from scipy.spatial import distance import matplotlib.pyplot as plt # Φyμκιμπ βωδορα μεπτροῆμα μππ μπιμιμαπιναμικ μετοχοκ k-means++ def furthest_sample(centers, X): Dist = np.min(distance.cdist(centers, X)**2, axis=0) Sum = Dist.sum() Rnd = np.random.random() * Sum cur_sum = 0 i = -1 while cur_sum <= Rnd: cur_sum += Dist[i] i *= 1 return X[i] # Φyμκιμπ βωνιμοπποωρα ε σμκιν ρερμικ βαντρικπαστερτωκ ρασστοπικά def inner_dist(X, centers, cluster): sum = 0 for in range(centers.shape[0]): Dist = distance.cdist(X[cluster == i], centers[i][np.newaxis,:])**2
<pre>cur_sum = 0 i = -1 while cur_sum <= Rnd: cur_sum += Dist[i] i += 1 return X[i] # Функция вычисляющее сумму средних внутрикластерных расстояний def inner_dist(X, centers, cluster): sum = 0 for i in range(centers.shape[0]): Dist = distance.cdist(X[cluster == i], centers[i][np.newaxis,:])**2</pre>
<pre>def inner_dist(X, centers, cluster): sum = 0 for i in range(centers.shape[0]): Dist = distance.cdist(X[cluster == i], centers[i][np.newaxis,:])**2</pre>
<pre>Dist = distance.cdist(X[cluster == i], centers[i][np.newaxis,:])**2 if Dist.shape[0] == 0: return np.inf sum += Dist.mean()</pre>
sum += Dist.mean() return sum # Функция вычисляющая среднее межкластерное расстояние def between_dist(X, centers): all_center = X.mean(axis=0) return 1 / centers.shape[0] *(distance.cdist(centers, all_center[np.newaxis,:])**2).sum()
Функционал качества, который будем минимизировать # при поиске оптимального числа кластеров def Q(X, centers, cluster): between = between_dist(X, centers) if between == 0: return np.inf return inner_dist(X, centers, cluster) / between
class MyKMeans: # Если число кластеров не задано или задано равным 0, # то алгоритм сам его подберёт. definit(self, n_clusters=0, init='random'):
self.n_clusters = n_clusters self.init = init def fit_predict(self, X): # случай заранее заданного числа кластеров if self.n_clusters != 0: return self.predict(X, self.n_clusters)
будем подбирать оптимальное число кластеров самостоятельно n_clusters = 1 prev_Q = np.inf # Даже используя способ инициализации k-means++ # первый центр выбирается случайно, # чтобы нивелировать эту случайность будем брать
среднее значение функционала качества # за некторое количество испытаний, например, 50. Q = np.zeros(50) while True: for j in range(50): pred = self.predict(X, n_clusters) Q[j] = pred[2]
cur_Q = Q.mean() # Если Функционал качества при п кластерах оказался больше, # чем при n-1, то останавливаемся if cur_Q > prev_Q: return (cluster, it, prev_Q, diff, centers) cluster = pred[0]
it = pred[1] prev_Q = cur_Q diff = pred[3] centers = pred[4] n_clusters += 1 #Метод разбивающий выборку на заранее заданное число кластеров
<pre>def predict(self, X, n_clusters): n_samples = X.shape[0] n_features = X.shape[1] cluster = np.zeros(n_samples) if self.init == 'random': centers = X[np.random.choice(n_samples, n_clusters, replace=False)].astype(float) elif self.init == 'k-means++':</pre>
arg = np.random.choice(n_samples, 1) centers = X[arg] for i in range(n_clusters - 1): centers = np.vstack((centers, furthest_sample(centers, X))) differences = [] # массив хранящий на сколько на каждой итерации сдвинулись центры dif = 1 # переменная для подсчета на сколько сдвинулись центры на итерации
it = 0 # счетчик итераций while dif != 0: it += 1 dif = 0 for i in range(n_samples): cluster[i] = np.argmin(distance.cdist(X[i][np.newaxis,:], centers).ravel()) for i in range(n_clusters):
prev_center = centers[i].copy() if(X[cluster == i].shape[0] != 0): centers[i] = X[cluster == i].sum(axis=0) / X[cluster == i].shape[0] dif += distance.minkowski(prev_center, centers[i]) differences.append(dif) # возвращаем разбиение, число итераций, функционал качества, # изменения положений центров, итоговые центры кластеров.
