Aula 2 - Criando e manipulando dados

Vitor Rios

16 de outubro de 2017

Tipos de dados

Já vimos 3 tipos de valores de dados, mas existem outros 4 especiais class(1) ## [1] "numeric" class("1") ## [1] "character" class(1 == "1") ## [1] "logical"

```
10 / 0
## [1] Inf
sqrt(-3)
## Warning in sqrt(-3): NaNs produzidos
## [1] NaN
c(10,NA,30)
## [1] 10 NA 30
```

```
fator = factor(1:3, levels=c("chuchu", "goiaba", "iogurte"))
fator

## [1] <NA> <NA> <NA>
## Levels: chuchu goiaba iogurte
```

class(fator)

[1] "factor"

Inf representa valores infinitos, pode ser +Inf ou -Inf

NA Not Available, representa dados ausentes, útil para preencher tabelas e matrizes. A maioria das funções estatísticas do R possui um argumento na.rm que lida com valores ausentes

NaN Not a Number, resultado de operações matemáticas impossíveis

factor especifica que um conjunto de valores representa os níveis de um fator, usado para análises de dados categóricos

Ao ler dados de arquivos .csv, colunas representadas por caracteres são automaticamente convertidas em fatores. para eivtar isto, use o argumento as.is = TRUE, quando disponível (consulte o help)

Criando um conjunto de dados simulado

Iremos investigar o crescimento dos dragões usando quatro rações diferentes. Após mandar nossos estagiários fazerem os experimentos, temos os seguintes dados, em centenas de quilos

```
111.07215, 113.74047, 103.16081, 80.87149, 98.66692, 69
    88.30168, 147.4361, 114.60806, 109.87433, 149.54772, 83
fazendeiros = c(77.91352, 78.07251, 81.95604, 75.64862, 78
    79.98952, 79.18127, 840.1635, 74.8686, 82.01886, 78.269
    77.64901, 77.64097, 77.19803, 72.48175, 83.45336, 78.99
virgens = c(127.9366, 201.7158, 136.1366, 136.588, 131.721)
    139.6544, 163.589, 139.7455, NA, 141.445, 110.7311, 15
    102.8659, 121.8286, 134.7097, 157.1392, 166.7133)
aventureiros = c(191.3721, 216.1671, 165.438, 196.273, 172)
    189.7674, 160.2968, 208.44, 204.0934, 208.1798, 186.638
    198.6853, 213.8838, 210.1881, 209.9109, 210.9228)
```

vacas = c(121.72355, 103.79754, 130.15442, 98.29305, 103.43)

```
Podemos juntar tudo num dataframe para facilitar

alimento=c(rep("vacas",20),rep("fazendeiros",20),rep("virgo
dragoes = data.frame(x=alimento, y=c(vacas,fazendeiros,virgo
head(dragoes)

## x y

## 1 vacas 121.72355
## 2 vacas 103.79754
## 3 vacas 130.15442
```

: 65.10

1st Qu.: 82.74

Median :125.75

Min.

4 vacas 98.29305 ## 5 vacas 103.43365 ## 6 vacas 102.44998

X

:20

aventureiros:20

fazendeiros :20

summary(dragoes)

vacas

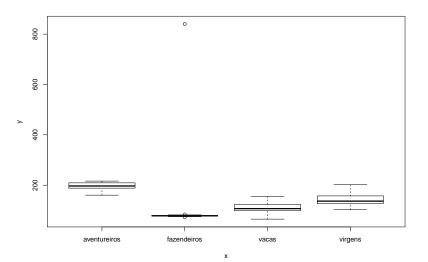
##

##

##

##

plot(dragoes)



Para facilitar suas análises

Formate seus dados sempre que possível da seguinte forma:

- Cada linha uma observação ou indivíduo
- Cada coluna uma variável

```
summary(lm(dragoes$y~dragoes$x))
```

```
## Call:
## lm(formula = dragoes$y ~ dragoes$x)
```

-45.26 -34.50 -6.92 10.08 723.68

dragoes\$xfazendeiros -78.82

- ## ## Residuals:
- Min 1Q Median 3Q ##

##

##

##

```
## Coefficients:
```

Estimate Std. Error t value Pr(>|t ## (Intercept) 19.62 9.957 2.31e-195.31

27.74 -2.841 0.005

Max

Temos problemas

Erros de digitação de dados nos objetos fazendeiros e virgens

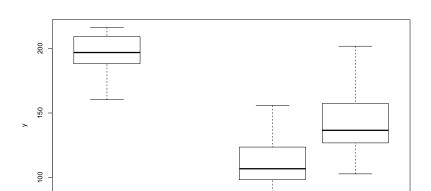
```
max(dragoes[,2])
## [1] NA
max(dragoes[,2], na.rm = T)
## [1] 840.1635
```

Erro na posição do decimal

```
dragoes[dragoes== 840.1635] = 84.01635
max(dragoes[,2],na.rm = TRUE)
```

[1] 216.1671

plot (dragoes)



