EJERCICIO 1:

1. ¿Qué indica el test de multinormalidad?

Test de Mardia de multinormalidad:

$$H_0$$
) $\vec{X} \sim N_p(\vec{\mu}_p; \Sigma_p)$ Versus H_1) $\vec{X} \nsim N_p(\vec{\mu}_p; \Sigma_p)$

Debido a que la prueba busca testear dos momentos (simetría y kurtosis) el test puede a su vez separase en dos partes:

$$SIMETR[A: H_{0}) \beta_{1;p} = 0 \quad Versus \quad H_{1}) \beta_{1;p} \neq 0$$

$$\beta_{1;p} = E\left\{ \left[(\vec{x}_{i} - \vec{\mu})' \mathbf{\Sigma}^{-1} (\vec{x}_{j} - \vec{\mu}) \right]^{3} \right\}$$

$$RC = \left\{ muestras / \kappa_{1} = \frac{n}{6} * \hat{\beta}_{1;p} > \chi_{\frac{p(p+1)(p+2)}{6}}^{2} (1 - \alpha) \right\}$$

$$\hat{\beta}_{1;p} = \frac{1}{n^{2}} \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} \left[(\vec{x}_{i} - \vec{x})' \mathbf{S}^{-1} (\vec{x}_{j} - \vec{x}) \right]^{3}$$

$$KURTOSIS: H_{0}) \beta_{2;p} = p(p+2) \quad Versus \quad H_{1}) \beta_{2;p} \neq p(p+2)$$

$$\beta_{2;p} = E\{ \left[(\vec{x} - \vec{\mu})' \mathbf{\Sigma}^{-1} (\vec{x} - \vec{\mu}) \right]^{2} \}$$

$$RC = \left\{ muestras / \kappa_{2} = \frac{\hat{\beta}_{2;p} - p(p+2)}{\sqrt{\frac{8p(p+2)}{n}}} > Z(1 - \alpha) \right\}$$

$$\hat{\beta}_{2;p} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left[(\vec{x}_{i} - \vec{x})' \mathbf{S}^{-1} (\vec{x}_{i} - \vec{x}) \right]^{2}$$

Estos test funcionan de forma asintótica, aunque pueden utilizarse las tablas de Mardia para muestras pequeñas.

Para el grupo 0: con $p-valor=0.055>0.05=\alpha$ no se rechaza H0 para la prueba de simetría, y con $p-valor=0.078>0.05=\alpha$ no se rechaza H0 para la prueba de kurtosis. Por lo tanto, no existe evidencia estadística suficiente para afirmar que el grupo 0 no provenga de una distribución multinormal.

Para el grupo 1: con $p-valor=0.152>0.05=\alpha$ no se rechaza H0 para la prueba de simetría, y con $p-valor=0.111>0.05=\alpha$ no se rechaza H0 para la prueba de kurtosis. Por lo tanto, no existe evidencia estadística suficiente para afirmar que el grupo 1 no provenga de una distribución multinormal.

Dados los resultados del test de multinormalidad, es válida la utilización de un discriminante probabilístico basado en la distribución multinormal (lineal o cuadrático dependiendo del test de igualdad de matrices varianzas y covarianzas).

Para poder determinar si el discriminante a utilizar debe ser lineal o cuadrático, debe realizase el test de Box M de igualdad de matrices de varianzas y covarianzas.

$$H_0$$
) $\Sigma_0 = \Sigma_1 = \Sigma$ Versus H_1) $\Sigma_0 \neq \Sigma_1$

- 2. La regla discriminante lineal es aplicable en caso donde los grupos provienen de poblaciones multinormales con igual forma de la matriz de varianzas y covarianzas.
- 3. El cuadro aporta la información sobre los valores de los coeficientes asociados a las distintas variables de la función discriminante. La misma puede ser utilizada para clasificar las observaciones entre grupo 0 (no quebró la empresa), y grupo 1 (quebró la empresa).