изменения положении центров, итоговые центры кластеров. return (cluster, it, Q(X, centers, cluster), differences, centers) # Небольшой генератор к кластеров с гауссовым распределением для тестирования алгоритма def generate_gauss(N, k):
<pre>size = int(N/k) X = np.zeros(2 * N) idx = 0 for i in range(k): c = (np.random.uniform(-1, 1), np.random.uniform(-1, 1)) s = np.random.uniform(0.05, 0.2) for j in range(size):</pre>
X[idx] = np.random.normal(c[0], s) X[idx + 1] = np.random.normal(c[1], s) idx += 2 return X.reshape(-1, 2) # Другой генератор более плотных скоплений точек
<pre>def make_blobs(N, k): size = int(N/k) X = np.zeros(2 * N) idx = 0 for i in range(k): cx = 2 * np.random.random() - 1 cy = 2 * np.random.random() - 1</pre>
<pre>for j in range(size): X[idx] = cx + 0.4 * np.random.random() - 0.2 X[idx + 1] = cy + 0.4 * np.random.random() - 0.2 idx += 2 return X.reshape(-1, 2)</pre>
Исследование сходимости метода и зависимости сходимости от стратегии начальной инициализации fig = plt.figure() ax1 = fig.add_subplot(121) ax2 = fig.add_subplot(122) fig.set_figheight(5)
<pre>fig.set_figwidth(15) n_clusters = np.arange(2, 100) for n in n_clusters: X = make_blobs(1000, n)</pre>
clf = MyKMeans(n_clusters=n, init="random") dif = clf.fit_predict(X)[3] ax1.set_title('random') ax1.set_ylabel('Изменение положения центров') ax1.set_xlabel('Номер итерации') ax1.axis([-0.1, 40, 0, 5.5]) ax1.plot(range(len(dif)), dif)
<pre>for n in n_clusters: X = make_blobs(1000, n) clf = MyKMeans(n_clusters=n, init="k-means++") dif = clf.fit_predict(X)[3] ax2.set_title('k-means++') ax2.set_ylabel('Изменение положения центров')</pre>
ax2.set_xlabel('Номер итерации') ax2.axis([-0.1, 40, 0, 5.5]) ax2.plot(range(len(dif)), dif) random k-means++
ожения пентров 4 - 4 - 5 - 5 -
2 -
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
начальных центров, что является подтверждением того, что k-means++ является более стабильным. Также уже из этих графиков можно заметить некоторое уменьшение числа итераций до сходимости. п_clusters = np.arange(2, 50) mean = np.zeros(20) arr_random = np.zeros(n_clusters.size)
<pre>for n in n_clusters: for i in range(20): X = make_blobs(1000, n) clf = MyKMeans(n_clusters=n, init="random") mean[i] = clf.fit_predict(X)[1] arr_random[n - 2] = mean.mean()</pre>
<pre>arr_kmeans = np.zeros(n_clusters.size) for n in n_clusters: for i in range(20): X = make_blobs(1000, n)</pre>
clf = MyKMeans(n_clusters=n, init="k-means++") mean[i] = clf.fit_predict(X)[1] arr_kmeans[n - 2] = mean.mean() plt.xlabel("число кластеров") plt.ylabel("число итераций") plt.plot(n_clusters, arr_random, label="random")
plt.plot(n_clusters, arr_random, label="random") plt.plot(n_clusters, arr_kmeans, label="k-means++") plt.legend() fig.set_figwidth(30) 25 - random
20 - k-means++ k-means++
число кластеров Действительно, при использовании стратегии k-means++ число итераций до сходимости несколько уменьшается. Применимость алгоритма k-means
Алгоритм k-means способен выявлять только кластеры шарообразной формы, простые скопления объектов в некоторой области, для поиска кластеров более сложной формы он не приспособлен. Желательно знать количество кластеров, на которое мы хотим разбиговыборку, так как хотя есть различные способы выбрать лучшее разбиение, они все не идельны и допускают ошибки, а неверный выбор числа кластеров может привести к плохим результатам. Стратегия выбора числа кластеров
Если число кластеров заранее неизвестно, можно попробовать разбить выборку на различное число кластеров и посмотреть какое из разбиений лучше.Для этого нужно иметь некоторую функцию, по значению которой можно будет понять какое из разбиений лучше, называемый функционал качества. Выбирая такой функционал в своем алгоритме я руководствовался несколькими разумными требованиями к желаемому разбиению. 1) Элементы внутри одного кластера должны быть "похожи", находится на небольшом расстоянии. 2) Элементы относящиеся к разнычным быть различны, находиться на большом расстоянии.
