TAREFA TEG#2

Aluno: Alex Halatiki Vicente

Para iniciar a parte 2 do trabalho, foram necessárias algumas alterações no código referente à parte 1. A principal foi a necessidade de criação de duas structs para representar as flores e os grupos de flores como mostrado abaixo.

```
typedef struct {
   char nome[50];
   double valores[N];
} Flor;

typedef struct {
   int *vertices;
   int quantVertices;
   int ordem;
   double centro;
   char nome[50];
} Grupo;
```

A partir disso, a forma como lemos os valores e o nome das flores foi alterado, armazenando os dados como ponteiro de Flor, ou seja, um array de flores, como mostra o código abaixo.

Assim podemos dar continuidade no trabalho utilizando boa parte do código existente. Então, a partir da matriz de adjacências encontrada na parte 1, realizamos uma busca em profundidade sobre ela (grafo), para separar os grupos existentes como mostra o código abaixo. Vale ressaltar que o limiar utilizado foi de 0.08, limiar esse que nos gera 6 grupos no total, sendo 3 grupos principais que possuem a maior quantidade de vértices, como desejado na descrição do trabalho.

```
d dfs<mark>(double **matriz, int *visitados, int vertice, int numVertices, Grupo *grupos, int quantGrupos, Flor *vertices</mark>)
     for (int i = 0; i < numVertices; i++)
  if(matriz[vertice][i] && visitados[i] == 0)</pre>
          grupos[quantGrupos-1].quantVertices++;
          int aux = grupos[quantGrupos-1].quantVertices;
grupos[quantGrupos-1].vertices = realloc(grupos[quantGrupos-1].vertices, sizeof(int) * aux);
          grupos[quantGrupos-1].vertices[aux-1] = i;
dfs(matriz, visitados, i, numVertices, grupos, quantGrupos, vertices);
Grupo * dfsInicia(double **matriz, int numVertices, Grupo *grupos, int *quantGrupos, Flor *vertices)
     for (int i = 0; i < numVertices; i++)</pre>
     int grupoAux = 0;
               grupo.ordem = grupoAux++;
                grupo.vertices = malloc(sizeof(int));
               grupo.vertices[0] = i;
               for(int j=0;j<N;j++)
    soma += vertices[i].valores[j];
grupo.centro = soma;</pre>
               quantGrupos[0]++;
grupos = realloc(grupos, sizeof(Grupo) * quantGrupos[0]);
grupos[quantGrupos[0] - 1] = grupo;
               dfs(matriz, verticesVisitados, i, numVertices, grupos, quantGrupos[0], vertices);
grupos[quantGrupos[0] - 1].centro = grupos[quantGrupos[0] - 1].centro / (grupos[quantGrupos[0] - 1].quantVertices * N);
     free(verticesVisitados);
```

Com os vértices separados em 6 grupos desconexos, ordenamos o array de grupos para que possamos calcular o centro de cada grupo e alocar os demais grupos menores nos 3 grupos principais, levando em conta a menor distância do centro de um grupo para outro, como mostra o código abaixo.

```
rdenaGruposDecescente(Grupo *grupos, int quantGrupos)
         int indiceMaior = i;
             if (grupos[j].quantVertices > grupos[indiceMaior].quantVertices)
        Grupo temp = grupos[i];
grupos[i] = grupos[indiceMaior];
grupos[indiceMaior] = temp;
Grupo *ajustaEm3Grupos(Grupo *grupos, int quantGrupos)
    Grupo *gruposAux = malloc(sizeof(Grupo) * 3);
         gruposAux[i] = grupos[i];
        gruposAux[i].vertices = malloc(sizeof(int) * grupos[i].quantVertices);
for (int j = 0; j < grupos[i].quantVertices; j++)</pre>
         double menor = abs(grupos[i].centro - gruposAux[0].centro);
         int indice = 0;
for (int j = 1; j < 3; j++)</pre>
             if (abs(grupos[i].centro - gruposAux[j].centro) < menor)</pre>
         gruposAux[indice].vertices = realloc(gruposAux[indice].vertices, sizeof(int) * (gruposAux[indice].quantVertices + grupos[i].quantVertices));
         for (int c = 0; c < grupos[i].quantVertices; c++)</pre>
             gruposAux[indice].vertices[gruposAux[indice].quantVertices + c] = grupos[i].vertices[c];
         gruposAux[indice].quantVertices += grupos[i].quantVertices;
    return gruposAux;
```

