (rysując jego dystrybucję empiryczną i nakładając na nią dystrybucję teoretyczną $Y(t)$) a następnie zastosować test Kołmogorowa-Smirnova. Można umieścić poprzednią funkcję na początku skryptu aby pracować tylko z jednym plikiem.

Uwaga : nie jest łatwo dobrać odpowiednie wielkości dla m i n : kiedy m wierzysz ...????????????.....gdzie test się powiódł ponieważ uznał, że n nie jest dostatecznie duże (ponieważ rozkład normalny otrzymuje się z granicy gdy $n \rightarrow +\infty$), należy zatem zwiększyć n ... Dla $t = 0.3$, możecie na przykład przetestować z $n = 1000$ i $m = 200, 500, 1000$, i test daje dobre wyniki (żadko odrzuca hipotezę zerową) ale dla $m = 10000$ test jest prawie zawsze negatywny. Jeżeli zwiększymy n (na przykład do $n = 10000$) ale obliczenia zaczynają być nieco dłuższe na komputerze PC wykonanym w 2003) wówczas test ponownie staje się normalnie pozytywny.

⁴³aby przybliżyć $Y(t)$!

6 Zbiór drobiazgów

W tej części przedstawiono/przytoczono przegląd niektórych błędów często spotykanych w Scilabie...

6.1 Definiowanie wektora i macierzy współczynnik po współczynniku

Ten błąd jest jednym z najczęstszych. Rozważmy następujący skrypt :

```
K = 100 // jedyny parametr w tym skrypcie
for k=1:K
    x(k) = cos
    y(k) = cos innego
end
plot(x,y)
```

Jeżeli uruchomimy ten skrypt po raz pierwszy, zostaną zdefiniowane dwa wektory x i y . Pojawia się jeden mały błąd ponieważ w każdej iteracji Scilab redefiniuje rozmiary tych wektorów (nie wie, że ich wymiarem końcowym będzie $(K,1)$). Zauważmy również, że domyślnie stworzy wektor kolumnowy. Podczas drugiego wywołania (zmieniając parametr $K...$) wektory x i y są znane i takie, że k jest mniejsze od 100 (początkowa wielkość parametru K) zatem zmieniane są również ich współrzędne. W konsekwencji jeżeli nowa wartość K jest taka, że :

- $K < 100$ wówczas nasze wektory x i y mają zawsze 100 współrzędnych (zmodyfikowane jest tylko K pierwszych) a wykres nie pokazuje tego co oczekujemy ;
- $K > 100$ nie pojawia się żaden problem (za wyjątkiem tego, że rozmiar wektora jest za każdym razem aktualizowany począwszy od 101 iteracji)

Najlepszym sposobem jest zdefiniowanie wektorów x i y za pomocą inicjalizacji ich rodzaju :

```
x = zeros(K,1) ; y = zeros(K,1)
```

w ten sposób uniknie się wszelkich błędów. Nasz skrypt zatem przyjmie postać :

```
K = 100 // jedyny parametr w tym skrypcie
x = zeros(K,1); y = zeros(K,1);
for k=1:K
    x(k) = cos
    y(k) = cos innego
end
plot(x,y)
```

6.2 Na temat wartości zwracanych przez funkcję

Załóżmy, że mamy zaimplementowaną funkcję w Scilabie zwracającą dwa argumenty, na przykład :

```
function [x1,x2] = resol(a,b,c)
// rozwi\k{a}zanie r\ownania kwadratowego a x^2 + b x + c = 0
// formu\l{}ad poprawiona dla wi\k{e}kszo\sci metod numerycznych
// (w celu unikni\k{e}cia odejmowania dw\och s\k{a}siednich liczb)
if (a == 0) then
    error(" nie rozwa\zamy przypadku gdy a=0 !")
else
    delta = b^2 - 4*a*c
    if (delta < 0) then
        error(" nie rozwa\zamy przypadku gdy delta < 0 ")
    else
        if (b < 0) then
            x1 = (-b + sqrt(delta))/(2*a) ; x2 = c/(a*x1)
        else
            x2 = (-b - sqrt(delta))/(2*a) ; x1 = c/(a*x2)
        end
    end
end
end
endfunction
```

