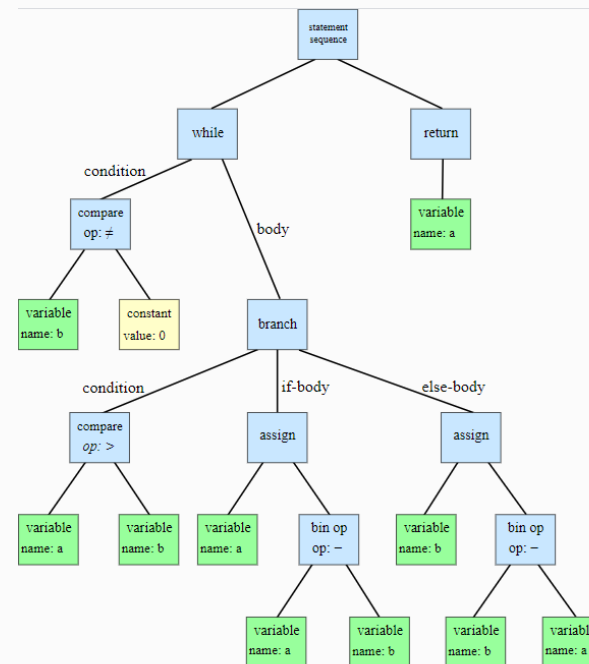
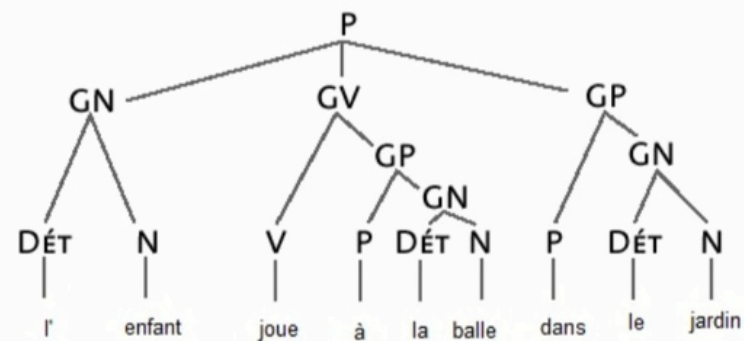
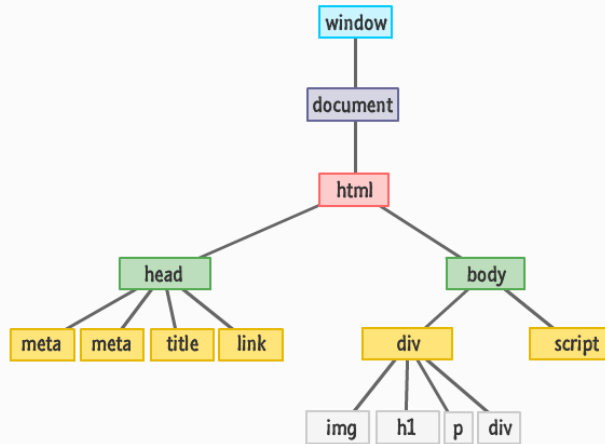
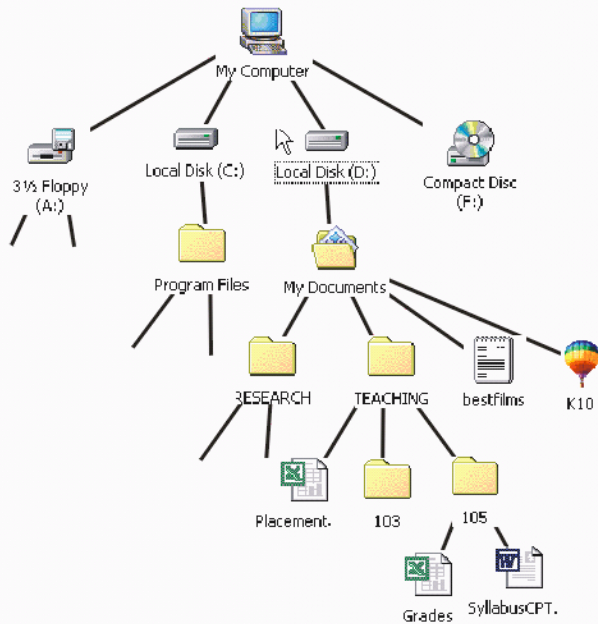


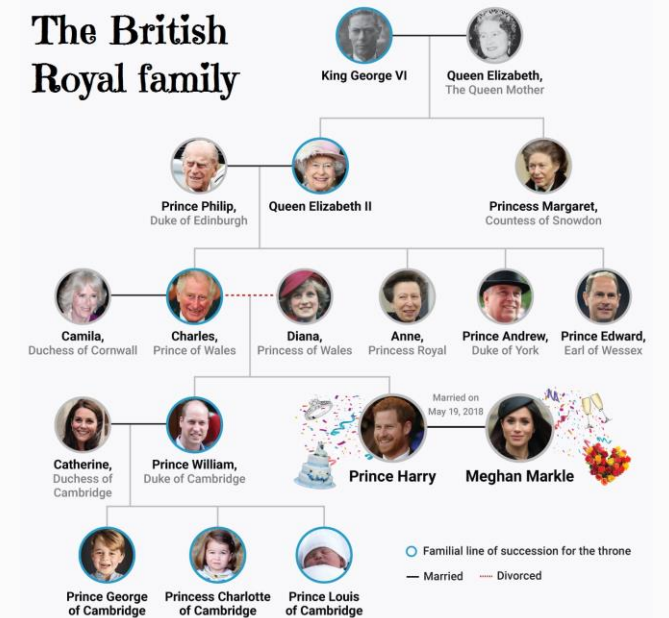
Ch. 5 : Arbres

Structures arborescentes

NOMBREUX USAGES EN INFORMATIQUE

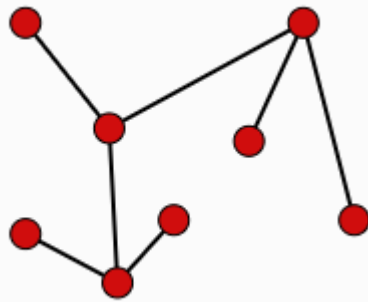


The British Royal family

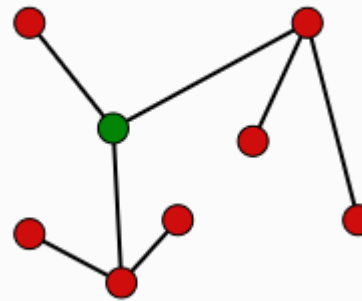


Arbre

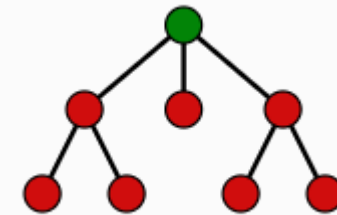
- mathématiques : *graphe* **connexe** (= « en un morceau ») et **sans cycle**
- informatique : arbre **enraciné** ou **arborescence**