Переводя на математический язык, я хочу минимизировать внутрикластерное расстояние для каждого кластера и максимизировать межкластерное расстояние. Для минимизации внутрикластерного расстояния буду минимизировать сумму средних внутрикластерных расстояний по всем кластерам:
$Q_1 = \sum_{c \in C} rac{1}{ S_c } \sum_{x_i \in c} ho^2(x_i, \mu_c)$ C — множество кластеров, $ S_c $ — число элементов в одном кластере, μ_c — центр кластера c . Для максимизации межкластерного расстояния буду максимизировать среднее межкластерное расстояние:
$Q_2 = \frac{1}{ C } \sum_{c \in C} \rho^2(\mu_c, \mu)$ μ — центр всей выборки. В качестве итогового функционала качества возьму следующую функцию:
$Q=rac{Q_1}{Q_2}$ Этот функционал и буду минимизировать при поиске оптимального числа кластеров.
Протестирую данную стратегию поиска числа кластеро на обоих генераторах. fig = plt.figure() ax1 = fig.add_subplot(331) ax2 = fig.add_subplot(332) ax3 = fig.add_subplot(333) ax4 = fig.add_subplot(334)
<pre>ax4 = fig.add_subplot(334) ax5 = fig.add_subplot(335) ax6 = fig.add_subplot(336) ax7 = fig.add_subplot(337) ax8 = fig.add_subplot(338) ax9 = fig.add_subplot(339) fig.set_figheight(15)</pre>
<pre>fig.set_figwidth(15) ax = [ax1, ax2, ax3, ax4, ax5, ax6, ax7, ax8, ax9] clf = MyKMeans(n_clusters = 0, init = "k-means++") for a in ax: X = make_blobs(500, 6)</pre>
<pre>pred = clf.fit_predict(X) a.scatter(X[:,0], X[:,1], c=pred[0]) a.axis([-1.2, 1.2, -1.2, 1.2]) a.scatter(pred[4][:,0], pred[4][:,1], marker = '*', c='r')</pre>
-0.50
10 -0.5 0.0 0.5 10 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10
-1.0 -0.5 0.0 0.5 10 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10 10 -
fig = plt.figure()
<pre>fig = plt.figure() ax1 = fig.add_subplot(331) ax2 = fig.add_subplot(332) ax3 = fig.add_subplot(333) ax4 = fig.add_subplot(334) ax5 = fig.add_subplot(335) ax6 = fig.add_subplot(336)</pre>
<pre>ax7 = fig.add_subplot(337) ax8 = fig.add_subplot(338) ax9 = fig.add_subplot(339) fig.set_figheight(15) fig.set_figwidth(15)</pre>
<pre>ax = [ax1, ax2, ax3, ax4, ax5, ax6, ax7, ax8, ax9] clf = MyKMeans(n_clusters = 0, init = "k-means++") for a in ax: X = generate_gauss(500, 6) pred = clf.fit_predict(X) a.scatter(X[:,0], X[:,1], c=pred[0]) a.scatter(pred[4][:,0], pred[4][:,1], marker = '*', c='r')</pre>
$\begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$
10 - 0.75 - 0.50
0.0
$\begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$
1.00 -
$\begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$
-0.75 -0.50 -0.25 0.00 0.25 0.50 0.75 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10 -1.0 -0.5 0.0 0.5 10 Визуализация кластеризации с помощью матрицы попарных расстояний (струппировав объекты по кластерам. Ниже это реализовано и протестировано.
<pre>fig = plt.figure() ax1 = fig.add_subplot(8, 2, 1) ax2 = fig.add_subplot(8, 2, 2) ax3 = fig.add_subplot(8, 2, 3) ax4 = fig.add_subplot(8, 2, 4) ax5 = fig.add_subplot(8, 2, 5) ax6 = fig.add_subplot(8, 2, 6)</pre>
<pre>ax6 = fig.add_subplot(8, 2, 6) ax7 = fig.add_subplot(8, 2, 7) ax8 = fig.add_subplot(8, 2, 8) fig.set_figheight(50) fig.set_figwidth(12) ax = [(ax1, ax2), (ax3, ax4), (ax5, ax6), (ax7, ax8)]</pre>
<pre>clf = MyKMeans(n_clusters=0, init='k-means++') for a in ax: X = make_blobs(500, 6) pred = clf.fit_predict(X) arg = np.argsort(pred[0]) Dist = distance.cdist(X[arg], X[arg])</pre>
Dist = distance.cdist(X[arg], X[arg]) a[0].imshow(Dist, cmap="Blues") a[1].axis([-1.2, 1.2, -1.2, 1.2]) a[1].scatter(X[:,0], X[:,1], c=pred[0]) a[1].scatter(pred[4][:,0], pred[4][:,1], marker = '*', c='r')
100 - 0.5 -
200 -
3000.5 -
300 -
2