Para NA, não há remédio

Só verificando o dado original ou removendo

```
mean(dragoes[,2]) ##qualquer cálculo com NA é igual a NA
## [1] NA
```

```
mean(dragoes[,2], na.rm = TRUE)## na.rm = TRUE remove o NA
## [1] 131.363
```

```
aggregate(dragoes$y ~ dragoes$x,FUN = "mean")
```

```
## dragoes$x dragoes$y
## 1 aventureiros 195.3093
## 2 fazendeiros 78.6809
## 3 vacas 110.3509
## 4 virgens 141.6241
```

Para verificar erros de digitação ao trabalharmos com texto, podemos usar a função unique()

local narcela arvore fuste can

##

dados dispníveis em http://ecologia.ib.usp.br/bie5782/c
nomesComErro = read.table("arquivos/caixetaComErro.csv", hc
head(nomesComErro)

65]		11	cap	Tuble	ar vor e	parcera	IOCal		ππ
Myrcia sulfi:	My	80	210	1	1	1	chauas	1	##
Myrcia sulfi:	My	80	170	1	3	1	chauas	2	##
us romanzoff	Syagrus	70	720	1	4	1	chauas	3	##
ebuia cassin	Tabeb	80	200	1	5	1	chauas	4	##
in		170	750	1	6	1	chauas	5	##
Myrcia sulfi:	My	80	320	1	7	1	chauas	6	##

<pre>unique(nomesComErro\$especie)</pre>					
##	[1]	Myrcia sulfiflora	Syagrus romanzoffianus		
##	[3]	Tabebuia cassinoides	indet.1		
##	[5]	myrtaceae4	myrtaceae1		
##	[7]	indet.2	Tabebuia casinoides		
##	[9]	Tabebuia casssinoides	Psidium sp		
##	[11]	Coussapoa micropoda	Tibouchina nutticeps		
##	[13]	myrtaceae2	Callophyllum brasiliensi		
##	[15]	indet.3	Cabralea canjerana		
##	[17]	jussara	Calophyllum brasiliensis		
##	[19]	Pisonia sp	Matayba sp		
##	[21]	Pera glabrata	Persea sp		
##	[23]	Ficus sp	bombacaceae		
##	[25]	Coussapoa macrocarpa	Alchornea triplinervia		
##	[27]	Andira fraxinifolia	Cryptocaria moschata		
##	[29]	Gomidesia sp	eugenia3		
##	[31]	Ilex durosa	Inga sp		
##	[33]	fabaceae1	Simplocos sp		

#podemos também colocar os nomes em ordem alfabética
sort(unique(nomesComErro\$especie))

sort(unique(nomescommerroquespecie))							
##	[1]	Alchornea triplinervia	Andira fraxinifolia				
##	[3]	bombacaceae	Cabralea canjerana				
##	[5]	Callophyllum brasiliensis	Calophyllum brasiliensis				
##	[7]	Cecropia sp	Coussapoa macrocarpa				
##	[9]	Coussapoa micropoda	Cryptocaria moschata				
##	[11]	Cyathea sp	Eugenia oblongata				
##	[13]	eugenia3	fabaceae1				
##	[15]	Ficus sp	Gomidesia sp				
##	[17]	Ilex durosa	Ilex sp				
##	[19]	indet.1	indet.2				
##	[21]	indet.3	Inga sp				
##	[23]	Jacaranda puberula	jussara				
##	[25]	Matayba sp	Mela 1				
##	[27]	Mela 2	Myrcia sulfiflora				
##	[29]	Myrtaceae 3	myrtaceae1				
##	[31]	myrtaceae2	myrtaceae4				
	_	-	•				

```
nomesComErro$especie[nomesComErro$especie=="Tabebuia casing
nomesComErro$especie[nomesComErro$especie=="Tabebuia casss:
sort(unique(nomesComErro$especie))
    [1] Alchornea triplinervia
                                   Andira fraxinifolia
##
##
    [3] bombacaceae
                                   Cabralea canjerana
    [5] Callophyllum brasiliensis
                                   Calophyllum brasiliensis
##
##
    [7] Cecropia sp
                                   Coussapoa macrocarpa
    [9] Coussapoa micropoda
                                   Cryptocaria moschata
##
## [11] Cyathea sp
                                   Eugenia oblongata
## [13] eugenia3
                                   fabaceae1
## [15] Ficus sp
                                   Gomidesia sp
## [17] Ilex durosa
                                   Ilex sp
## [19] indet.1
                                   indet.2
## [21] indet.3
                                   Inga sp
## [23] Jacaranda puberula
                                   jussara
   [25] Matayba sp
                                   Mela 1
   [27] Mela 2
                                  Myrcia sulfiflora
##
## [29] Myrtaceae 3
                                   myrtaceae1
```

Entendendo o comando passo a passo:

##

##

nomesComErro\\$especie[nomesComErro\\$especie=="Tabebuia casinoides"] = "Tabebuia cassinoides" Precisamos saber a posição dos elementos com erro: O comando abixo nos retorna um vetor lógico com as posições de todos elementos "Tabebuia casinoides" dentro do objeto nomesComErro, na coluna especie

nomesComErro\$especie=="Tabebuia casinoides"

```
[12] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
##
##
    [23] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
    [34] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
##
##
    [45] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
##
    [56] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
##
    [67] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
##
    [78] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
    [89] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I
```