W ogólnym przypadku jeżeli wywołamy funkcję w Scilab-ie w następujący sposób :

```
-->resol(1.e-08, 0.8, 1.e-08)
ans =
- 1.250D-08
```

Jej wynik jest przypisany zmiennej ans. Ale zmienna ta jest pojedynczą liczbą, a funkcja zwraca dwie wartości z których tylko pierwsza jest przypisana zmiennej ans. Aby zobaczyć drugą wartość użyjemy składni :

```
-->[x1,x2] = resol(1.e-08, 0.8, 1.e-08)
x2 =
- 80000000.
x1 =
- 1.250D-08
```

Inna, niebezpieczniejsza pułapka jest następująca. Załóżmy, że znamy precyzję z jaką działa ta formuła (w stosunku do precyzji działania formuł klasycznych). Aby dobrać wartości a i c (na przykład $a = c = 10^{-k}$ przyjmując różne wartości k) obliczymy wszystkie pierwiastki dla kolejnych parametrów równania i ustawimy je jako dwa wektory służące do późniejszej analizy. Najprostrzy schemat jest następujący :

```
b = 0.8;
kmax = 20;
k = 1:kmax;
x1 = zeros(kmax,1); x2=zeros(kmax,1);
for i = 1:kmax
    a = 10^(-k(i)); // c = a
    [x1(i), x2(i)] = resol(a, b, a); // BŁĄD !
end
```

Taka składnia nie zadziała (jedynie w przypadku gdy funkcja zwraca jedną wartość). Należy wykonać to w dwóch krokach :

```
[rac1, rac2] = resol(a, b, a);
x1(i) = rac1; x2(i) = rac2;
```

Uwaga : Problem ten jest rozwiązany w wersjach rozwijających (cvs) dla Scilaba.

6.3 Funkcja została zmodyfikowana ale...

wszystko działa tak jak przed modyfikacją ! Być może zapomnieliście zapisać zmiany w waszym edytorze albo, co jest bardziej prawdopodobne, zapomnieliście załadować plik zawierający funkcję w Scilabie za pomocą instrukcji `getf` (lub `exec`) ! Jedna mała wskazówka : instrukcja `getf` (lub `exec`) jest z pewnością zapisana niedaleko w historii komend, wystarczy zatem za pomocą strzałki ↑ odszukać tę instrukcję.

6.4 Problem z rand

Domyślnie funkcja `rand` dostarcza liczby losowe według rozkładu jednostajnego na przedziale $[0, 1[$, można jednak otrzymać rozkład normalny $\mathcal{N}(0, 1)$ za pomocą : `rand('normal')`. Chcąc powrócić do rozkładu jednostajnego należy wpisać instrukcję `rand('uniform')`. Aby uniknąć tego problemu najlepiej pamiętać aby każde wywołanie funkcji `rand` precyzowało rozkład który nas aktualnie interesuje (patrz poprzedni rozdział).

6.5 Wektory wierszowe, wektory kolumnowe...

W kontekście macierzowym ich postać jest sprecyzowana, ale dla innych zastosowań nie zawsze są one rozróżniane i stosuje się funkcję która działa w obydwu przypadkach. Aby przyspieszyć obliczenia dobrze jest odwołać się do składni macierzowej i wybrać jedną lub drugą formę wektora. Można wykozystać funkcję `matrix` w następujący sposób :

```
x = matrix(x,1,length(x)) // aby otrzyma\ 'c wektor wierszowy
x = matrix(x,length(x),1) // aby otrzyma\ 'c wektor kolumnowy
```

Chcąc otrzymać w prosty sposób wektor kolumnowy można wykozystać instrukcję :

```
x = x(:)
```

6.6 Operator porównania

W pewnych przypadkach Scilab akceptuje symbol `=` jako operator porównania :

```
-->2 = 1
Warning: obsolete use of = instead of ==
!
ans =
F
```

ale lepiej jest zawsze używać symbolu `==`.

