

MÁSTER EN BIOINFORMÁTICA – UNIVERSIDAD DE MURCIA
COMPUTACIÓN EN LA NUBE E INFRAESTRUCTURAS DE ALTO RENDIMIENTO

Laboratorio 6: Usando Docker en Bioinformática

Anabel Soriano Carrera

Curso académico 2024-25

Aspectos positivos:

La práctica de Docker dentro del contexto de HPC-Bio me ha parecido muy útil. El uso de imágenes de BioContainers y la integración con herramientas como BLAST ha facilitado la comprensión de los beneficios de la portabilidad y reproducibilidad que ofrece Docker.

Uno de los aspectos positivos es que la práctica combina ejercicios simples, como el uso de hello-world, con tareas más avanzadas como la creación de imágenes personalizadas.

Aspectos mejorables:

En el apartado 3.3 experimenté dificultades técnicas relacionadas con la ejecución de contenedores personalizados en mi entorno local. En concreto, tuve errores relacionados con permisos y sistema de archivos de solo lectura que impidieron la instalación de paquetes como jupyter, numpy y numba dentro del contenedor. También tuve problemas con Docker desktop. Aunque encontré soluciones, fue una parte frustrante y larga de resolver. También eché en falta una guía más clara sobre cómo tratar estos errores en Windows.