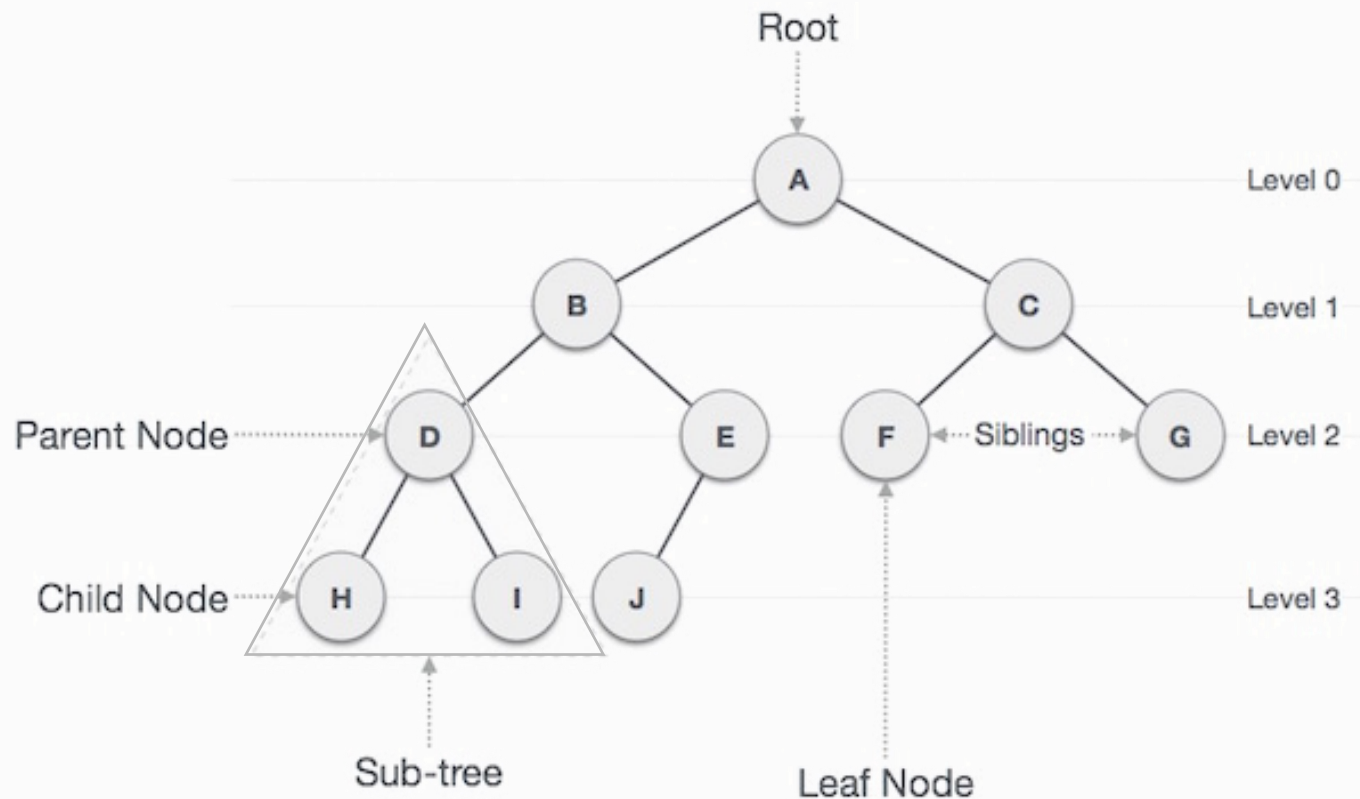
arbre



arbre enraciné ou arborescence



💡 Un arbre est une généralisation d'une liste chaînée



Racine

nœud au sommet de l'arbre

Parent

nœud avec un enfant

Frères

nœuds ayant le même parent

Feuilles

nœuds sans enfant

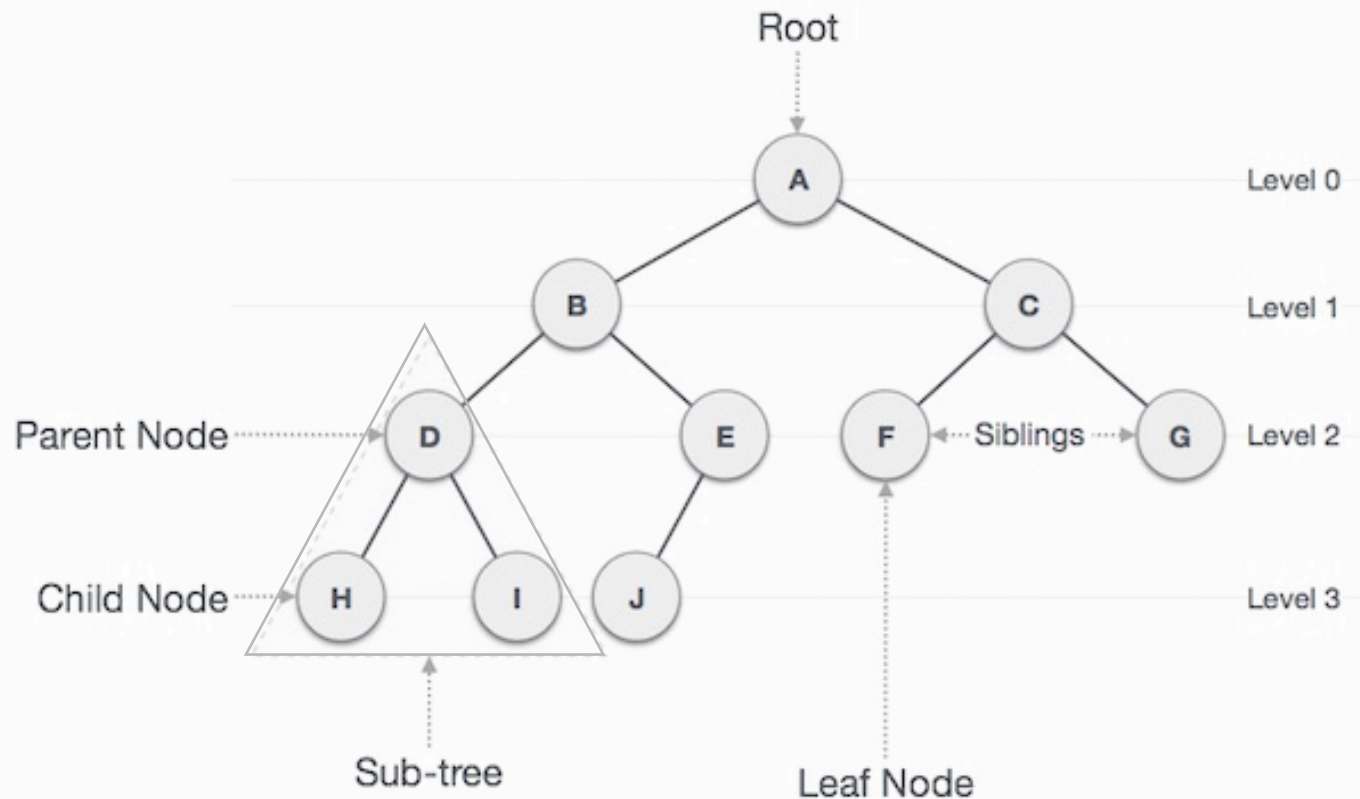
Taille de l'arbre

nombre de nœuds dans l'arbre

Arête

lien entre deux nœuds voisins

Propriété : un arbre est une structure de données récursive



Chemin succession d'arêtes adjacentes

Longueur d'un chemin nombre d'arêtes du chemin

Niveau k nœuds à distance k de la racine

Profondeur d'un nœud longueur du chemin (direct) entre la racine et ce nœud

Hauteur d'un nœud longueur du plus long chemin entre ce nœud et une feuille

Hauteur de l'arbre Hauteur de la racine

Propriété : deux nœuds d'un arbre sont reliés par un unique chemin (direct ou *élémentaire*)

