

Зачем биологам синтаксический анализ

Автор: Артём Горохов

Санкт-Петербургский государственный университет Лаборатория языковых инструментов JetBrains

15 октября 2016г.



GLL

- Generalized LL
- Нисходящий синтаксический анализатор
- ullet В лучшем случае работает за линейное время, в худшем за $O(n^3)$
- Строит все возможные выводы цепочки

GLL

Вход: a a b

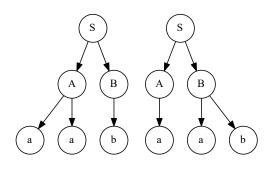
Грамматика:

$$S = A B$$

$$A = a a$$

$$B = b$$

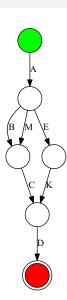
a b



GLL для графов

- На вход поступает граф, задающий все входные цепочки
- На рёбрах терминалы

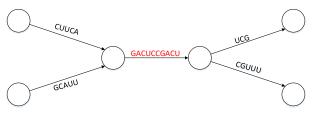
 $\{ABCD; AMCD; AEKD\} =>$



Метагеномная сборка

- Есть множество цепочек, подлежащих анализу
- Все объединяются в граф

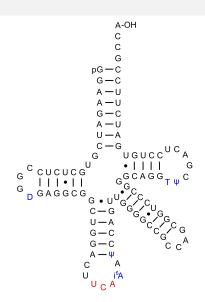
CUUCAGACUCCGACUUCG UCCGACUCGUUU GCAUUGACUC

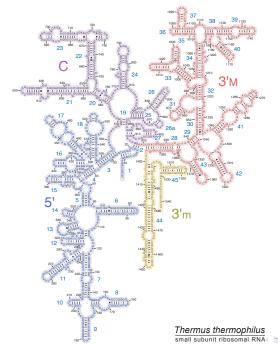


Структура цепочек

 КС грамматика может описать вторичную структуру

GGAAGAUCG...GCA... =>





Увеличение производительности

- Полученные метагеномные сборки не поддаются анализу без предварительных преобразований
- Сам алгоритм нуждается в модернизации

Фильтрация рёбер

- Infernal позволяет распознавать структуры в линейном входе
- Рёбра, длиннее искомых структур можно делить на части и проверять infernal'ом

Разбиение на компоненты

- После фильтрации рёбер граф распадается на компоненты связности
- Можно запускать анализатор независимо на разных компонентах

Отказ от построения дерева

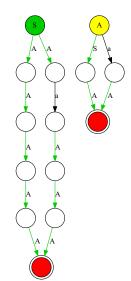
- Парсер возвращает лишь границы и длину найденой цепочки
- Восстановление цепочки идёт путём извлечения подграфа
- Ложные фильтруются infernal



Преобразование грамматики к автомату

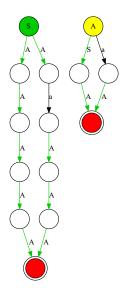
Грамматика

Автомат

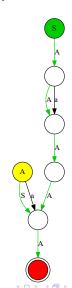


Минимизация автомата

Изначальный автомат



Минимизированый автомат



Эксперименты

	начальная	мин. автомат
	грамматика	
Время работы	10 часов	3ч. 40 мин.

Направление работ

- Детальный анализ качества результата
- Возможно, можно сильнее фильтровать граф, применяя infernal
- Поиск полноразмерных 16s
- Поиск других структур