La función discriminante en el grupo 0 es:

$$L_{i0} = -7.39 + 5.36 * Fc. dt_i - 9.99 * In. At_i + 3.30 * Ac. pc_i + 10.07 * AC. VN_i$$

La función discriminante del grupo 1 es:

$$L_{i1} = -5.20 + 4.08 * Fc. dt_i - 18.59 * In. At_i + 1.62 * Ac. pc_i + 12.24 * AC. VN_i$$

4. En cross-validation lo que se busca es, dejar una observación de lado, calcular la función discriminante, y utilizarla para clasificar la observación que fue separada. El proceso se repite con cada observación. Para muestras extremadamente grandes, pueden tomarse grupos de observaciones. El error de cross validation es la proporción de observaciones que fueron mal clasificadas utilizando el método de cross validation.

El error del grupo 0 fue:

$$e_{0,c} = \frac{2}{25} = 0.08$$

Mientras que el error del grupo 1 fue:

$$e_{1,c} = \frac{4}{21} = 0.19$$

El error total es entonces:

$$e_c = \pi_0 * e_{0,c} + \pi_1 * e_{1,c} = \frac{25}{25 + 21} * 0.08 + \frac{21}{25 + 21} * 0.19 = \frac{3}{23} \approx 0.13$$

5.

6. Los datos de la nueva empresa deberían evaluarse en las funciones discriminantes de ambos grupos, y asignar la empresa al grupo con menor score.

EJERCICIO 2

Los resultados del test de Mardia¹ rechazan la presencia de multinormalidad en ambos grupos incluso con $\alpha=0.01$. Por lo tanto, si se desea realizar un AD probabilístico, se debe realizar uno discriminante logístico (dado que no es correcto asumir la multinormalidad necesaria para los AD lineal y cuadrático). Podría buscarse sino, construir un discriminante factorial, donde no se asuma ninguna función de distribución de los datos.

En el caso del determinante factorial lo que se busca es encontrar combinaciones lineales de los datos (Z=Xu) que maximicen la discriminación de los datos en k grupos.

EJERCICIO 3

1. Construir la función discriminante e interpretarla:

$$\begin{split} \vec{X}_1 \sim N_2 & \left[\begin{pmatrix} 0 \\ 0 \end{pmatrix}; \begin{pmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{pmatrix} \right] \\ \vec{X}_2 \sim N_2 & \left[\begin{pmatrix} 1 \\ 1 \end{pmatrix}; \begin{pmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{pmatrix} \right] \\ \rho_{12} & = \frac{\sigma_{12}}{\sigma_1 * \sigma_2} \Rightarrow \sigma_{12} = 2.26 \end{split}$$

Dado que por letra ambas poblaciones son normales y con igual matriz de varianzas y covarianzas, se construirá un discriminante lineal.

$$f_{\vec{X}_i} = \frac{1}{2\pi * |\mathbf{\Sigma}|^{0.5}} * exp \left\{ -\frac{1}{2} (\vec{x} - \vec{\mu}_i)' \mathbf{\Sigma}^{-1} (\vec{x} - \vec{\mu}_i) \right\}$$

La partición óptima es:

$$clasificar\ en\ la\ poblaci\'on\ P_2 \Leftrightarrow \frac{f_{\vec{X}_2}(\vec{x})*\pi_2}{c(2|1)} > \frac{f_{\vec{X}_1}(\vec{x})*\pi_1}{c(1|2)}$$

donde π_i es la probabilidad a priori de pertenecer a la población i y

c(i|j) es el costo de clasificar en el grupo i una observación proveniente de la población j

Dado que no se informan costos distintos, estos se asumen iguales, y dado que no se informan probabilidades a priori distintas para cada caso, estas se asumen iguales, por lo que la partición óptima es:

clasificar en la población
$$P_2 \Leftrightarrow f_{\vec{X}_2}(\vec{x}) * \pi_2 > f_{\vec{X}_1}(\vec{x}) * \pi_1$$

Como ambos términos son siempre positivos, podemos tomar logaritmos, y dado que ambas poblaciones tienen igual matriz de varianzas y covarianzas, podemos concentrarnos únicamente en las distancias de Mahalanobis. Por lo tanto, la regla será:

