«objs:each(obj)»

«obj.is\_reaction:if»

**«=obj.short\_label» Reaction: «=obj.title»** «@obj.status:start»****«@obj.status:end»

**Collections:** «=obj.collections»

«rxn\_settings.diagram:if»

«configs.whole\_diagram:if»

«$$obj.equation\_reaction:start»«$$obj.equation\_reaction:end»

«configs.whole\_diagram:endIf»

«configs.product\_diagram:if»

«$$obj.equation\_products:start»«$$obj.equation\_products:end»

«configs.product\_diagram:endIf»

«rxn\_settings.diagram:endIf»

«rxn\_settings.material:if»

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | Formula | Mol mass | Mass [g] | Volume [mL] | Density [g/mL] | mmol | Equiv/yield |

«obj.starting\_materials:each(s)»

«=s.iupac\_name» («=s.short\_label»)

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| S | «=s.formular» | «=s.mol\_w» | **«=s.mass»** | «=s.vol» | «=s.density» | «=s.mol» | «=s.equiv» |

«obj.starting\_materials:endEach»

«obj.reactants:each(r)»

«=r.iupac\_name» («=r.short\_label»)

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| R | «=r.formular» | «=r.mol\_w» | **«=r.mass»** | «=r.vol» | «=r.density» | «=r.mol» | «=r.equiv» |

«obj.reactants:endEach»

«obj.products:each(p)»

«=p.iupac\_name» («=p.short\_label»)

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| P | **«=p.formular»** | «=p.mol\_w» | **«=p.mass»** | «=p.vol» | «=p.density» | «=p.mol» | «=p.equiv» |

«obj.products:endEach»

**Solvent(s):** «=obj.solvents»

«rxn\_settings.material:endIf»

«rxn\_settings.description:if»

**Description:**

«=obj.description»

«rxn\_settings.description:endIf»

«rxn\_settings.purification:if»

**Type of Purification:** «=obj.purification»

«rxn\_settings.purification:endIf»

«rxn\_settings.dangerous\_products:if»

**Dangerous Products:** «=obj.dangerous\_products»

«rxn\_settings.dangerous\_products:endIf»

«rxn\_settings.tlc:if»

**TLC control:** «obj.show\_tlc\_rf:if»Rf-value: «=obj.tlc\_rf» «obj.show\_tlc\_rf:endIf»«obj.show\_tlc\_solvent:if» (Solvent: «=obj.tlc\_solvent»)«obj.show\_tlc\_solvent:endIf»

«=obj.tlc\_description»

«rxn\_settings.tlc:endIf»

«rxn\_settings.observation:if»

**Observation:**

«=obj.observation»

«rxn\_settings.observation:endIf»

«rxn\_settings.analysis:if»

**Analysis:**

«obj.analyses:each(analysis)»

«=analysis.sample» («=analysis.kind»)

«=analysis.content»

«=analysis.description»

«obj.analyses:endEach»

«rxn\_settings.analysis:endIf»

«rxn\_settings.literature:if»

**Literature:**

«obj.literatures:each(literature)»

«=literature.title»

«=literature.url»

«obj.literatures:endEach»

«rxn\_settings.literature:endIf»

«configs.page\_break:if»

«obj.not\_last:if»

«obj.not\_last:endIf»

«configs.page\_break:endIf»

«obj.is\_reaction:endIf»

«obj.is\_sample:if»

**«=obj.title»**

«spl\_settings.collection:if»**Collections: :** «=obj.collections»«spl\_settings.collection:endIf»

«spl\_settings.diagram:if»

«$$obj.structure:start»«$$obj.structure:end»

«spl\_settings.diagram:endIf»

«spl\_settings.analyses:if»

«=obj.analyses»

«spl\_settings.analyses:endIf»

«configs.page\_break:if»

«obj.not\_last:if»

«obj.not\_last:endIf»

«configs.page\_break:endIf»

«obj.is\_sample:endIf»

«objs:endEach»