6.7 Liczby zespolone a liczby rzeczywiste

Scilab jest tak skonstruowany aby traktować liczby rzeczywiste w taki sam sposób jak liczby zespolone ! Jest to całkiem praktyczne ale może niekiedy być przyczyną niespodzianek, na przykład podczas szacowania funkcji rzeczywistej poza jej dziedziną (na przykład \sqrt{x} i $\log(x)$ dla $x < 0$, $\arccos(x)$ i $\arcsin(x)$ dla $x \notin [-1, 1]$, $\operatorname{acosh}(x)$ dla $x < 1$) ponieważ Scilab zwraca wówczas oszacowanie części zespolonej tej funkcji. Aby dowiedzieć się czy działamy na zmiennej zespolonej czy rzeczywistej należy użyć funkcji `isreal` :

```
-->x = 1
x =
1.

-->isreal(x)
ans =
T

-->c = 1 + %i
c =
1. + i

-->isreal(c)
ans =
F

-->c = 1 + 0*%i
c =
1.

-->isreal(c)
ans =
F
```

6.8 Proste instrukcje a funkcje Scilaba

W niniejszym opracowaniu często stosuje się zamiennie terminów prosta instrukcja i funkcja aby wskazać procedury dostępne w bieżącej wersji Scilaba. Istnieje jednak fundamentalna różnica pomiędzy prostą instrukcją która jest kodowana w fortranie 77 lub w C a funkcją (zwaną również makro) która jest kodowana w języku Scilaba : funkcja jest wówczas rozumiana jako zmienna Scilaba, i dzięki temu można ją użyć jako argumentu dla innej funkcji. Począwszy od wersji 2.7, proste instrukcje bywają zmiennymi w Scilabie (fptr). Niemniej jednak przysparzają wiele problemów (aktualnie rozwiązanych w rozwinięciach).

Oto przykład problemu jaki można spotkać : funkcja następująca pozwalająca przybliżać zbiór przy zastosowaniu metody Monte Carlo :

```
function [im,sm]=MonteCarlo(a,b,f,m)
//                               /b
//  przybli\zenie | f(x) dx przy zastosowaniu metody Monte Carlo
//                               /a
//  zwracane jest r\ownie\z empiryczne odchylenie standardowe
xm = grand(m,1,"unf",a,b)
ym = f(xm)
```

```

im = (b-a)*mean(ym)
sm = (b-a)*st_deviation(ym)
endfunction

```

Jako argument f oczekuje się funkcji Scilaba ale ten kod powinien również działać dla funkcji matematycznych które należą do prostych instrukcji Scilaba⁴⁴ ponieważ są one teraz rozważane jako zmienne. Niemniej jednak test z użyciem prostej instrukcji `exp` nie powiedzie się :

```
-->[I,sigma]=MonteCarlo(0,1,exp,10000) // bug !
```

Wywołując funkcję `MonteCarlo` za pomocą `getf` z opcją nie kompilowania :

```
-->getf("MonteCarlo.sci","n")
```

błąd ten [bug] (skorygowany w aktualnym cvs) będzie wówczas ominięty.

6.9 Obliczanie wyrażeń logicznych

W przeciwieństwie do języka C, obliczenie wartości logicznej wyrażeń :

$$\begin{array}{l} a \text{ lub } b \\ a \text{ i } b \end{array}$$

poprzedzone jest wyliczeniem wartości logicznej a i b , dopiero potem zostanie wykonana na nich operacja sumy czy iloczynu logicznego (Priorytety operatorów zamieszczono w rozdziale Programowanie).

A Odpowiedzi do ćwiczeń z rozdziału 2

1. --> `n = 5` // dla ustalenia warto\`sci `n...`
--> `A = 2*eye(n,n) - diag(ones(n-1,1),1) - diag(ones(n-1,1),-1)`

Szybszym sposobem jest użycie funkcji `toeplitz` :

```
-->n=5; // pour fixer une valeur a n...
```

```
-->toeplitz([2 -1 zeros(1,n-2)])
```

2. Jeżeli A jest macierzą (n, n) , `diag(A)` zwróci wektor kolumnowy zawierający elementy diagonalne macierzy A (a zatem otrzymamy wektor kolumnowy o wymiarze n).
`tt diag(diag(A))` zwróci macierz kwadratową diagonalną o wymiarze n , w której elementy diagonalne będą takie jak w macierzy wyjściowej.

