Programmierung in der Bioinformatik Winter Übungen zur Vorlesung: Ausgabe am 14.10.2013

Ablauf des ersten Übungstermins am 14.10.13:

für alle nicht MsC Bioinformatik Studenten und alle die noch keine ZBH Rechneraccount haben:

- Einführung in die Benutzung der ZBH-Rechner
- Ausgabe von Schlüsselkarten

Die Bioinformatikstudenten haben wärend der Zeit eine Orientierungsveranstalltung.

Einige der Aufgaben können nur auf den Rechnern im ZBH-Pool durchgeführt werden. Sie können sich natürlich die evtl. notwendigen Dateien auch auf Ihren Rechner zuhause kopieren.

Am zweiten Termin am 21.10.13 haben Sie dann die möglichkeit die Übungsaufgaben zu lösen.

Die Übungen sind Pflichttermine und Übungsaufgaben werden größtenteils direkt bearbeitet.

Aufgabe 1.1 Im Verzeichnis /projects/lehre/programming/data/ finden Sie zwei Dateien ecoli.seq und swiss. Ermitteln Sie mit Hilfe der Befehle cat, tr und wc die Anzahl der Zeilen in diesen Dateien, sowie die Anzahl der Zeichen ohne newline. Hinweis: Für den zweiten Teil der Aufgabe sollen Sie "pipes" verwenden (das Symbol |), damit die Ausgabe eines Programmes als Eingabe für ein anderes Programm dienen kann.

Aufgabe 12 Erzeugen Sie zwei Dateien dateil und dateil mit verschiedenen Inhalten. Mit welcher möglichst kurzen Sequenz von Unix-Kommandos kann man die Namen der beiden Dateien vertauschen? Welche Probleme können dabei auftreten?

Aufgabe 13 Entwickeln Sie eine Folge von Kommandos, die den Anfang einer Datei im Fastaformat auf die Standard-Ausgabe formatiert ausgibt. Die Ausgabe soll nicht die Kopfzeile (markiert durch ein > am Anfang der Zeile) der Eingabe-Datei enthalten, und dann eine bestimmte Anzahl von Zeichen enthalten. Der extrahierte Bereich der Basen oder Aminosäuren soll auf höchstens 60 Zeichen pro Zeile formatiert werden. Die Ausgabe der ersten 123 Zeichen der Datei /projects/lehre/programming/data/ychrIII. fna soll also das folgende Ergebnis liefern:

Benutzen Sie für Ihre Lösungen Pipes und die Programme grep, tr, head und fold.

Aufgabe 1.4 1. Suchen Sie mit dem Kommando find im Verzeichnis /usr/include und den Unterverzeichnissen alle Dateien, die mit std beginnen und mit .h enden. Wieviele solche Dateien gibt es?

- 2. Benutzen Sie die Kommandos touch und find, um in Ihrem Home-Verzeichnis alle Dateien aufzulisten, die am aktuellen Tag verändert wurden.
- 3. Legen Sie ein Verzeichnis mit insgesamt etwa 10 Unterverzeichnissen und Dateien auf verschiedenen Hierarchie-Ebenen an. Benutzen Sie nun find, um in Ihrem Directory alle Unterdirectories (jedoch keine normalen Dateien) für die Gruppe und für alle anderen Benutzer lesbar und ausführbar zu machen. Mit 1s -1R listet man den kompletten Verzeichnisbaum inklusive aller Rechte auf.
- 4. Geben Sie einen find-Aufruf an, um in allen Dateien eines Unterverzeichnisses, die mit .txt enden nach dem Wort UNIX zu suchen.