Opérations classiques (penser à un système de fichiers)

- Enumérer tous les éléments de l'arbre
- Enumérer les éléments d'un sous-arbre
- Rechercher un élément
- Ajouter un élément
- Ajouter un sous-arbre (greffage ou *grafting*)
- Supprimer un élément
- Supprimer un sous-arbre (élagage ou *pruning*)
- Trouver l'ancêtre commun le plus proche de deux nœuds

💡 Applications : logiciels de généalogie, ou dans les compilateurs de langages orientés objet avec héritage pour déterminer la classe mère commune la plus proche de deux classes



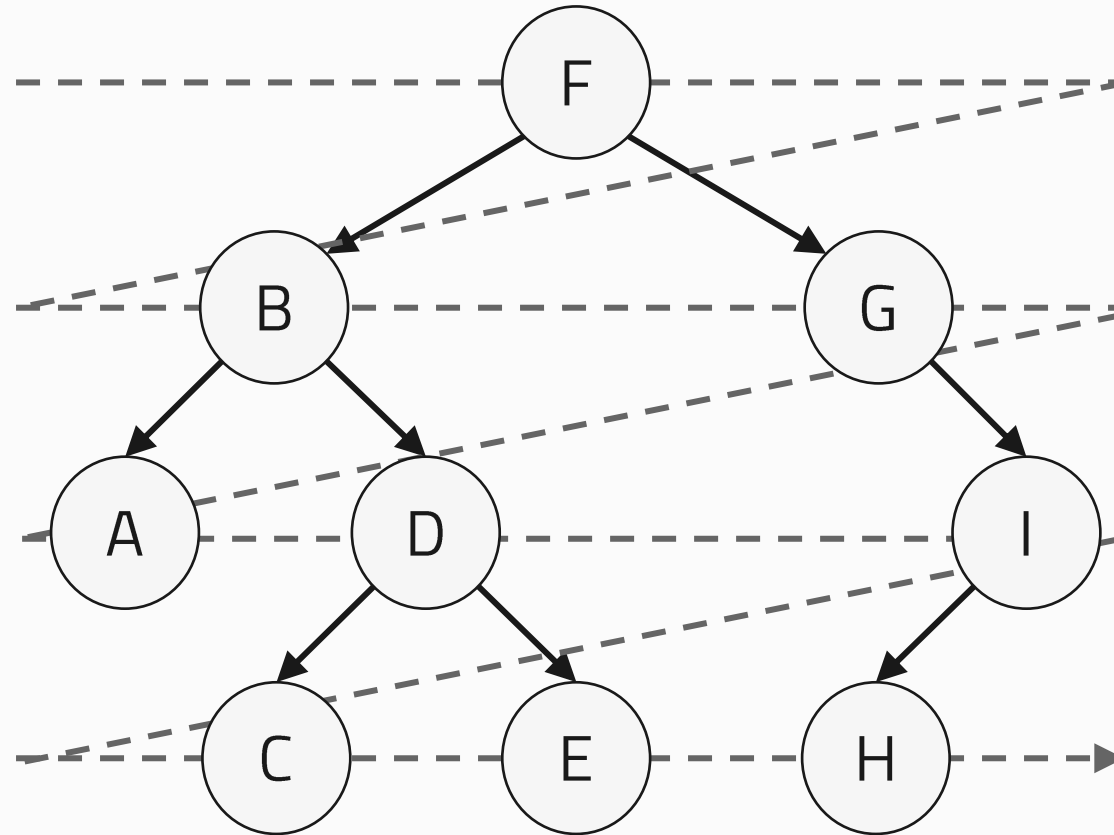
Un arbre est une structure de données *non linéaire* :
il existe donc plusieurs manières de parcourir ses
éléments



Parcours en largeur

OU BFS (BREADTH-FIRST SEARCH)

Principe : on parcourt les nœuds **niveau par niveau**, de gauche à droite :