3. Oto jedna z możliwości :

```
--> A = rand(5,5)
--> T = tril(A) - diag(diag(A)) + eye(A)
```

4. (a) --> `Y = 2*X.^2 - 3*X + ones(X)`
--> `Y = 2*X.^2 - 3*X + 1` // wyko\`zystuj\`k{a}c zapis skr\`ocony
--> `Y = 1 + X.*(-3 + 2*X)` // oraz schemat Hornera

(b) --> `Y = abs(1 + X.*(-3 + 2*X))`

(c) --> `Y = (X - 1).*(X + 4)` // wyko\`zystuj\`k{a}c zapis skr\`ocony

(d) --> `Y = ones(X)./(ones(X) + X.^2)`
--> `Y = (1)./(1 + X.^2)` // z skr\`otami

5. Oto skrypt :

⁴⁴na przykład `sin`, `exp` i wiele innych.

```

n = 101;                                // dyskretyzacja
x = linspace(0,4*pi,n);
y = [1 , sin(x(2:n))./x(2:n)]; // aby zapobiec dzieleniu przez zero...
plot(x,y,"x","y","y=sin(x)/x")

```

6. *Możliwe rozwiązanie (dla różnych wartości n) :*

```

n = 2000;
x = rand(1,n);
xbar = cumsum(x)./(1:n);
plot(1:n, xbar, "n","xbar", ...
     "ilustracja lgn : xbar(n) -> 0.5 qd n -> + oo")

```

B Rozwiązania ćwiczeń z rozdziału 3

1. *Klasyczny algorytm wykorzystujący dwie pętle :*

```

function [x] = sol_tri_sup1(U,b)
//
// rozwiązanie  $Ux = b$  gdzie U jest macierz  $n \times n$  górna trójkątna
//
[n,m] = size(U)
// kilka wyjątków ....
if n ~= m then
    error(' Macierz nie jest kwadratowa')
end
[p,q] = size(b)
if p ~= m then
    error(' Wyraz wolny ma nieprawidłowy wymiar')
end
// początek algorytmu
x = zeros(b) // rezerwuje miejsce dla x
for i = n:-1:1
    suma = b(i,:);
    for j = i+1:n
        suma = suma - U(i,j)*x(j,:);
    end
    if U(i,i) ~= 0 then
        x(i,:) = suma/U(i,i);
    else
        error(' Macierz jest nieodwracalna')
    end
end
end
endfunction

```

A oto wersja wykorzystująca pojedynczą pętlę

```

function [x] = sol_tri_sup2(U,b)
//
//
[n,m] = size(U)
// niektóre wyjątki ....
if n ~= m then
    error(' Macierz nie jest kwadratowa')
end

```

```

[p,q] = size(b)
if p ~= m then
    error(' Wektor wyraz\ow wolnych ma z\l{y wymiar)
end
// pocz\k{a}tek algorytmu
x = zeros(b) // rezerwuje miejsce dla x
for i = n:-1:1
    suma = b(i,:) - U(i,i+1:n)*x(i+1:n,:) // zobacz komentarz ko\ncowy
    if U(i,i) ~= 0 then
        x(i,:) = suma/U(i,i)
    else
        error(' Nie mo\zna odwr\oci\c macierzy')
    end
end
endfunction

```

Komentarz : w pierwszej iteracji (dla $i = n$) macierze $U(i, i+1:n)$ et $x(i+1:n, :)$ są puste. Odpowiadają one obiektom zdefiniowanym w Scilabie (macierz pusta), które oznaczone są przez []. Dodawanie macierzy pustej jest zdefiniowane i daje : $A = A + []$. Zatem w pierwszej iteracji mamy $\text{suma} = b(n, :) + []$ to znaczy $\text{suma} = b(n, :)$.

```

2. //
// skrypt rozwarzajacy  $x'' + \alpha x' + kx = 0$ 
//
// Aby przekształcić równanie do postaci układu równań pierwszego rzędu
// kładziemy :  $X(1,t) = x(t)$  i  $X(2,t) = x'(t)$ 
//
// Otrzymujemy wówczas :  $X'(t) = A X(t)$  z :  $A = \begin{bmatrix} 0 & 1 \\ -k & -\alpha \end{bmatrix}$ 
//
k = 1;
alpha = 0.1;
T = 20; // moment koncowy
n = 100; // dyskretyzacja czasowa : przedzial [0,T] zostanie
// podzielony na n przedzialow
t = linspace(0,T,n+1); // momenty czasowe :  $X(:,i)$  bedzie korespondowal z  $X(:,t(i))$ 
dt = T/n; // zmiana czasu
A = [0 1; -k -alpha];
X = zeros(2,n+1);
X(:,1) = [1;1]; // warunki poczatkowe
M = expm(A*dt); // oblicza exponent A dt

// obliczenia
for i=2:n+1
    X(:,i) = M*X(:,i-1);
end

// wyswitlenie rezultat\ow
xset("window",0)
xbasc()
xselect()
plot(t,X(1,:), 'czas', 'pozycja', 'Courbe x(t)')
xset("window",1)
xbasc()
xselect()
plot(X(1,:),X(2,:), 'pozycja', 'predkosc', 'Trajektorja w przestrzeni stanow')