[1] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE I

Selecionar o que será substituído:

Usaremos o vetor lógico do comando anterior para acessar os elementos dentro do objeto, usando colchetes []

```
nomesComErro$especie[nomesComErro$especie=="Tabebuia casis
```

```
## factor(0)
## 45 Levels: Alchornea triplinervia Andira fraxinifolia .
```

Este comando retorna apenas os elementos que cumprem a condição (==) dentro do colchete

Substituir

Utilizamos o operador de atribuiçãoo = para trocar os valores indexados nos passos acima

nomesComErro\$especie[nomesComErro\$especie == "Tabebuia cas:

Operações lógicas e comparações

O R permite fazer todo tipo de comparação e teste lógico, abrindo possibilidade de selecionar itens para indexação baseados em diversas condições. os objetos testados podem ser de qualquer tipo

```
Testes lógicos retornam valores TRUE ou FALSE
== é a comparação de igualdade. Leia como é igual a?
!= é a comparação de desigualdade. Leia como é diferente de?
"sorvete" == "feijão" #sorvete é igual a feijão?
## [1] FALSE
(1 + 1) != 2 # um mais um é diferente de dois?
## [1] FALSE
```

42 != "A pergunta da vida, do universo e tudo mais"

[1] TRUE

```
рi
## [1] 3.141593
3.141593
## [1] 3.141593
pi == 3.141593 ### Algo de errado não está certo
## [1] FALSE
i = 0.1
i = i + 0.05
i == 0.15
## [1] FALSE
```

Comparações de igualdade com ponto flutuante

Números decimais são representados internamente como floating point, e a precisão varia de máquina para máquina. Veja mais detalhes em http://floating-point-gui.de/

```
i = i + 0.05
i==0.15
## [1] FALSE
```

i = 0.1

Resumidamente, se você quiser comparar com precisão a igualdade de operações com decimais, use a funçãoo all.equal(). Para comparações do tipo maior/menor, não é preciso se preocupar (muito)

```
i = 0.1

i = i + 0.05

all.equal (i,0.15)
```

Outras comparações

a <= b a é menor ou igual a b? a >= b a é maior que ou igual a b? !x não \times

Operadores lógicos e if()

O R também pode testar duas condições ao mesmo tempo, com os operadores E e OU a & b retorna TRUE se tanto a quanto b forem verdade a \mid b retorna TRUE se pelo menos um, a ou b, for verdade

```
teste = c(1, 2, 2, 3, 4, 5, 6,7)
(teste[1] == 1) & (teste[2] / 2 == 1)
## [1] TRUF.
(teste[1] == 1) & (teste[2] / 3 == 1)
## [1] FALSE
(\text{teste}[2] == 1) \mid (\text{teste}[2] / 2 == 1)
## [1] TRUE
```

Por exemplo, se quisermos todos os dragões que pesam entre 100 e 150 centenas de kilos

dragoes[dragoes\$y >= 100 & dragoes\$y <= 150,]

```
## x y
## 1 vacas 121.7236
## 2 vacas 103.7975
## 3 vacas 130.1544
```

5 vacas 103.4337 ## 6 vacas 102.4500 ## 7 vacas 125.4999

8 vacas 111.0721 ## 9 vacas 113.7405 ## 10 vacas 103.1608 ## 16 vacas 147.4361 ## 17 vacas 114.6081

19 vacas 149.5477 ## 41 virgens 127.9366

18 vacas 109.8743

```
if()
```

```
if() é uma função que permite executar um trecho de código se, e
somente se, uma dada condição for verdadeira
if(condição) {código a ser executado}
Sempre coloque o código a ser executado dentro de chaves
teste.de.normalidade = shapiro.test(dragoes$y)
if (teste.de.normalidade$p.value >= 0.05) {
  fit = aov (dragoes$y ~ dragoes$x)
  summary(fit)
  }
```

Fazendo a mesma coisa várias vezes

9

16

25

36

10

se precisamos repetir uma tarefa várias vezes, usamos o $laço\ (loop)$

```
for (i in 1:10){
   a = i^2
   message(a)
}
## 1
## 4
```

i é chamado deíndice. Pode ser qualquer letra ou expressão, é utilizado para contar quantas vezes o laço foi executado 1:10 1 é o

valor inicial de i, 10 é o valor final. (i in 1:10) significa comece

com i = 1, e vá aumentando de um em um até 1 = 10 O bloco entre {} será executado enquanto a condição for verdadeira Para ler vários arquivos:

```
arquivos = list.files() #lê os nomes dos arquivos no dire-
for (i in 1:length(arquivos)){
#resultados[i] = read.csv(arquivos[i])
   message(arquivos[i])
}
```

Para plotar vários objetos separadamente

```
niveis =levels(dragoes$x)
i=1
for (i in 1:length(niveis)){
  nome=paste("figuras/",niveis[i],".png")#prepara o nome do
  png(filename = nome)#prepara para gravar arquivo tipo png
  plot(dragoes[dragoes$x==niveis[i],]$y)#escreve o arquivo
  dev.off()#salva o arquivo
```