Aufgabe 15 Wenn man Dateien löscht, kopiert oder ihre Namen ändert, dann muß man sehr vorsichtig mit den entsprechenden Kommandos rm, cp und mv umgehen, damit man nicht versehentlich Dateien löscht. Daher bieten alle drei Kommandos eine Option, die dazu führt, dass vor dem Löschen oder Überschreiben einer Datei der Benutzer diese Aktion mit y bestätigen muß. Finden Sie heraus, um welche Option es sich handelt. Mit Hilfe des Kommandos (*tcsh*-syntax):

```
alias rm 'rm <fragebeimloeschenoption>'
```

erreicht man, dass für rm diese Option automatisch verwendet wird. Tragen Sie für alle drei Kommandos entsprechende alias-Einträge in die Datei ~/.tcshrc ein. Nach dem Sichern der Datei und dem Befehl

```
source .tcshrc
```

bzw. nach jedem einloggen sind die alias-Einträge dann aktiv.

Wenn man unter Unix ein Programm p ausführen möchte, wird der Installationsort (Pfad) anhand der Umgebungsvariablen PATH ermittelt. Es werden alle in der Umgebungsvariablen PATH gelisteten Verzeichnisse (Ausgabe mittels echo \$PATH) durchsucht. Sei d der erste Pfad, der eine ausführbare Version des Programms p enthält. Dann wird das Programm p im Verzeichnis d, notiert durch d/p ausgeführt. Wenn man ein Programm aufrufen möchte, das in keinem der in PATH spezifizierten Pfade vorhanden ist, so muss der entsprechende Pfad dem Programm vorangestellt werden. Dabei kann man die Notation für relative Pfade ('.', '..') verwenden. D.h. Programme im aktuellen Verzeichnis werden mit vorangestelltem ./ aufgerufen. Durch

```
setenv <Variable> <Wert>
```

lassen sich in der tesh Umgebungsvariablen wie PATH festlegen. Nutzen Sie setenv um in der Datei .tcshrc das aktuelle Verzeichnis permanent dem Pfad hinzuzufügen. Was für Probleme kann diese Praxis mit sich bringen?

Wir raten sogar davon ab dies zu tun, fügen Sie statt dessen \$HOME/bin hinzu, sofern dies nicht automatisch geschieht. Vergessen Sie auf keinen Fall den Inhalt der ursprünglichen PATH Variablen anzufügen. Sie können mehrere Einträge in der Variablen durch: trennen.

Was kann man sonst noch in der Datei .tcshrc eintragen?

Aufgabe 1.6 Gegeben sei ein Verzeichnis mit sehr vielen Dateien. Der Befehl ls -l liefert eine recht unübersichtliche Ausgabe. Außerdem scrollt die Ausgabe immer aus dem Fenster heraus. Wie kann man mit ls besonders leicht die zuletzt geänderten Dateien anzeigen lassen?

Die Lösungen zu diesen Aufgaben werden am 28.10.2013 besprochen.

Hier noch einige URLs für Linux Tutorials und wichtige Unix Kommandos:

- 1. http://www.ee.surrey.ac.uk/Teaching/Unix/
- 2. http://www.math.utah.edu/lab/unix/unix-tutorial.html

Wichtige Unix Commandos	
apropos	search all man pages for a word
cat file	for creating and displaying short files
chmod	change permissions
cd	change directory
ср	for copying files
diff	show differences between files
date	display date
echo	echo argument
find	find files and possibly apply command
grep	search file for pattern
head	display first part of file
history	show last commands executed
ls	see what files you have
lpr	standard print command (see also print)
more	use to read files
mkdir	create directory
man	show manual page
mv	for moving and renaming files
passwd	change password
pwd	find out what directory you are in
rm	remove a file (use option -i)
rmdir	remove directory
ssh	remote secure shell
sftp	connect to a remote machine to download or upload files
scp	secure copying of files
setenv	set an environment variable
sort	sort file
tail	display last part of file
tar	create an archive, add or extract files
WC	count characters, words, lines
wget	for downloading files
who	list all users currently on your machine

Wenn Sie sich nicht sicher sind, wie eines der Kommandos zu benutzen ist, benutzen Sie man gefolgt vom Kommandonamen.

Wenn Sie sich nicht sicher sind, welches Kommando eine von Ihnen gewünschte Aufgabe erfüllt, können Sie apropos gefolgt von einem Wort verwenden um *alle* manual pages zu durchsuchen.

Abkürzungen für Pfade im home-Verzeichnis: ~/ oder \$HOME.