Task 6 Auswertung MPGA Günstige und Ungünstige Parametrisierungen

Alex, Yaroslav, Manuel

EvoTest

01.02.2017

Ziel: Vergleich verschiedener Parametrisierungen des Multi-Population Genetic Algorithms.

- Kombination von Migrationsrate und Migrationsinterval
- Migrationsstrategien

Vorgehen:

- Erschaffen einer Vergleichsbasis: MPGA ohne Migration laufen lassen → Simuliert mehrere einzelne Single Population Genetic
- MPGA mit Migration und unterschiedlichen Konfigurationen laufen lassen

Rahmenbedingungen:

- Anzahl Epochen: 1.000.
 Fitness-Werte stagnieren vor dieser Grenze.
 Ermittelt im Migrationsfreien Lauf.
- Populationsgröße: 8.
 Groß genug für ausreichende Diversität pro Population.
 Klein genug für angemessene Laufzeit.
- Fitnessfunktionen spiegeln Testfälle wider: Positioniert links und rechts des Parkplatzes.
 Orientiert nach oben, unten, links und rechts.

Auswertung:

- Vergleich der Entwicklung der durchschnittlichen Fitness-Werte der Populationen.
- Vergleich der generierten Testfälle.

Migrationsfreier Durchlauf

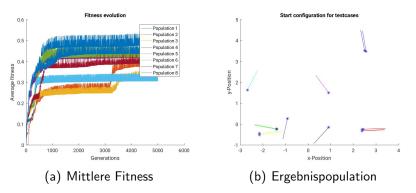


Abbildung: Migrationsfreie Evolution mit 5000 Generationen

Ergebnis: Schlechte Konfigurationen

Hohe Migrationsraten werfen die Populationen weit zurück.

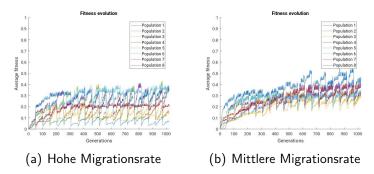


Abbildung: Migration alle 50 Generationen

Ergebnis: Schlechte Konfigurationen

Kleine Migrationszyklen führen zu nicht differenzierbaren Ergebnissen.

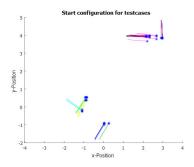


Abbildung: Migration jede Generation. Testfälle

Ergebnis: Gute Konfigurationen

Kleine Migrationszyklen führen zu schneller Gesamtkonvergenz.

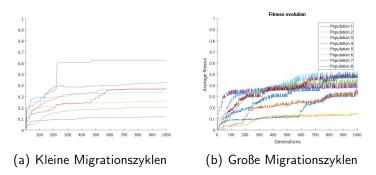


Abbildung: Fitness unterschiedlicher Migrationszyklus-Längen

Ergebnis: Gute Konfigurationen

Große Migrationzyklen führen zu differenzierbaren Ergebnissen.

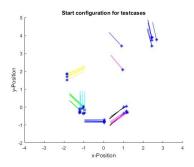


Abbildung: Migration mit großen Migrationszyklen. Testfälle

Ergebnis: Zusammenfassung

Im Vergleich:

- Konfigurationen untereinander
- Multi- vs Single-Population Genetic Algorithm

Ergebnis: Zusammenfassung

- Im Allgemeinen
 - Kleine Migrationsraten > Große Migrationsraten
 - Kleine Migrationszyklen sind schneller als große
 - Große Migrationszyklen sind 'besser' als kleine

Wähle die dem Problem angemessene Zyklus-Größe.

Kein auffälliger Unterschied zwischen MPGA Ergebnissen, Laufzeit und Konvergenzverhalten bei passender Konfiguration im Vergleich zum Single Population Genetic Algorithm