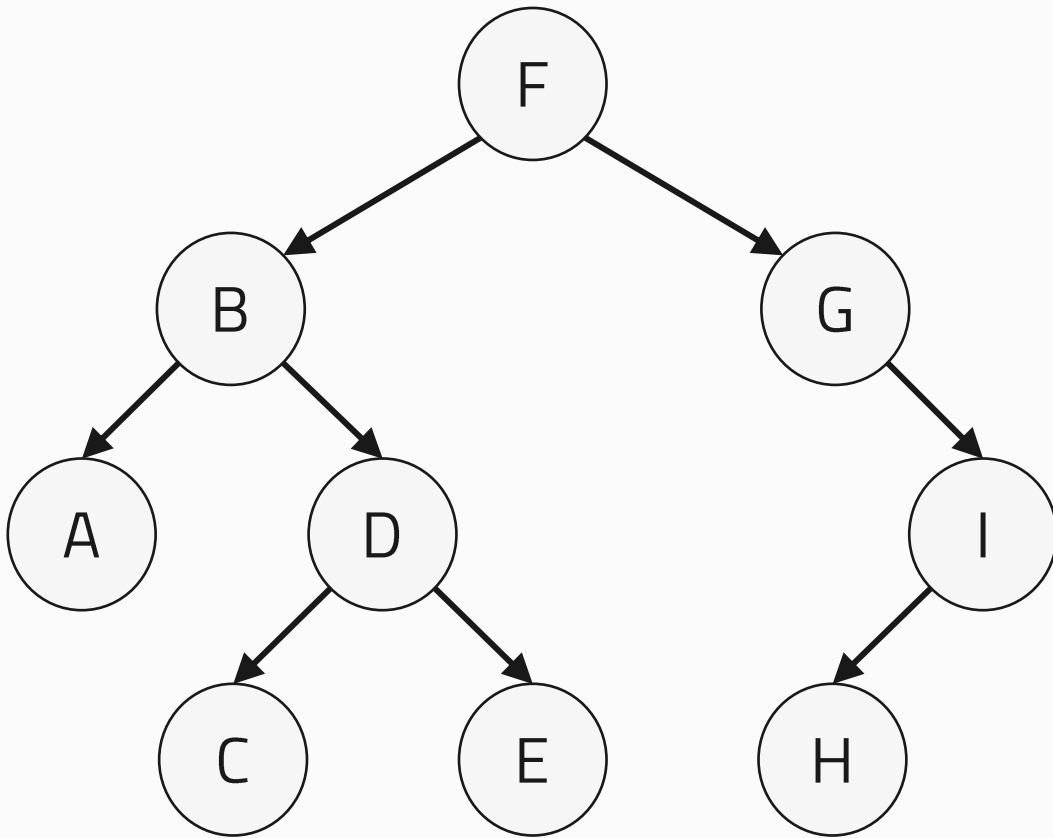
Ordre de parcours :

F B G A D I C E H

Parcours en largeur

OU BFS (BREADTH-FIRST SEARCH)

Implémentation itérative : on utilise une *file* pour mémoriser les nœuds à visiter



File d'attente



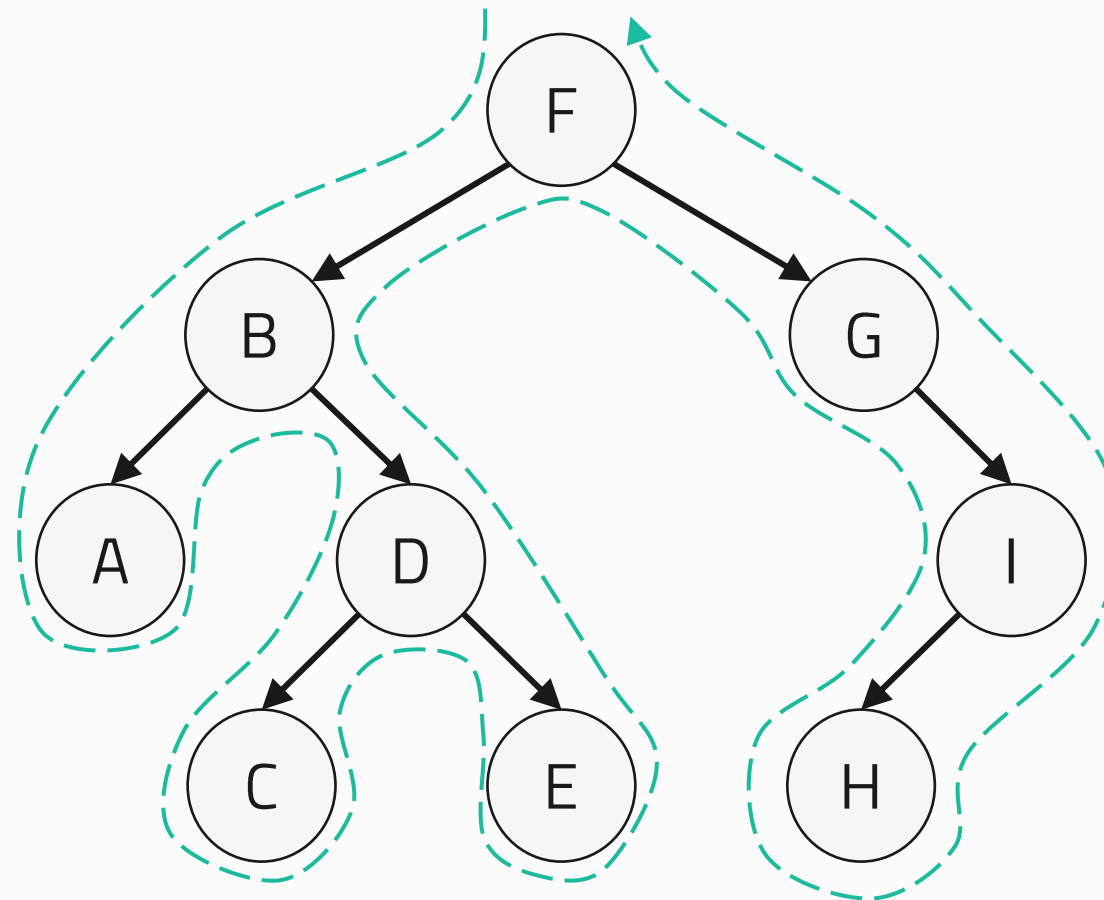
Ordre de parcours



Parcours en profondeur

OU DFS (DEPTH-FIRST SEARCH)