```

3. function [i,info]=przedzial(t,x)

```

// poszukuje dychotomii przedzialu i takiej, ze:  $x(i) \leq t \leq x(i+1)$ 
// jezeli t nie jest z przedzialu  $[x(1),x(n)]$  zwraca info = %f
n=length(x)
if t < x(1) | t > x(n) then

```

```

        info = %f
        i = 0 // kladziemy wartosc domyslana
    else
        info = %t
        i_dolne=1
        i_gorne=n
        while i_gorne - i_dolne > 1
            itest = floor((i_gorne + i_dolne)/2 )
            if ( t >= x(itest) ) then, i_dolne= itest, else, i_gorne=itest, end
        end
        i=i_dolne
    end
endfunction

```

```

4. function [p]=myhorner(t,x,c)
    // rozwiniecie wielomianu c(1) + c(2)*(t-x(1)) + c(3)*(t-x(1))*(t-x(2)) + ...
    // algorytmem Hornera
    // t jest wektorem (lub macierza) moment\ow czasu
    n=length(c)
    p=c(n)*ones(t)
    for k=n-1:-1:1
        p=c(k)+(t-x(k)).*p
    end
endfunction

```

5. Rozwinięcie w szereg Fouriera :

```

function [y]=signal_fourier(t,T,cs)

    // ta funkcja zwraca T-okresowy sygnał
    // t : wektor momentow dla kt\orych obliczymy
    //      sygnał y ( y(i) odpowiadaj\k{a}cy t(i) )
    // T : okres sygnału
    // cs : jest wektorem ktory wskazuje amplitudę kazdej funkcji f(i,t,T)

    l=length(cs)
    y=zeros(t)
    for j=1:l
        y=y + cs(j)*f(j,t,T)
    end
endfunction

```

```

function [y]=f(i,t,T)

    // wielomiany trygonometryczne dla sygna\l{}u o okresie T :

    // jesli i jest parzyste : f(i)(t)=sin(2*pi*k*t/T) (z k=i/2)
    // jesli i jest nieparzyste : f(i)(t)=cos(2*pi*k*t/T) (z k=floor(i/2))
    // stad w szczeg\olności f(1)(t)=1 jest traktowany ponizej
    // jako przypadek szczegolny i niezbyt wa\zny
    // t jest wektorem mament\ow czasowych

    if i==1 then
        y=ones(t)
    else
        k=floor(i/2)
        if modulo(i,2)==0 then
            y=sin(2*pi*k*t/T)
        else
            y=cos(2*pi*k*t/T)
        end
    end
endfunction

```



```

end
end
endfunction

```

6. Spotkanie : niech T_A i T_B będą momentami przybycia Pana A i Pani B. Są to dwie zmienne losowe niezależne o rozkładzie $U([17, 18])$ a spotkanie ma miejsce jeżeli $[T_A, T_A + 1/6] \cup [T_B, T_B + 1/12] \neq \emptyset$. Doświadczenie spotkania odpowiada realizacji zmiennej losowej wektorowej $R = (T_A, T_B)$ która, zgodnie z hipotezami, ma rozkład zero-jedynkowy na kwadracie $[17, 18] \times [17, 18]$. Prawdopodobieństwo spotkania wyznacza się więc w oparciu o zależność pomiędzy powieżchnią obszaru (odpowiadającą pojedynczemu spotkaniu) zdefiniowaną jako:

