### Aula 4 - Visualização de dados

Vitor Rios

11 de novembro de 2017

# Visualizar seus dados pode ser a parte mais importante da sua análise

Fazer gráficos no R pode dar (muito) trabalho, mas os resultados valem a pena

Gráficos no R são baseados em dispositivos. O dipositivo padrão é a tela, mas podem ser arquivos, cada tipo de arquivo gráfico sendo um dispositivo diferente

No RStudio, gráficos são plotados na aba plots, mas podem ser abertos em janelas separadas, usando a função x11() (Linux e Windows), windows() (Windows somente) ou quartz() (Macintosh)

Os tipos padrão de gráficos disponíveis são postscript() para arquivo postscript, extensão .ps ou .eps pdf() salva o gráfico num arquivo .pdf pictex() salva o gráfico no formato LaTeX/PicTeX

xfig() salva o gráfico no formato .XFIG
bmp(), bitmap() salva um arquivo .bitmap (precisa de GhostScript instalado).
X11() plota numa janela via sistema gráfico X11
png() salva o gráfico no formato .PNG tiff() salva o gráfico no formato .tiff
jpeg() salva o gráfico no formato .jpg svg() salva o gráfico no formato .svg

### Gravando o gráfico num arquivo

```
# Chame o tipo de arquivo desejado, passando informações de tamanho, resol
png("SocialNetworkExample.png", width = 900, height = 900)
#plote seu gráfico normalmente, ele será escrito no arquivo e não irá apar
plot(graph.subset,
     layout= layout nicely(graph=graph.subset),
     vertex.label=NA.
     vertex.color=colors[membership(graph.subset.modulos)],
     vertex.size = 5,
#feche o dispositivo, usando dev.off(), senão o arquivo ficará corrompido
dev.off()
```

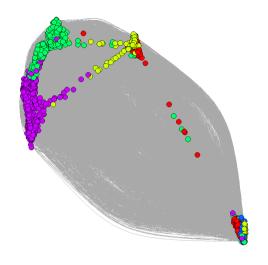
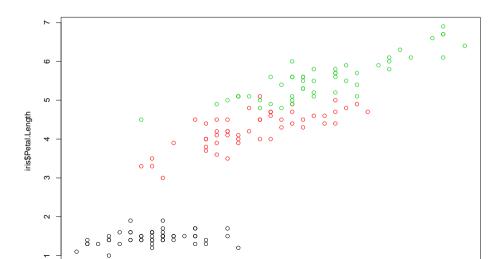


Figure 1: Grafo

Função básica e poderosa (e feia): plot()
plot(x= iris\$Sepal.Length, y=iris\$Petal.Length,col=iris\$Species)



# A função plot() tem dezenas de opções para controlar cada detalhe mínimo do gráfico

Principais: - x - y - type - main - xlab - ylab - xlim - ylim xaxt bty pch cex

Parâmetro	Controla	valores	
×	valores a serem		
	plotados em x		
у	valores a serem		
	plotados em x		
type	tipo de gráfico	"p","l","b"	
	(ponto, linhas,		
	etc)		
Ity	tipo de linha	"blank",	
	(pontilhada,	"solid",	
	tracejada, etc)	"dashed",	
		"dotted",	
		"dotdash",	
		41 1 1 1	

Parâmetro	Controla	valores
main	título do gráfico	"texto entre
		aspas"
xlab	rótulos do eixo	"texto entre
	X	aspas"
ylab	rótulos do eixo	"texto entre
	У	aspas"
cex	tamanho das	$cex = 1 \mathrel{-}\!\!>$
	letras, em	100%, cex $=$
	proporção	0.5 ->50%,
		etc
cex.axis, cex.lab,	eixos, rotulos	cex.axis = 1
cex.main	dos eixos, título	-> 100 <b>%</b> ,
		cex.axis = 0.5
		- $>$ 50%, etc
bty	linhas de	"o", "I", "7",
	contorno do	"c", "u", "]",
	gráfico	"n"

# Função par() e função axis()

par() estabelece os parâmetros para todos os gráficos que se seguem a ela exceto parâmetros de intervalo de dados a serem plotado. Usada para definir gráficos com vários painéis, margens e área do gráfico. Usada antes de qualquer plot() axis() define todos os parâmetros para os eixos, usada depois de plot(dados, xaxt = "n") (para eixo x) ou plot(dados, yaxt = "n") (para eixo y) par(mfrow=c(1,2)) #linhas, colunas plot(x=iris\$Sepal.Length, y=iris\$Petal.Length, #primeiro gráfico col = iris\$Species, main = "Sepal.Length x Petal.Length") plot(x=iris\$Sepal.Length, y=iris\$Sepal.Width, #segundo gráfico col = iris\$Species, main = "Sepal.Length x Sepal.Width in Iris")

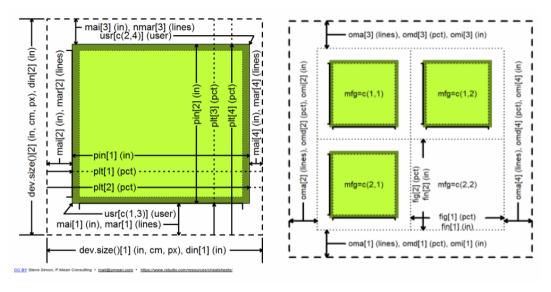


Figure 2: fonte:https://www.rstudio.com/resources/cheatsheets/

## Funções que adicionam elemento a gráficos

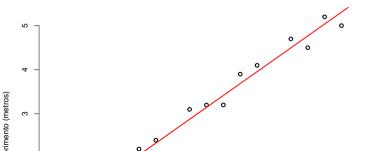
```
abline() adiciona uma linha, definida por intercepto e inclinação, ou por valores de posição horizontal (h) e vertical (v)
```

