

Récapitulatif de la configuration choisie :
Taille de la population : 204
Type des gène : Double
Nombre de gènes : 2
Chaine évaluer : a+b
Intervalle : [0.2 , 100.1]
La génération satisfaisante : 150
Nombre d'itérations maximum fixé : 50
Type de sélection : Sélection par rang
Le taux de croisement : 0.05
Le taux de mutation : 0.7
Nombre d'individus à sélectionné : 190
Convergence : Maximisation

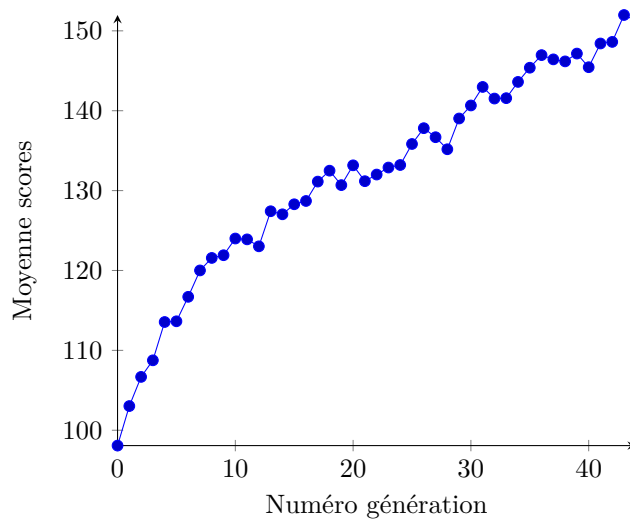


FIGURE 1 – Graphe représentant l'évolution de la moyenne des scores des individus

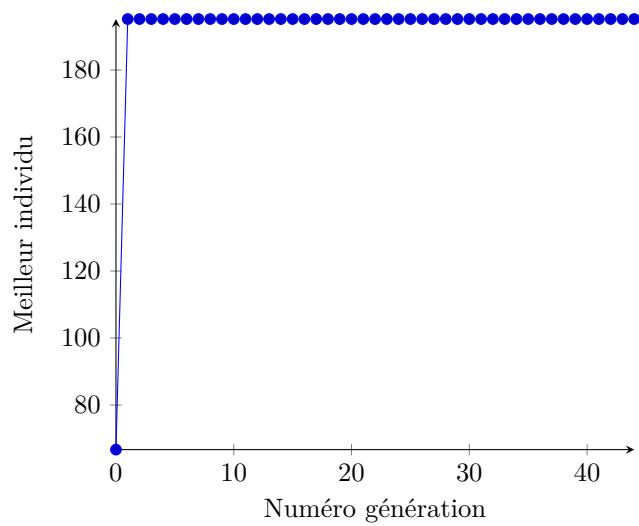


FIGURE 2 – Graphe représentant l'évolution des meilleur individus