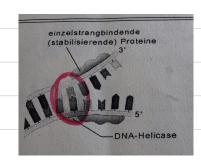
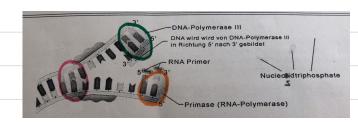
DNA - Replikation

Der DNA-Doppelstrang wird in der Replikation verdoppelt. Dazu wird der Doppelstrang getrennt. Die beiden Einzelstränge können daraufhin mit den passenden Nucleotiden ergänzt werden, sodass letztendlich zwei DNA-Doppelstränge entstehen. Der Replikationsursprung (origin) wird von einem Proteinkomplex erkannt und so vorbereitet, sodass das Enzym Helicase wirken kann. Auf der Abbildung ist eine sogenannte DNA-Helicase zu sehen, wie sie die DNA-Doppelhelix in zwei Einzelstränge aufteilt. Sie löst dazu die Wasserstoffbrückenbindungen zwischen den Basen und verbraucht dabei ATP. Damit sich die Einzelstränge Nicht wieder hinden werden sie von einzelstrangbindenden Proteinen stabilisiert.

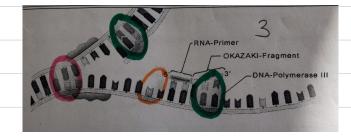


Nun sollen die beiden Einzelstränge mit den passenden Nucleotiden ergänzt werden. Die Pucleotide, die zur Synthese der neuen Ketten gebraucht werden, liegen in Form von Nucleosidtriphosphaten vor. Sie haben also drei Phosphatgruppen, wovon sie zwei abgeben wenn sie Nucleotide werden. Dadurch wird Energie frei, die die Enzyme brauchen, um den nächsten Nucleotid mit der Kette zu verknüpfen. Dies funktioniert beim oberen Strang relativ einfach:

Das Enzym DNA-Polymerase III verknüpft Nucleotide mit den komplementären Basen zu einer Nucleotid-kette. Dabei entsteht der sogenannte Leitstrang. Er wird von der DNA-Polymerase in die Richtung vom 5'-nach 3'-Ende hergestellt. Der Folgestrang (unten) wird dagegen komplizierter gebildet: Die DNA-Polymerase arbeitet nur von der 5' zur 3' Richtung. Das bedeutet, dass sie auf dem unteren Einzelstrang nicht so einfach am Ende beginnen kann. Sie muss einen Anschluss mitten auf dem Einzelstrang finden. Dazu gibt ein anderes Enzym, die Primase (RNA-Polymerase) eine Starthilfe. Sie verknüpft einige RNA-Nucleotide und bildet somit den RNA-Primer. Rimsse = Ster-Miles, die Zun Nucleotide und bildet somit den RNA-Primer.



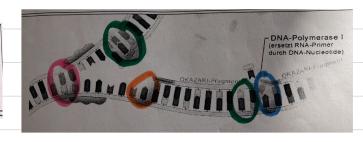
Während der Leitstrang (oben) kontinuierlich weiterproduziert wird, bietet der Primer nun einen Anknüpfungspunkt für die DNA-Polymerase III, von dort aus DNA-Nucleotide miteinander zu verknüpfen. Die dabei entstehende Kette nennt man nach ihrem Entdecker OKAZAKI-Fragment.



In der Nähe des Replikationsursprungs synthetisieren Primase und DNA-Polymerase III weitere OKAZAKI-Fragmente. Diese erreichen dann schließlich den Primer des jeweils nächsten OKAZAKI-Fragments



DNA-Polymerase I last ena-Nicleotide his RNA-Primity and essetted sie aurch Dut - wcleatide. Was nun stört, ist der RNA-Primer am OKAZAKI-Fragment, denn er besteht aus RNA-Nucleotiden. Darum wirkt DNA-Polymerase I, indem sie die RNA-Nucleotide löst und sie durch DNA-Nucleotide ersetzt.



Die Einzelnen OKAZAKI-Fragmente werden von der DNA-Ligase, einem weiteren Enzym, miteinander verknüpft. Hier ist außerdem zu sehen, wie die Primase einen weiteren Primer synthetisiert. Daraufhin wird ein weiteres OKAZAKI-Fragment entstehen und die Primer werden durch DNA-Nucleotide ersetzt. Dieser kleinschrittige Vorgang am Folgestrang (der untere Strang) spielt sich also immer wieder ab, bis die ganze DNA repliziert ist.



4. Ander Replikation beteiligten Enzyme:

Helicases Entspiralisiert und öffnet den Doppelstrong und teilt ihn in eine Replikationsgabel. Hierbei 1
16st es die Wasserstoffbrückenbindungen zwischen den Basen und verbraucht dabei ATP.

DNA-Polymerase III: Der deitstrang wird an

seinem 3'-Ende kontinuierlich verlängert, indem das

Enzym Wcleotide mit den komplementären Basen

w einer Wcleotid - Kette verknüpft. Verlängett

die OKAZUKI - Fragmente an deren 31-Ende.

Primase: Fungiert als Starthilfe, um einen Anschlust

auf dem Einzelstrang zu finden. Hierzu verknüpft

es einige RNA-Nucleotide und bildet einen RNA
Primex.

DNA-Polymerase I: Da ver ena-primer aus ena-Lucisotides Desaelot wirth es, um die RNA-NULOOFIDE de 20 16ses and diese durch ONA-Nuleofide qu'esetzen.

DUA - digase: Es vertenipet die einzelnen] 6 OKAZAKI - Fragmente miteinander.