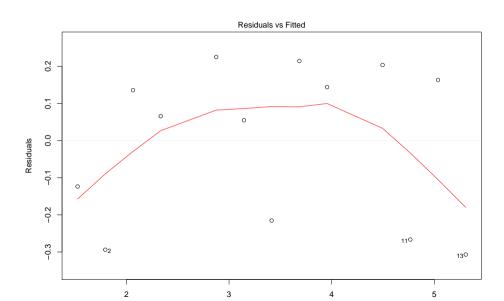
```
segments ((x0, y0, x1, y1) adiciona um segmento indo de (x0,y0) até (x1,y1)
```

arrows(x0, y0, x1, y1, length, angle = 30) adiciona uma seta a um gráfico. lengthé o comprimento da seta e angle é o angulo da ponta da seta

points(x, y, pch) adiciona pontos nas coordenadas x e y. pch é o tipo de simbolo utilizado

```
plot(TamanhoDaAsa ~ Idade, xlab = "Idade (décadas)",
     vlab = "Comprimento (metros)",
     main = "Tamanho da asa"
     , bty = "n"
     , x \lim = c(0, 23), y \lim = c(0, max(TamanhoDaAsa))
     1 wd = 2
abline(modelo, col = "red", lwd = 2)
                             Tamanho da asa
```





# Para plotar médias com barras de desvio padrão

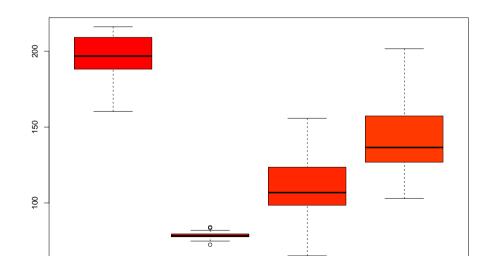
sdev=c(s1,s2,s3,s4)

m1=mean(dragoes\$y[dragoes\$x=="aventureiros"]);m2=mean(dragoes\$y[dragoes\$x==m3=mean(dragoes\$y[dragoes\$x=="vacas"]);m4=mean(dragoes\$y[dragoes\$x=="virgess1=sd(dragoes\$y[dragoes\$x=="aventureiros"]);s2=sd(dragoes\$y[dragoes\$x=="fas3=sd(dragoes\$y[dragoes\$x=="vacas"]);s4=sd(dragoes\$y[dragoes\$x=="virgens"]avg=c(m1,m2,m3,m4)

plot(x= 1:4, y= avg,cex=1.5,pch=16, col=1:4,ylim=range(c(avg-sdev, avg+sdev arrows(x0=1:4, y0=avg-sdev, x1=1:4, y1=avg+sdev, length=0.05, angle=90, colabline(h=mean(avg), col="red")#media total

### **Boxplot**

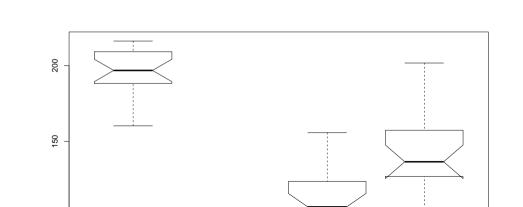
boxplot(dragoes\$y ~ dragoes\$x, col=rainbow(length(dragoes\$x)))



A função boxplot permite comparar os intervalos de confiança 95% das medianas: se os entalhes não se sobrepuserem, há forte evidência de que as medianas são diferentes

## Warning in bxp(structure(list(stats = structure(c(160.2968, 188.2027, ## 196.819, : some notches went outside hinges ('box'): maybe set notch=FA

boxplot(dragoes\$y ~ dragoes\$x, notch=T)



#### Função aggregate()

##

A função summary nos dá muitas informações sobre a estrutura dos nossos dados, mas tudo. Em particular, desvio padrão, erro padrão da média, curtose, e assimetria devem ser calculados à mão, principalmente se quisermos essas estatísticas agrupadas por níveis de um fator. Para isso usamos a função aggregate()

```
x é a coluna do dataframe que ser quer agrupar
by é a coluna que contém os níveis dos grupos que se quer usar
FUN é a função que se quer aplicar nos grupos, sem parênteses
... são os argumentos que serão passados para a função FUN
```

media.por.comida = aggregate(x=dragoes\$y,by = list(dragoes\$x), FUN = mean,
media.por.comida

```
## 1 aventureiros 195.3093
## 2 fazendeiros 78.6809
## 3 vacas 110.3509
```

Group.1

aggregate(x, by, FUN, ...)

```
files to read=list.files(pattern = reg.exp)
if (length(files to read)!=0)
  for (r in 1:(length(files to read)))
  {temp valores replicas[,r] <- read.table(files to read[r], header = FAL</pre>
  graphtype=NA#creating plot names
  if(type=="g"){graphtype=" with general recognition "}
  if (type=="i") {graphtype=" with Individual Recognition "}
  if (type=="nr") {graphtype=" with No Recognition "}
  plotname =paste(metrica,graphtype, ", mundo = ", world_size, ", mem leng
  if("plots"%in%dir() == FALSE) dir.create("plots") #se não existir, cria di
  #C:/Users/Vitor/Desktop/100replicas/resultados
  filename = file.path("C:", "Users", "Vitor", "Desktop", "100replicas", "r
  tiff(filename ,width = 7.5 ,height = 5,units = "in"
       ,res=300, compression = "lzw",type="cairo", antialias = "default"
  y=max(temp valores replicas,na.rm = TRUE)+1
  par(mar=c(4.5.1.2)+0.1)
```