¹ Ver planteo del test en el Ejercicio 1

clasificar en la población
$$P_2 \Leftrightarrow \pi_1 * \mathcal{D}_1^2(\vec{x}) > \pi_2 * \mathcal{D}_2^2(\vec{x})$$

Por lo tanto, las funciones de discriminantes serán:

$$P(i\epsilon g|\vec{X} = \vec{x}) = Max \left[\pi_g * exp \left\{ -\frac{1}{2} D_{ig}^2 \right\} \right]$$

Aplicando logaritmos

$$log(\pi_g) - \frac{1}{2}D_{ig}^2 = log(\pi_g) - \frac{1}{2}\{(\vec{x}_i - \vec{\mu}_g)'\Sigma_g^{-1}(\vec{x}_i - \vec{\mu}_g)\} =$$

$$= log(\pi_g) - \frac{1}{2}\vec{x}_i' \mathbf{\Sigma}_g^{-1} \vec{x}_i + \frac{1}{2}\vec{x}_i' \mathbf{\Sigma}_g^{-1} \vec{\mu}_g + \frac{1}{2}\vec{\mu}_g' \mathbf{\Sigma}_g^{-1} \vec{x}_i - \frac{1}{2}\vec{\mu}_g' \mathbf{\Sigma}_g^{-1} \vec{\mu}_g$$

Si las probabilidades a priori, las medias, o las matrices de varianzas y covarianzas no fueran conocidas, habría que remplazarlas por sus estimaciones: π ; $\vec{\mu}$; $\Sigma \to \hat{\pi}$; \vec{x} , **S**

El score de la observación i en la función discriminante lineal para el grupo g es:

$$Lig = \log(\pi_g) + \vec{x}_g' \mathbf{S}_g^{-1} \vec{x}_i - \frac{1}{2} \vec{x}_g' \mathbf{S}_g^{-1} \vec{x}_g$$

Asumiendo $\pi_i = 0.5$ con i = 1,2

Para el grupo 1

$$L_{i1} = log(0.5) + (0\ 0) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 02.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \vec{x}_i - \frac{1}{2}(0\ 0) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 02.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \begin{pmatrix} 0 \\ 0 \end{pmatrix} \Rightarrow$$
$$\Rightarrow \boxed{L_{i1} = \log(0.5) \cong -0.69}$$

Para el grupo 2

$$L_{i2} = log(0.5) + (1 \ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \vec{x}_i - \frac{1}{2} (1 \ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \begin{pmatrix} 1 \\ 1 \end{pmatrix} \Rightarrow$$

$$\Rightarrow \begin{bmatrix} L_{i2} \cong (1 \ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \vec{x}_i - 0.16 \end{bmatrix}$$

2. Si
$$\pi_1 = 0.7$$
y $\pi_2 = 0.3$

$$\begin{aligned} L_{i1} &= \log(0.7) \cong -0.36 \\ L_{i2} &= \log(0.3) + (1\ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \vec{x}_i - \frac{1}{2} (1\ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \begin{pmatrix} 1 \\ 1 \end{pmatrix} \Rightarrow \\ &\Rightarrow L_{i2} \cong (1\ 1) \begin{bmatrix} 2 & 2.26 \\ 2.26 & 4 \end{bmatrix}^{-1} \vec{x}_i - 0.67 \end{aligned}$$

3. Si c(2|1) = 2 * c(1|2) la regla de clasificación se transforma en:

$$C(1|2)*L_{i1}>C(2|1)*L_{i2}\Rightarrow \boxed{L_{i1}>2*L_{i2}}$$

Por lo que:

$$L_{i1} = log \left[\frac{\pi_1}{c(1|2)} \right]$$

$$L_{i2} = log \left[\frac{\pi_2}{2 * c(1|2)} \right] + (1 \ 1) \left[\frac{2}{2.26} \ \frac{2.26}{4} \right]^{-1} \vec{x}_i + 0.53$$