$$\begin{cases} T_A \leq T_B + 1/12 \\ T_B \leq T_A + 1/6 \\ T_A, T_B \in [17, 18] \end{cases}$$

oraz powieżchnią kwadratową (1), przez co otrzymuje się $p = 67/288$. Aby obliczyć to prawdopodobieństwo, można przyjąć że spotkanie powinno mieć miejsce pomiędzy południem a godziną pierwszą. Poprzez symulację otrzymuje się m doświadczeń a prawdopodobieństwo empiryczne jest liczbą przypadków w których spotkanie ma miejsce podzieloną przez m . A oto rozwiązanie :

```

function [p] = rdv(m)
    tA = rand(m,1)
    tB = rand(m,1)
    spotkanie = tA+1/6 > tB & tB+1/12 > tA;
    p = sum(bool2s(spotkanie))/m
endfunction

```

można także wykorzystać funkcję `grand` opisaną w rozdziale dotyczącym zastosowań :

```

function [p] = rdv(m)
    tA = grand(m,1,"unf",17,18)
    tB = grand(m,1,"unf",17,18)
    spotkanie = tA+1/6 > tB & tB+1/12 > tA;
    p = sum(bool2s(spotkanie))/m
endfunction

```

C Rozwiązania ćwiczeń z rozdziału 4

Czy to sprawka kostki?

Jeżeli przez J oznaczmy zmienną losową będącą wynikiem doświadczenia, wówczas J ma rozkład geometryczny $G(p)$ gdzie $p = 1/6$ przy założeniu, że kostka jest symetryczna. W ten sposób możemy określić prawdopodobieństwo poszczególnych zmiennych losowych jako (przymujemy $q = 1 - p = 5/6$) :

$$P(J = 1) = p, P(J = 2) = qp, P(J = 3) = q^2p, \dots, P(J = 10) = q^9p, P(J > 10) = q^{10}$$

W drugiej części tabeli podano częstość występowania poszczególnych zmiennych losowych, co w skrypcie zapiszemy następująco :

```

occ = [36 ; 25 ; 26 ; 27 ; 12 ; 12 ; 8 ; 7 ; 8 ; 9 ; 30];
p = 1/6; q = 5/6;
pr = [p*q.(0:9) , q^10]';
y = sum( (occ - m*pr).^2 ./ (m*pr) );
y_progowy = cdfchi("X", 10, 0.95, 0.05);
mprintf("\n\r Test dla :")
mprintf("\n\r y = %g, et y_progowy (95 \%) = %g", y, y_progowy)
mprintf("\n\r 200*min(pr) = %g", 200*min(pr))

```

Otrzymujemy $y = 7.73915$ gdy $y_{seuil} = 18.307$, zatem kostka wydaje się być prawidłowa. Niemniej jednak mamy $200 \times \min(pr) \simeq 6.5$ co jest znacznie poniżej warunku pozwalającego zastosować test (należałoby wykonać jeszcze kilka dodatkowych doświadczeń).

Urna Polya

*Funkcja scilaba

```
function [XN, VN] = Urna_Polya_rownolegla(N,m)
    VN = ones(m,1) ; V_plus_R = 2 ; XN = 0.5*ones(m,1)
    for i=1:N
        u = grand(m,1,"de"f) // losowanie jednej kuli
        V_plus_R = V_plus_R + 1 // dodaje kule
        ind = find(u <= XN) // znajduje numer urny z kt\orej
        // wylosowano kule zielona
        VN(ind) = VN(ind) + 1 // zwikszamy liczbe kul zielonych w tej urnie
        XN = VN / V_plus_R // aktualizujemy proporcje kul zielonych
    end
endfunction
```