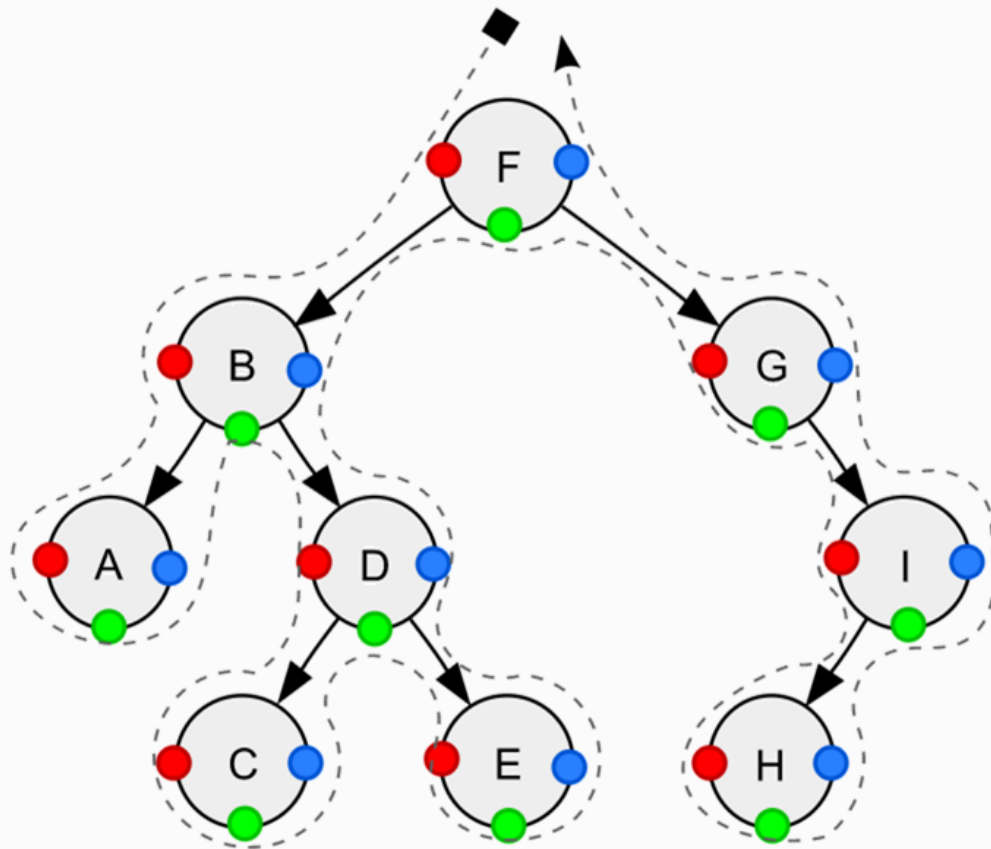
Principe : on descend le plus possible vers les enfants d'un nœud avant de passer au nœud frère



Parcours en profondeur

OU DFS (DEPTH-FIRST SEARCH)

3 ordres possibles pour marquer les sommets rencontrés :



● **Ordre préfixe** : on note un nœud dès qu'on passe à gauche :

F B A D C E G I H

● **Ordre infixe** : on note un nœud dès qu'on passe dessous :

A B C D E F G H I

● **Ordre postfixe** : on note un nœud dès qu'on passe à droite :

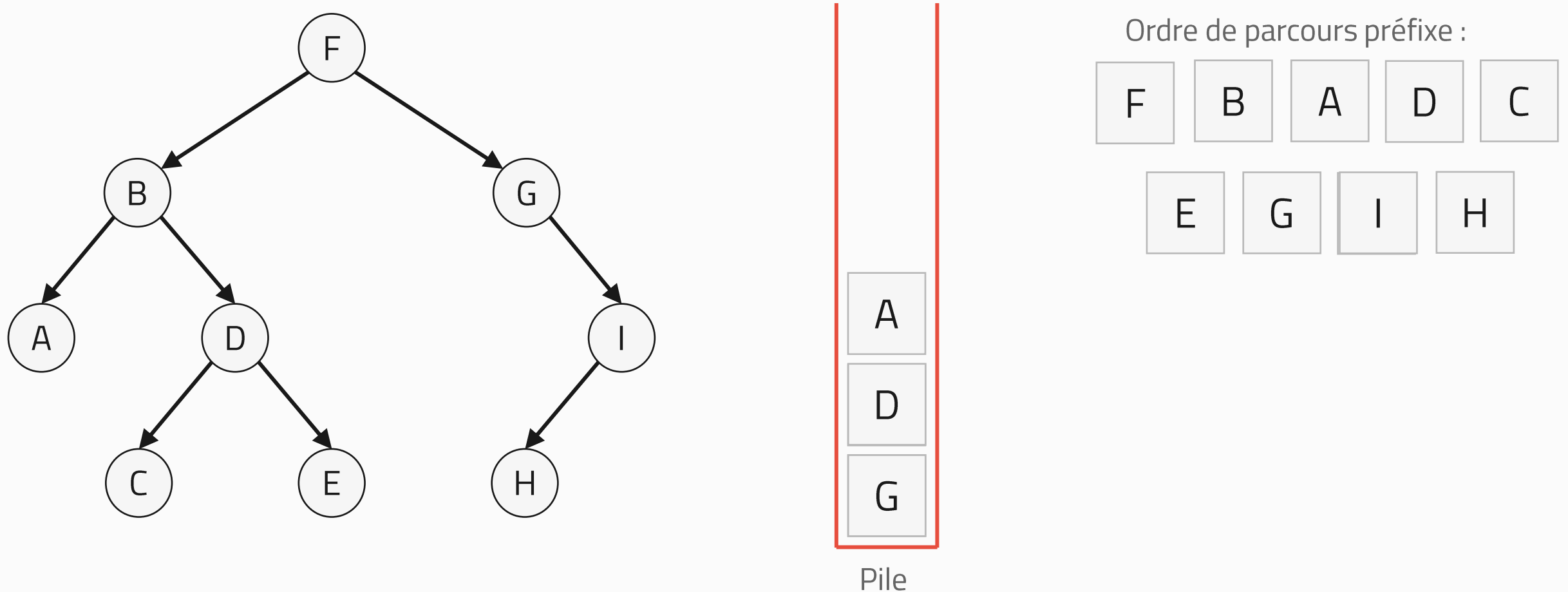
A C E D B H I G F



Parcours en profondeur d'un arbre

OU DFS (DEPTH-FIRST SEARCH)

Implémentation itérative: on utilise une *pile* pour mémoriser les nœuds à visiter...



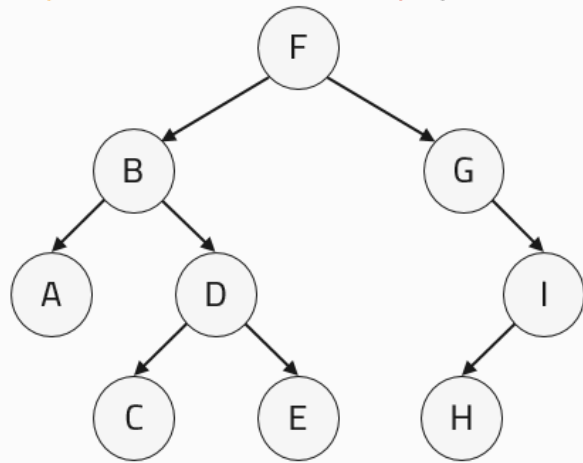
Ou bien on laisse l'ordinateur gérer la pile, en utilisant un algorithme *récuratif*!