Assim, com os todos os vértices alocados em apenas 3 grupos, analisamos a predominância do tipo de flor em cada grupo, e então, definimos o nome do grupo de acordo com o tipo de flor predominante nele, como mostra o código abaixo.

```
void defineNomeGrupos(Grupo *grupos, int quantGrupos, Flor *vertices)
{
    for(int i=0;i<quantGrupos;i++)
    {
        int setosa = 0;
        int virginica = 0;
        int versicolor = 0;

        for(int j=0;j<grupos[i].quantVertices;j++)
        {
            if(strstr(vertices[grupos[i].vertices[j]].nome, "Virginica") != NULL)
            virginica++;
            if(strstr(vertices[grupos[i].vertices[j]].nome, "Setosa") != NULL)
            setosa++;
            if(strstr(vertices[grupos[i].vertices[j]].nome, "Versicolor") != NULL)
            versicolor++;
        }

        if(setosa > virginica && setosa > versicolor)
        strcpy(grupos[i].nome, "Setosa");
        else
            f(virginica > setosa && virginica > versicolor)
            strcpy(grupos[i].nome, "Virginica");
        else
            strcpy(grupos[i].nome, "Versicolor");
        }
}
```

Com isso, e possível calcularmos os casos TP (true positive), FP (false positive), TN (true negative) e FN (false negative) e realizar a extração das métricas de qualidade da classificação, como mostra o código abaixo.

```
nt truePositivos(Grupo grupo, Flor *vertices)
         if(strstr(vertices[grupo.vertices[i]].nome, grupo.nome) != NULL)
             soma++:
int falsePositivos(Grupo grupo, Flor *vertices)
    int soma = 0;
for(int i=0;i<grupo.quantVertices;i++)</pre>
         if(strstr(vertices[grupo.vertices[i]].nome, grupo.nome) == NULL)
int falseNegativos(Grupo *grupos, int quantGrupos, Flor*vertice, Grupo grupo)
    for(int i=0;i<quantGrupos;i++)</pre>
         for(int j=0;j<grupos[i].quantVertices;j++)
    if(strstr(vertice[grupos[i].vertices[j]].nome, grupo.nome) != NULL)</pre>
int trueNegativos(Grupo *grupos, int quantGrupos, Flor*vertice, Grupo grupo)
    for(int i=0;i<quantGrupos;i++)</pre>
         if(grupos[i].ordem == grupo.ordem)
         for(int j=0;j<grupos[i].quantVertices;j++)</pre>
             if(strstr(vertice[grupos[i].vertices[j]].nome, grupo.nome) == NULL)
```

Concluindo, obtemos as seguintes métricas em relação a cada grupo:

Grupo Virginica:

True Positivos: 50 False Positivos: 46 True Negativos: 54 False Negativos: 0

Acuracia: 0.693333 Recall: 1.000000 Precision: 0.520833 F1 Score: 0.684932

Grupo Setosa:

True Positivos: 50 False Positivos: 0 True Negativos: 100 False Negativos: 0

Acuracia: 1.000000 Recall: 1.000000 Precision: 1.000000 F1 Score: 1.000000

Grupo Versicolor:

True Positivos: 4 False Positivos: 0 True Negativos: 100 False Negativos: 46

Acuracia: 0.693333 Recall: 0.080000 Precision: 1.000000 F1 Score: 0.148148