### • نمایش

در این مسئله، ژن، یک آرایه از جنس برجها و با سایز شهرها در نظر گرفته شده است. ایندکس هر خانه آرایه مشخص کننده شماره شهر و مقدار آن خانه مشخص کننده برجی است که به این شهر تخصیص داده شده است. هر برج نیز در درون خود پنهای باند و مکان مختص به خود دارد.

#### • انتخاب

برای اینکار از روش Fitness Proportionate استفاده شده است. بدین صورت برازندگی هر کروموزوم به برازندگی کل تقسیم شده و بر این اساس برای انتخاب شدن شانس بیشتر یا کمتری پیدا می کند.

این روش کروموزومهای با برزاندگی زیاد را با احتمال بالایی حفظ میکند و در عین حال با دادن شانس انتخاب شدن به کروموزمهای با برازندگی کم، گوناگونی کروموزومها را نیز حفظ میکند.

### • باز ترکیب

بدین منظور از روش تقطیع چند نقطهای استفاده شده است. از آنجایی که اندازه دو آرایه یکسان و به اندازه تعداد شهرها میباشد، به راحتی با انتخاب چند نقطه از آرایه و ترکیب آنها به صورت ضربدری، کروموزوم های جدید را ایجاد میشوند. بدین صورت، برجهای اختصاص یافته به هر محله و تعداد برجهایی که در کل در تمام شهر داریم ممکن است دستخوش شود.

با این روش به دلیل داشتن تغییرات متنوع، تنوع کروموزومها بالا رفته و از همگرایی زودرس جلوگیری می شود.

در صورت استفاده از روش باز ترکیب تک یا دو نقطه ایمشکل کمبود تنوع کروموزومها رخ خواهد داد.

### • جهش

برای این قسمت از روش گوسی برای تغییر مکانها و پهنای باند برجها و از روش جابه جایی برای تغییر برج اختصاص داده شده به یک شهر استفاده شده. در روش گوسی یک مقدار در بازه ی کنترل شده و رندوم به مقدار فعلی اضافه یا کم میشود. در روش جا به جایی مقدار یک خانه آرایه با خانه دیگر عوض می شود. روش گوسی با تغییرات کوچک و کنترل شده، مانع از برهم ریختن جواب های مناسب می شود. و روش جابه جایی به افزایش تنوع گونه ها کمک می کند.

## • ارزیابی

الگوریتم تکاملی در ابتدا با شیب زیاد به سمت جواب بهینه همگرا شده و در نسلهای بعدی، شیب همگرایی کاهش مییابد. با افزایش نرخ جهش و نرخ بازترکیب شاهد همگرایی زودرس هستیم. با نرخ حدود ۲۰۰۱ برای جهش و بازترکیب در این مسئله، الگوریتم به برازندگی مناسبی می رسد.

بنابراین با کاهش نرخ بازترکیب و جهش، لازم می شود تعداد تکرار نسلها افزایش یابد.

# • جايگزيني

این کار از طریق استراتژی انتخاب mu + lambda انجام شده است. بدین صورت که ابتدا کروموزومهای قبلی و کروموزومهای حاصل شده از مراحل قبل با یکدیگر ترکیب می شوند و سپس بر اساس برازندگی مرتب شده و بهترین آنها انتخاب خواهند شد.

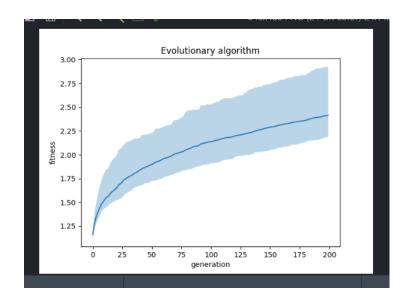
انجام این کار باعث پیشروی به سوی جوابهای بهینه و بهرهبرداری می شود و همچنین با برداشت کروموزوم هم از جمعیت قبلی و هم از جمعیت ایجاد شده، باعث افزایش گوناگونی می شود.

با جایگزینی تمام نسل جدید و عدم جایگزینی بهترینها، مشکل پراکندگی زیاد در بین جوابها رخ خواهد داد. POPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 200

CROSSOVER\_RATE = 0.9

MUTATION\_RATE = 0.1

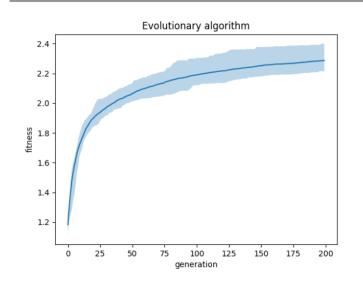


POPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 200

CROSSOVER\_RATE = 0.1

MUTATION\_RATE = 0.9

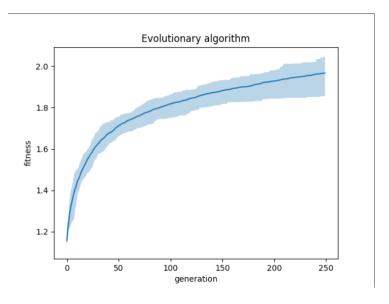


POPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 250

CROSSOVER\_RATE = 0.9

MUTATION\_RATE = 0.9

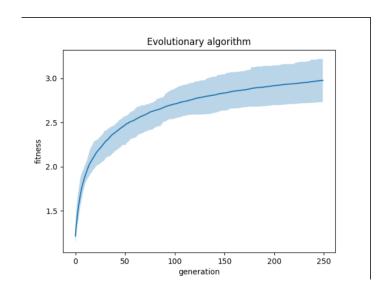


POPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 250

CROSSOVER\_RATE = 0.2

MUTATION\_RATE = 0.2

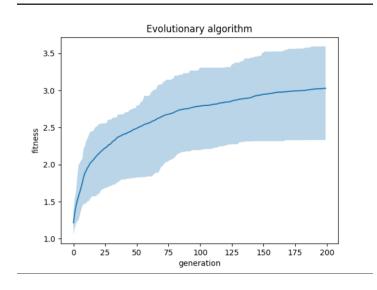


POPULATION\_SIZE = 10

MAX\_GENERATIONS = 200

CROSSOVER\_RATE = 0.1

MUTATION\_RATE = 0.1

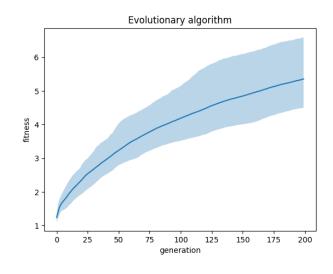


POPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 200

CROSSOVER\_RATE = 0.01

MUTATION\_RATE = 0.01



OPULATION\_SIZE = 50

MAX\_GENERATIONS = 200

CROSSOVER\_RATE = 0.01

MUTATION\_RATE = 0.01

Runtime: 280.71361327171326

seconds