*Skrypt Scilaba

```
// symulacja polya :
N = 10;
m = 5000;
[XN, VN] = Urna_Polya_rownolegla(N,m);

// 1/ obliczenie wartosci oczekiwanej i przedzialu ufnosci
EN = mean(XN); // wartosc oczekiwana empiryczna
sigma = st_deviation(XN); // odchylenie standardowe empiryczne
delta = 2*sigma/sqrt(m); // zaokraglenie dla przedzialu empirycznego (2 dla 1.9599..)
mprintf("\n\r E teoretyczne = 0.5");
mprintf("\n\r E oszacowane = %g",EN);
mprintf("\n\r Przedzial (empiryczny) ufnosci przy 95\% : [%g,%g]",EN-delta,EN+delta);

// 2/ test chi2
alpha = 0.05;
p = 1/(N+1); // prawdopodobienstwo kazdego wyniku (rozklad jednostajny)
occ = zeros(N+1,1);
for i=1:N+1
    occ(i) = sum(bool2s(XN == i/(N+2)));
end
if sum(occ) ~= m then, error(" Problem..."), end // mala poprawka
Y = sum( (occ - m*p).^2 / (m*p) );
Y_seuil = cdfchi("X",N,1-alpha,alpha);
mprintf("\n\r Test chi 2 : ")
mprintf("\n\r ----- ")
mprintf("\n\r wielkosc otrzymana w tescie : %g", Y);
mprintf("\n\r wielkosc progowa : %g", Y_progowe);
if (Y > Y_progowe) then
    mprintf("\n\r Wniosek : Hipoteza odrzucona !")
else
    mprintf("\n\r Wniosek : Hipoteza nie odrzucona !")
end

// 3/ ilustracja graficzna
function [d] = gestosc_chi2(X,N)
    d = X.^(N/2 - 1).*exp(-X/2)/(2^(N/2)*gamma(N/2))
endfunction
czestosc = occ/m;
ymax = max([czestosc ; p]); rect = [0 0 1 ymax*1.05];
xbasc(); xset("font",2,2)
subplot(2,1,1)
plot2d3((1:N+1)/(N+2), czestosc, style=2 , ...
    frameflag=1, rect=rect, nax=[0 N+2 0 1])
plot2d((1:N+1)/(N+2),p*ones(N+1,1), style=-2, strf="000")
xtitle("Czestosci empiryczne (kreski pionowe) i prawdopodobienstwa teoretyczne (krzy\zyki)")
subplot(2,1,2)
// rysujemy g\k{e}sto\s\'c chi2 ???a N ddl
X = linspace(0,1.1*max([Y_seuil Y]),50)';
```

```

D = densite_chi2(X,N);
plot2d(X,D, style=1, leg="densite chi2", axesflag=2)
// kreski pionowe dla Y
plot2d3(Y, densite_chi2(Y,N), style=2, strf="000")
xstring(Y,-0.01, "Y")
// kreski pionowe dla Yseuil
plot2d3(Y_seuil, densite_chi2(Y_seuil,N), style=5, strf="000")
xstring(Y_seuil,-0.01, "Yseuil")
xtitle("Pozycja Y w odniesieniu do warto\`sci Yseuil")

```

Poniżej przedstawiono rezultaty otrzymane dla $N = 10$ et $m = 5000$ (patrz wykres (24)) :

```

E dok\l{}adne = 0.5
E oszacowane = 0.4959167
Przedzia\l{} ufno\`sci dla 95% : [0.4884901,0.5033433]

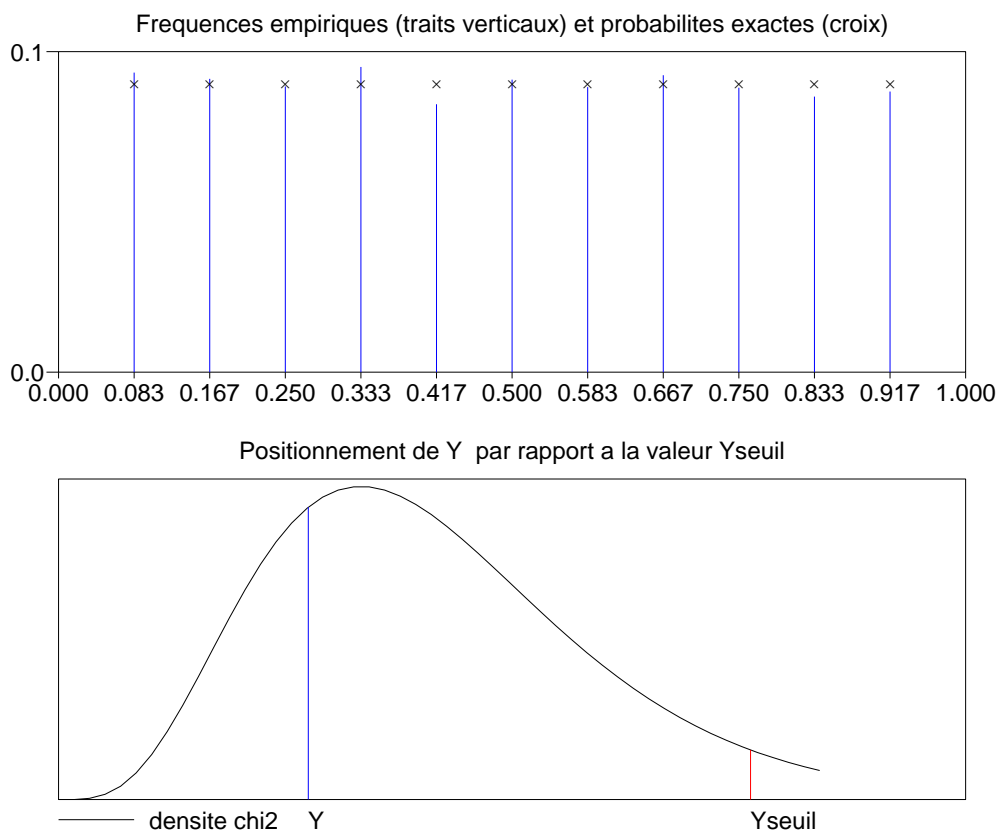
```