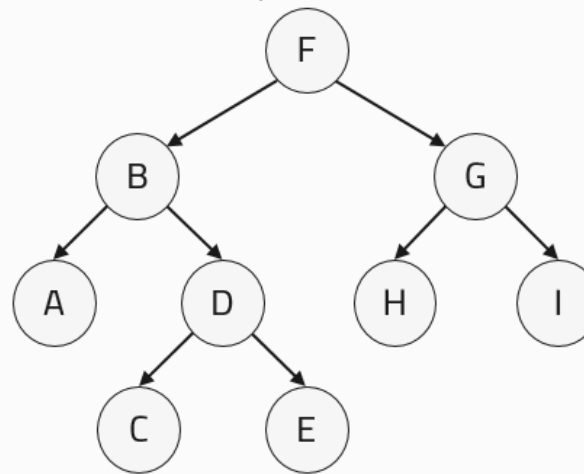
Arbre binaire : chaque nœud a **au plus deux enfants**

Arbre binaire **strict** : chaque nœud possède **0 ou 2 enfants**

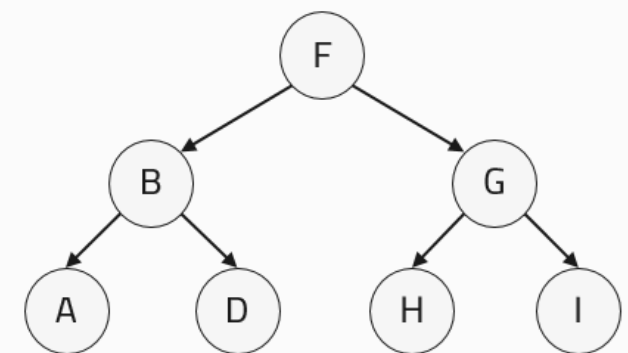
Arbre binaire **parfait** : arbre binaire strict où toutes les feuilles sont à la même profondeur



Arbre binaire non strict



Arbre binaire strict

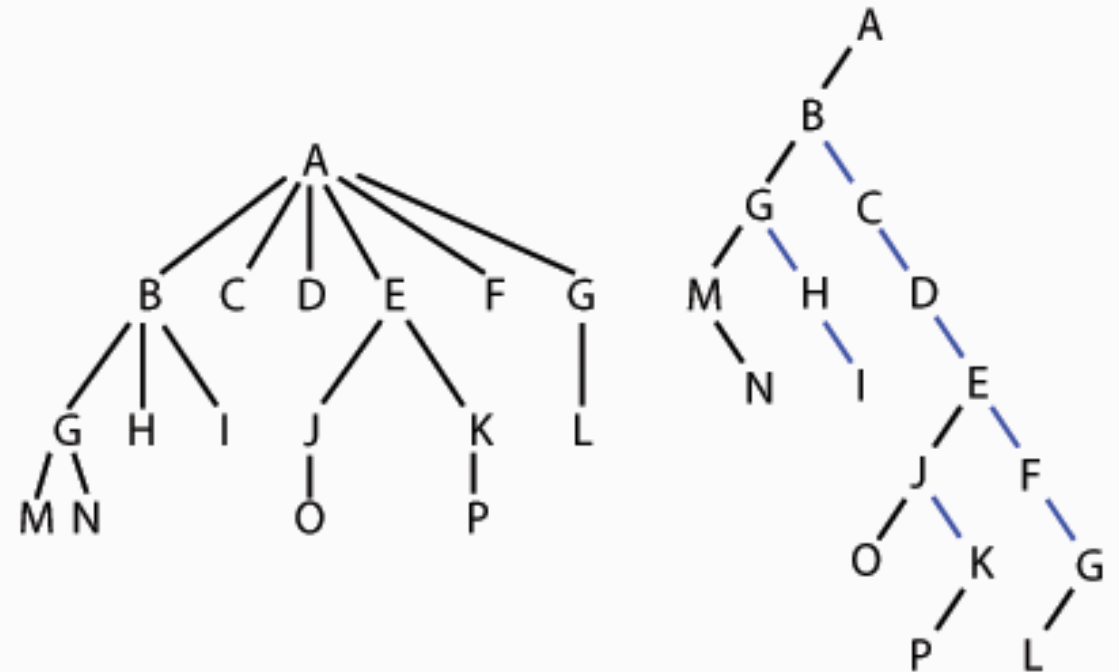


Arbre binaire parfait

Propriété : n'importe quel arbre peut être transformé en arbre binaire

Principe :

- chaque nœud N de l'arbre de gauche est associé à un nœud N' dans l'arbre de droite
- le fils gauche de N' est le fils gauche de N
- le fils droit de N' est le frère suivant de N



Principaux **intérêts des arbres binaires :**

- modélisent les processus de décision « oui / non »
- utilisés en compression de données ([Codage de Huffman](#))
- permettent d'étendre la recherche dichotomique à des structures de données non linéaires

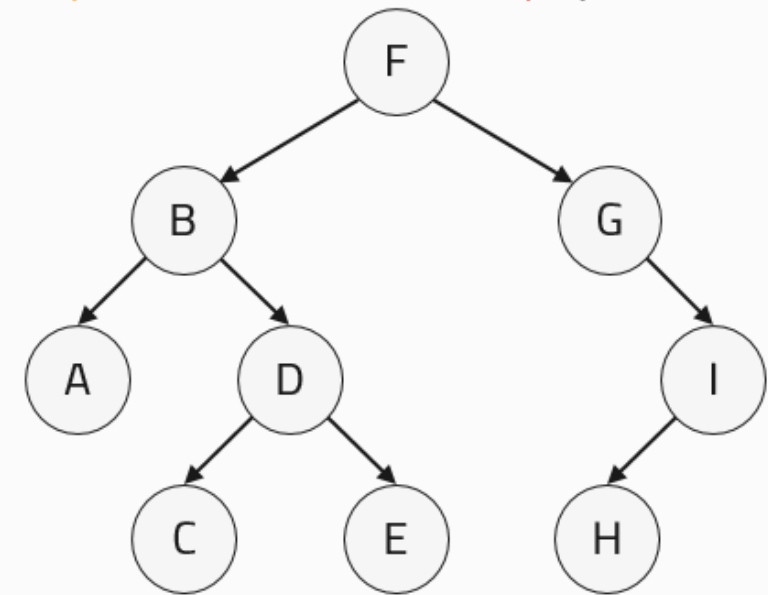
Arbre binaire dans lequel tout nœud interne possède :

- une valeur supérieure à son fils gauche
- une valeur inférieure à son fils droit

💡 **Intérêt** : permet de rapidement ($O(\log n)$ en moyenne)

- insérer une valeur
- rechercher une valeur
- supprimer une valeur

[Démo](#)

