Lab_2.R

Usuario

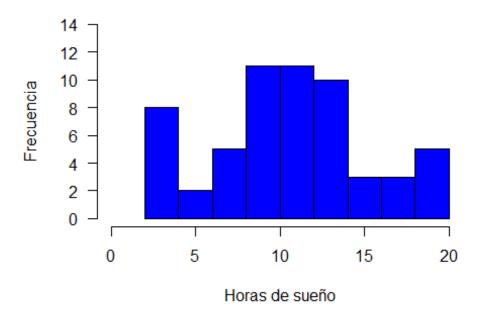
2024-12-02

```
#Laboratorio 2
#1847945
#Alejandra Elizondo Trejo
#27/08/24
#PARTE1: IMPORTAR DATOS
#Importar archivo csv
getwd()
## [1] "C:/Repositorios/Met_Est_2024/Laboratorios/lab semana 2"
datoscsv<- read.csv("C:/Repositorios/Met_Est_2024/Laboratorios/lab semana</pre>
2/DATOSLABS3.csv")
#Head para ver las primers filas
head(datoscsv)
   Arbol dbh parcela
##
## 1
      1 16.5
## 2
        2 25.3
        3 22.1
## 3
## 4
       4 17.2
                      1
## 5 5 16.1
## 6 6 8.1
                      1
                      1
#Ingresar datos de manera manual
dbh<- c(16.5, 25.3, 22.1, 17.2, 16.1, 8.1, 34.3, 5.4, 5.7, 11.2, 24.1,
        14.5, 7.7, 15.6, 10.4, 11.5, 14.3, 17.2, 16.8)
#Accesar datos de internet
#URL no seguras
#Comentario: no pude descargar el archivo de la profepa, entré a la
página web
# y aun ni así lo pude descargar
#URL seguras
#Comentario: no entendí
#PARTE2: OPREACIONES CON LA BASE DE DATOS
```

```
#Calcular media
mean (datoscsv$dbh)
## [1] 15.64333
#Calcular desviación estandar
sd(datoscsv$dbh)
## [1] 7.448892
#Selección mediante restricciones
#¿Cuantos individuos tienen un idametro menor < a 10 cm?
sum(datoscsv$dbh < 10)</pre>
## [1] 8
#¿cuáles inidivudos son los que tienen un diametro menor a 10cm?
which(datoscsv$dbh < 10)</pre>
## [1] 6 8 9 13 19 21 22 24
#excluir diametros de la parcela 2 y guardarlos en un objeto llamado
datoscsv1y3
datoscsv1y3 <- datoscsv[!datoscsv$parcela=="2",]</pre>
head (datoscsv1y3)
##
    Arbol dbh parcela
## 1
       1 16.5
## 2
        2 25.3
## 3
       3 22.1
## 4 4 17.2
## 5
       5 16.1
                     1
       6 8.1
## 6
#Seleccion de submuestra
#Seleccionar los diamteros iguales o menores a 10cm y guardarlo en un
objeto
#Llamado arbolesim10
arbolesim10<- subset(datoscsv, dbh <= 10)
head (arbolesim10)
     Arbol dbh parcela
##
       6 8.1
## 6
## 8
        8 5.4
                      1
## 9
        9 5.7
                      1
## 13 13 7.7
                      2
## 16
        16 10.0
                      2
## 19
        19 7.8
#Media de diametros de datoscsv1y3
mean(datoscsv$dbh)
```

```
## [1] 15.64333
#Media de diametros de arbolesim10
mean(arbolesim10$dbh)
## [1] 7.677778
#PARTE3: REPRESENTACIÓN GRÁFICA
#asignamos a un objeto una base de datos
mamiferos<- read.csv("https://www.openintro.org/data/csv/mammals.csv")</pre>
#HISTOGRAMA
#trabajando con la variable total_sleep se hará un histograma
hist(mamiferos$total_sleep, #datos
     xlim= c(0,20), ylim= c(0,14), #cambiamos los limites de x & y)
     main= "Total de horas de sueño de las 39 especies", #Cambiamos el
titulo
     xlab="Horas de sueño", #Cambair eje de las x
     ylab = "Frecuencia", #cambiamos eje de las y
     las=1, #cambaimos orientación de y
     col= "blue")
```

Total de horas de sueño de las 39 especies



```
#BARPLOT
data("chickwts")
head(chickwts[c(1:2,42:43, 62:64),])
```

```
##
      weight feed
## 1
         179 horsebean
         160 horsebean
## 2
## 42
         226 sunflower
         320 sunflower
## 43
         379
## 62
                casein
## 63
         260
                casein
#acomodamos los datos en columnas
feeds<- table(chickwts$feed)</pre>
#creamos la gráfica
barplot(feeds[order(feeds,decreasing=TRUE)],
        col="yellow",
        main="Frecuencias por tipos de alimentación",
        ylab="Número de Pollos",
        horiz=TRUE)
```

Frecuencias por tipos de alimentación