Test du chi 2 :

warto\`s\`c otrzymana w te\`scie : 8.3176

warto\`s\`c progowa : 18.307038

Wniosek : Hipoteza nie odrzucona !



Rysunek 24: Ilustracja dla testu χ^2 urny Polya...

Most ?brownien?

*Funkcja

```

function [X] = most_brownien(t,n)
    X = sum(bool2s(grand(n,1,"def") <= t) - t)/sqrt(n)
endfunction

```

**Skrypt Skrypt ten wykonuje m symulacji zmiennej losowej $X_n(t)$, przedstawia wykres funkcji rozkładu empirycznego, nakładając na niego wykres funkcji rozkładu oczekiwanego (dla $n = +\infty$) i wreszcie oblicza test KS :*

```
t = 0.3;
sigma = sqrt(t*(1-t)); // oczekiwane odchylenie standardowe
n = 4000; // n "du\ze"
m = 2000; // liczba symulacji
X = zeros(m,1); // zainicjowanie wektora realizacji
for k=1:m
    X(k) = most_brownien(t,n); // p\k{e}tla liczy\k{a}ca kolejne realizacje
end

// wykres funkcji rozk\l{}adu empirycznego
X = - sort(-X); // tri
prcum = (1:m)'/m;
xbasc()
plot2d2(X, prcum)
x = linspace(min(X),max(X),60)'; // odci\k{e}te i
[P,Q]=cdfnor("PQ",x,0*ones(x),sigma*ones(x)); // rz\k{e}dne dla funkcji dok\l{}adenj
plot2d(x,P,style=2, strf="000") // rzutujemy je na wykres pocz\k{a}tkowy

// zastosowanie testu KS
alpha = 0.05;
FX = cdfnor("PQ",X,0*ones(X),sigma*ones(X));
Dplus = max( (1:m)'/m - FX );
Dminus = max( FX - (0:m-1)'/m );
Km = sqrt(m)*max([Dplus ; Dminus]);
K_progowe = sqrt(0.5*log(2/alpha));

// prezentacja wynik\ow
//
mprintf("\n\r Test KS : ")
mprintf("\n\r ----- ")
mprintf("\n\r warto\'s\'c otrzymana w te\'scie : %g", Km);
mprintf("\n\r warto\'s\'c progowa : %g",K_seuil);
if (Km > K_progowe) then
    mprintf("\n\r Wniosek : Hipoteza odrzucona !")
else
    mprintf("\n\r Wniosek : Hipoteza nie odrzucona !")
end
```

Oto rezultaty otrzymane dla $n = 1000$ i $m = 4000$:

```
Test KS :
-----
warto\'s\'c otrzymana w te\'sci : 1.1204036
warto\'s\'c progowa : 1.2212382
Wniosek : Hipoteza nie odrzucona !
```