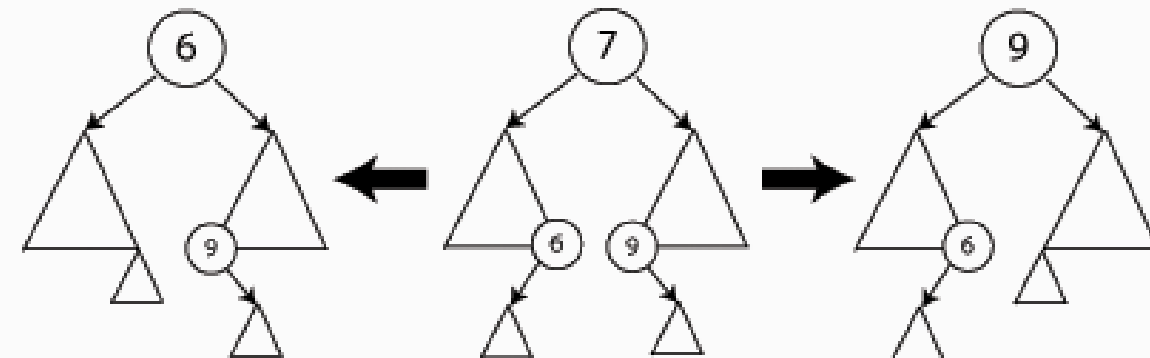


Insertion et recherche : simples à implémenter

Suppression : plusieurs cas à prendre en compte

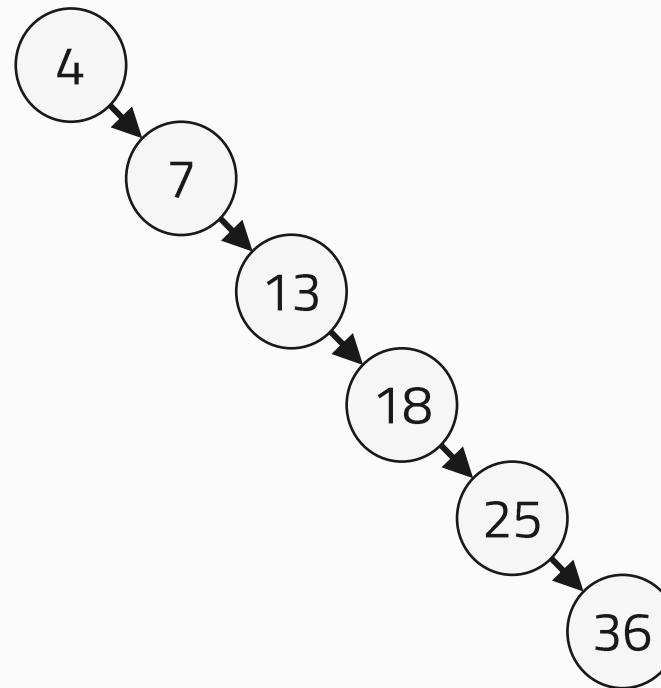
- Suppression d'une feuille : il suffit de l'enlever de l'arbre
- Suppression d'un nœud avec un fils unique : on le remplace par son fils
- Suppression d'un nœud N avec deux enfants : deux possibilités :
 - on échange N avec son *successeur* le plus proche (le nœud le plus à gauche du sous-arbre droit)
 - ou on échange N avec son *prédécesseur* le plus proche (le nœud le plus à droite du sous-arbre gauche)
- puis on recommence la suppression de N (qui a à présent 0 ou 1 seul nœud fils)

💡 On conserve ainsi un arbre binaire de recherche



Cas pathologique : on insère des valeurs *triées* dans un arbre binaire de recherche

Exemple : 4, 7, 13, 18, 25, 36

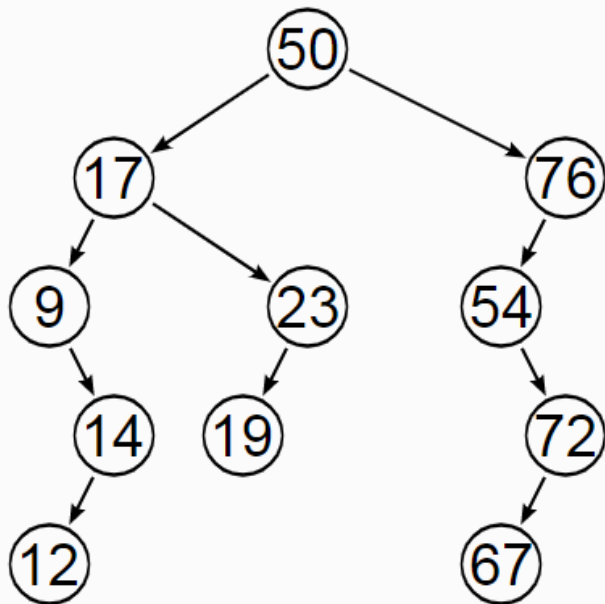


On obtient une **liste chaînée** !

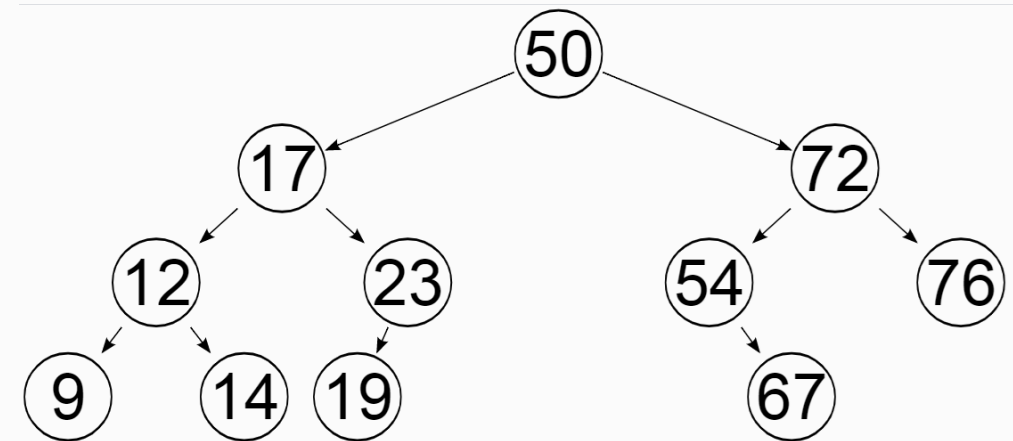
Les performances passent de $O(\log n)$ à $O(n)$!

