

D_0_Archaea:D_1_Diapherotrites:D_2_Diapherotrites Incertae Sedis
D_0_Archaea:D_1_Euryarchaeota:D_2_Methanobacteria
D_0_Archaea:D_1_Euryarchaeota:D_2_Methanomicrobia
D_0_Archaea:D_1_Euryarchaeota:D_2_Thermoplasmata
D_0_Archaea:D_1_Miscellaneous Euryarchaeotic Group(MEG):D_2_uncultured archaeon
D_0_Archaea:D_1_Parvarchaeota:D_2_uncultured archaeon
D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_FHM11 terrestrial group
D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_Soil Crenarchaeotic Group(SCG)
D_0_Archaea:D_1_Thaumarchaeota:D_2_South African Gold Mine GP 1(SAGMG-1)
D_0_Archaea:D_1_Woesearchaeota (DHVEG-6):D_2_uncultured archaeon
D_0_Archaea:D_1_Woesearchaeota (DHVEG-6):D_2_uncultured euryarchaeote
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_AT-32-28
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Acidobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Blastocatella
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Holophagae
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Solibacteres
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 11
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 12
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 13
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 15
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 17
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 18
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 19
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 2
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 20
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 21
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 22
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 25
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 5
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 6
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_Subgroup 9
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:D_2_uncultured Acidobacteria bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Acidobacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Acidimicrobia
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Actinobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Coriobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_XIST-JY1010
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_MB-A2-108
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Nitriluptoria
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Rubrobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_TakashiAC-B11
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:D_2_Thermolepholia
D_0_Bacteria:D_1_Actinobacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Aminicenantates:D_2_Armintated bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_Armatimonadia
D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_Cthnonomadetes
D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_Fimbrimonadia
D_0_Bacteria:D_1_Armatimonadetes:D_2_uncultured
D_0_Bacteria:D_1_BJ-169:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_BRC1:D_2_uncultured organism
D_0_Bacteria:D_1_BRC1:D_2_uncultured organism
D_0_Bacteria:D_1_BRC1:Other
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes BD2-2
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes Incertae Sedis
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes VC2.1 Bac22
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidetes vadinHA17
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Bacteroidia
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Cytophagia
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Flavobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_SB-5
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_SM1A07
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_Sphingobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:D_2_WCHB1-32
D_0_Bacteria:D_1_Bacteroidetes:Other
D_0_Bacteria:D_1_Candidatus Berkelbacteria:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Candidatus Berkelbacteria:D_2_uncultured soil bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Candidatus Berkelbacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Chlamydiae:D_2_Chlamydiae
D_0_Bacteria:D_1_Chlamydiae:D_2_LD1-PA32
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Chlorobia
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_2-20
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Anacolineae
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Ardenticatenia
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Caldilineae
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Chloroflexia
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Elev-1554
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Gitt-GS-136
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_JG30-KF-CM66
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_JG37-A6-4
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_KD4-96
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Ksted-D_2_Deinococci
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_MSB-5E12
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_NLS2-31
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_P2-11E
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_S085
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_SAR202 clade
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_SBR276
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_SHA-26
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_SJA-15
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_TK10
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_Thermomicrobia
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:D_2_uncultured Beilinia sp.
D_0_Bacteria:D_1_Chlorobi:Other
D_0_Bacteria:D_1_Cyanobacteria:D_2_Chloroplast
D_0_Bacteria:D_1_Cyanobacteria:D_2_Cyanobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Cyanobacteria:D_2_MLG35-21
D_0_Bacteria:D_1_Cyanobacteria:D_2_Melainobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Deferribacteres:D_2_Deferribacteres Incertae Sedis
D_0_Bacteria:D_1_Deinococcus-Thermus:D_2_Deinococci
D_0_Bacteria:D_1_Elusimicrobia:D_2_Elusimicrobia
D_0_Bacteria:D_1_FBP:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_FBP:D_2_uncultured soil bacterium
D_0_Bacteria:D_1_FBP:Other
D_0_Bacteria:D_1_FCPU426:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Fibrobrates:D_2_Chitinivibria
D_0_Bacteria:D_1_Fibrobrates:D_2_Fibro bacteria
D_0_Bacteria:D_1_Firmicutes:D_2_Bacilli
D_0_Bacteria:D_1_Firmicutes:D_2_Clostridia
D_0_Bacteria:D_1_Firmicutes:D_2_Erysipelotricha
D_0_Bacteria:D_1_Firmicutes:D_2_Limnochordia
D_0_Bacteria:D_1_Firmicutes:D_2_Negativicutes
D_0_Bacteria:D_1_Fusobacteria:D_2_Fusobacteria
D_0_Bacteria:D_1_GAL15:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Gemmatimonadetes:D_2_AKAU0409
D_0_Bacteria:D_1_Gemmatimonadetes:D_2_BD2-11 terrestrial group
D_0_Bacteria:D_1_Gemmatimonadetes:D_2_Gemmatimonadetes
D_0_Bacteria:D_1_Gemmatimonadetes:D_2_Gemmatimonadetes
D_0_Bacteria:D_1_Gemmatimonadetes:D_2_S0134 terrestrial group
D_0_Bacteria:D_1_Gracilbacteria:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Gracilbacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Hydrogenedentes:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Hydrogenedentes:D_2_uncultured organism
D_0_Bacteria:D_1_Hydrogenedentes:Other
D_0_Bacteria:D_1_Ignavibacteriae:D_2_Ignavibacteria
D_0_Bacteria:D_1_Latescibacteria:Ambiguous_taxa
D_0_Bacteria:D_1_Latescibacteria:D_2_Latescibacteres Incertae Sedis
D_0_Bacteria:D_1_Latescibacteria:D_2_uncultured Latescibacteria bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Latescibacteria:D_2_uncultured Pelobacter sp.
D_0_Bacteria:D_1_Latescibacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Lentisphaerae:D_2_Oligosphaeria
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_Candidatus Curtisbacteria
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_Candidatus Daviesbacteria
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_Candidatus Pacebacteria
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_Candidatus Verrucobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_uncultured candidate division WS6 bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:D_2_uncultured soil bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Microgenomates:Other
D_0_Bacteria:D_1_Nitrospirae:D_2_Nitrospira
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:D_2_Omnitrophica Incertae Sedis
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:D_2_uncultured Firmicutes bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:D_2_uncultured Omnitrophica bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:D_2_uncultured Verrucimicrobia bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Omnitrophica:Other
D_0_Bacteria:D_1_PAUC34f:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Adlerbacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Azambacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Campbellbacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Giovannibacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Magasanikbacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Verrucobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus Numarabacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_Candidatus URBacteria
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_uncultured Parcubacteria group bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Parcubacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Peregrinibacteria:D_2_Candidatus Peribacteria
D_0_Bacteria:D_1_Peregrinibacteria:D_2_uncultured bacterium
D_0_Bacteria:D_1_Peregrinibacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_02BH05-P-BN-P5
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_B07-11
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_OM190
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_Phycisphaerae
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_Pla3 lineage
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_Pla4 lineage
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_Planctomycetia
D_0_Bacteria:D_1_Planctomycetes:D_2_vadinHA49
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Alphaproteobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Betaproteobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Deltaproteobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Epsilonproteobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Gammaproteobacteria
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_JTB23
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_Proteobacteria Incertae Sedis
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:D_2_SPT05COT00m83
D_0_Bacteria:D_1_Proteobacteria:Other
D_0_Bacteria:D_1_RG6-