Вариант 1

- 1. Проверить закон Ципфа на материале абстрактов PubMed с 2001 по 2017. Оценить величину поправки в закон Ципфа.
- 2. Имеют ли сеты №2 и №3 одинаковую медиану? Описать использованные статистические тесты

Вариант 2

- 1. Просемплировать распределение χ^2 для произвольных параметров распределения.
- 2. Определить принадлежат ли сеты №2 и №3 к одному распределению. Описать использованные статистические тесты

Вариант 3

- 1. Построить скрытую марковскую модель для сета №4. Построить график зависимости вероятности от итерации алгоритма.
- 2. Сгенерировать псевдоДНК последовательность с помощью марковской цепи. Использовать цепи длиной 2, 4, 6, 8 нуклеотидов. Частоты оценить из референсного генома человека.

Вариант 4

- 1. Просемплировать трехмерное распределение Максвелла при произвольных значениях параметров
- 2. Определить форму распределения для сета №1.

Вариант 5

- 1. Просемплировать обратное биномиальное распределение при произвольных значениях параметров
- 2. Сгенерировать псевдоДНК последовательность с помощью марковской цепи для экзонов. За один шаг марковской цепи должны генерироваться 3 символа.

Вариант 6

1. Дана скрытая марковская модель с параметрами

$$A = \begin{pmatrix} 0.2 & 0.8 \\ 0.8 & 0.2 \end{pmatrix}$$
 , $B = \begin{pmatrix} 0.55 & 0.45 \\ 0.3 & 0.7 \end{pmatrix}$, $\pi = \begin{pmatrix} 0.5 & 0.5 \end{pmatrix}$

Найти оптимальный путь

2. Построить гистограммы для сетов №2 и №3. Определить оптимальные параметры распределения, считая что сеты распределены согласно смешанному гауссову закону $f(x) = \sum w_i N_i(m,\sigma)$, где $N_i(m,\sigma)$ - нормальное распределение, а $\sum w_i = 1$

Вариант 7

- 1. Используя первые 30 значений из сета №4 и модель $A = \begin{pmatrix} 0.2 & 0.8 \\ 0.8 & 0.2 \end{pmatrix}$, $B = \begin{pmatrix} 0.55 & 0.45 \\ 0.3 & 0.7 \end{pmatrix}$
 - $\pi = [0.5 \quad 0.5]$ вычислить апостериорные вероятности последовательности состояний.
- 2. Просемплировать биномиальное распределение при произвольных значениях параметров