💡 **Solution :** maintenir un arbre constamment **équilibré**

Arbre équilibré : pour **tout** nœud, la différence de hauteur de l'arbre gauche et de l'arbre droit est au plus 1



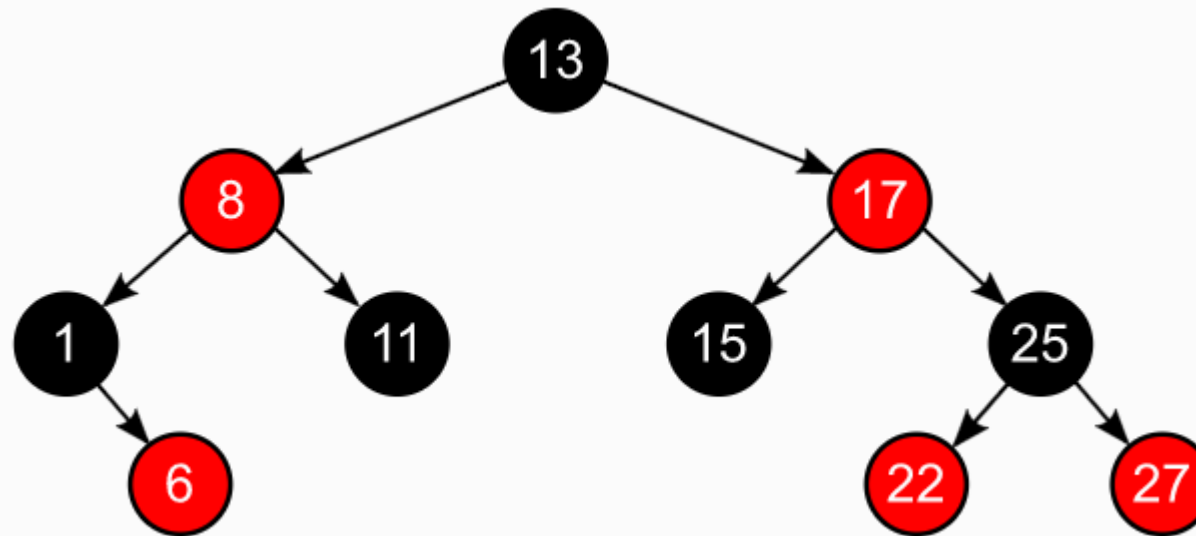
*Arbre binaire de recherche déséquilibré
(le sous-arbre 9-14-12 est déséquilibré)*



Le même arbre, après équilibrage

Exemples d'arbres binaires de recherche

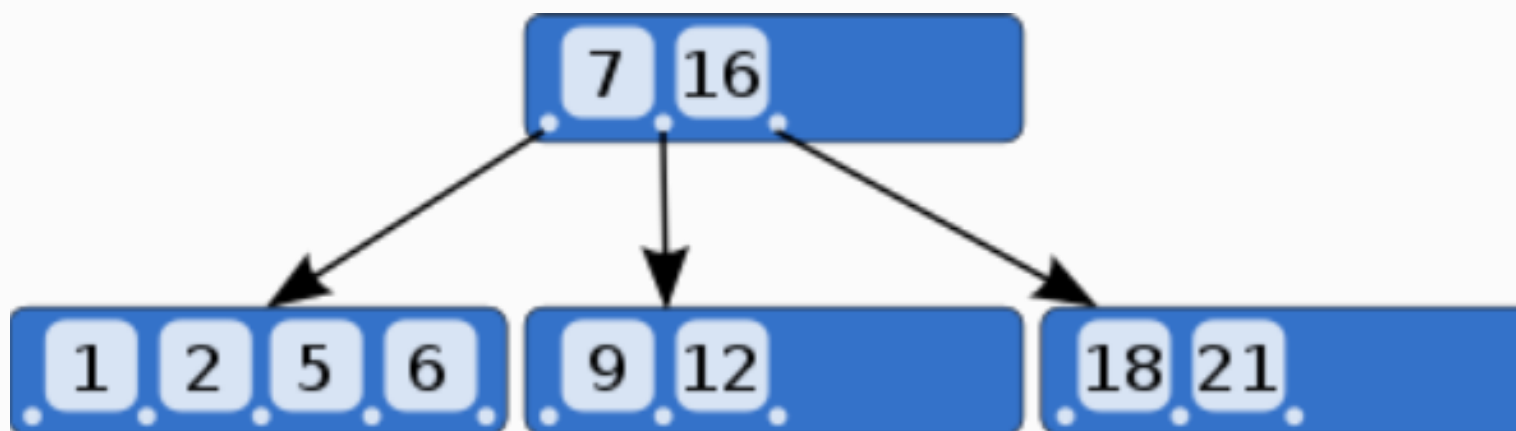
- **Arbres AVL** (1962) : historiquement les premiers arbres binaires de recherche équilibrés
- **Arbres rouges-noir** (1978) : chaque nœud possède une couleur ; tous les chemins de la racine à une feuille contiennent le même nombre de nœuds noirs



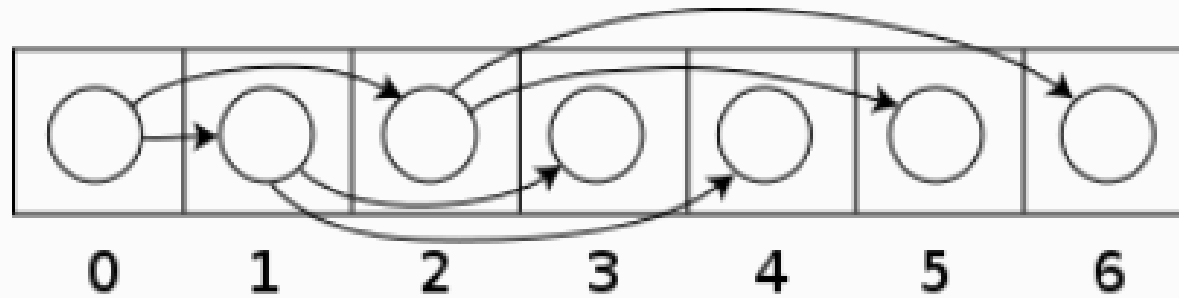
💡 La complexité de toutes les opérations (recherche, insertion, suppression) reste *logarithmique*

Autres arbres de recherche équilibrés

- **B-arbres** : généralisation des arbres binaires de recherche équilibrés (un B-arbre n'est pas nécessairement binaire), utilisés dans les bases de données (gestion des index) et les systèmes de fichiers (NTFS, btrfs, Ext4...)



💡 **Remarque :** on peut stocker les arbres binaires de manière très compacte, avec un tableau :



Pour tout nœud en position k :

- son fils gauche se trouve en position $2k + 1$
- son fils droit se trouve en position $2k + 2$
- son père se trouve en position $\left\lfloor \frac{k-1}{2} \right\rfloor$