Разработка биоинформатической платформы для анализа молекулярного профиля опухоли

Горохов Н.С.

научный руководитель: Пятницкий Михаил Алексеевич

11 мая 2020 г.

Цель

Разработка ряда программных компонент биоинформатической платформы предназначенной для анализа молекулярного профиля опухоли

Задачи

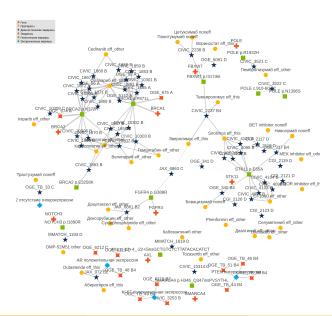
- Реализовать контроль качества результатов NGS для проверки пригодности уровня покрытия интересующих нас участков ДНК (с известной клинической значимостью)
- Разработка ПО для визуализации внутреннего представления результатов обработки молекулярного профиля опухоли
- Разработка ПО для автоматического формирования печатного представления итогового заключения
- Сравнительный анализ ручной и автоматической обработки молекулярного профиля опухоли путем сравнения списков потенциально эффективных препаратов

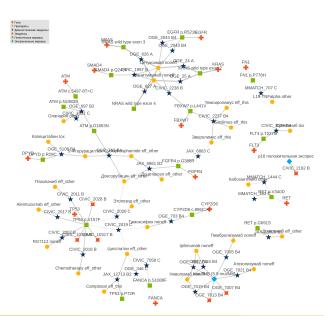
План

- Литературный обзор
 - Прецизионная онкология
 - ► NGS (панели)
 - Обзор других платформ
- Описание платформы
 - Пайплайн
 - ▶ Внутренняя структура (json)
 - База данных эвиденсев
- Задачи
 - ► сделать CACAO quality control
 - ▶ сделать GALAXY
 - генерация заключения
 - сравнительный анализ
- Результаты
 - Реализация написанных утилит

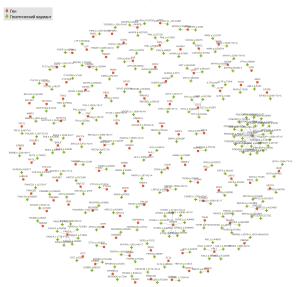
Прогресс

- Литературный обзор
 - Прецизионная онкология
 - ► NGS (панели)
 - ▶ Обзор других платформ
- Описание платформы
 - Пайплайн
 - ▶ Внутренняя структура (json)
 - ▶ База данных эвиденсев
- Задачи
 - ► сделать CACAO quality control
 - ► сделать GALAXY
 - ▶ генерация заключения
 - сравнительный анализ
- Результаты
 - ▶ Реализация написанных утилит

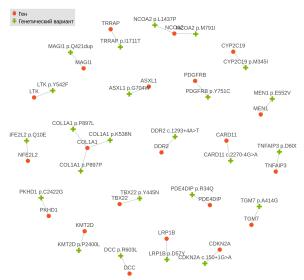




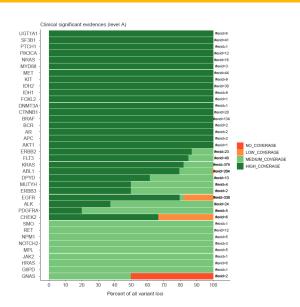




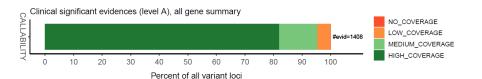
Варианты с неизвестной значимостью



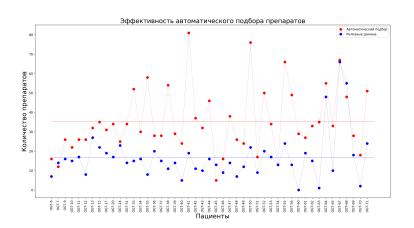
CACAO



CACAO

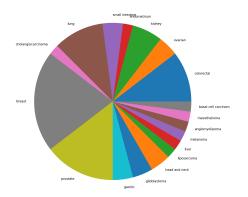


Результаты



Эффективность автоматической аннотации

Распределение заболеваний



Распределение заболеваний