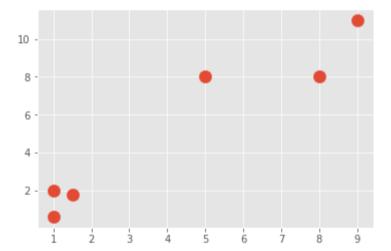
25/9/2018 Kmeans algoritmo

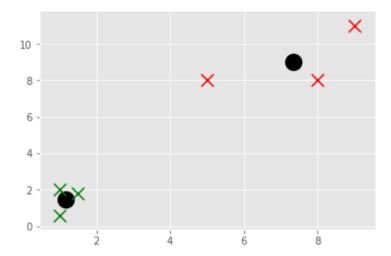
Crear el algoritmo K means

- · Choose value for K
- Randomly select K featuresets to start as your centroids
- Calculate distance of all other featuresets to centroids
- · Classify other featuresets as same as closest centroid
- Take mean of each class (mean of all featuresets by class), making that mean the new centroid
- Repeat steps 3-5 until optimized (centroids no longer moving)



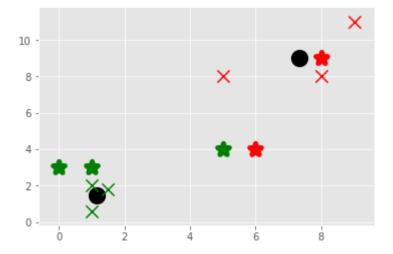
```
In [2]: class K Means:
            def __init__(self, k=2, tol=0.001, max_iter=300):
                self.k = k # numero de clusters
                self.tol = tol # tolerancia, si el centroide no se mueve mas
                                # de esta distancia diremos que esta optimizado
                self.max iter = max iter # cuantas iteraciones se haran como maximo
            def fit(self,data):
                self.centroids = {}
                # elegimos los 2 primeros valores como centroides
                # TODO podriamos elegirlos al azar mejor, como hemos visto en clase
                for i in range(self.k):
                    self.centroids[i] = data[i]
                # empezamos a iterar hasta llegar al numero maximo de iteraciones
                # o hasta que este optimizado
                for i in range(self.max iter):
                    self.classifications = {} # el resultado, es un diccionario que tendra como claves
                                               # los nombres de los grupos, cada grupo tendra una lista de instan
        cias
                    # ponemos como claves los grupos
                    for i in range(self.k):
                        self.classifications[i] = [] # cada grupo le inicializamos una lista vacia
                    # iteramos por cada instancia calculando su distancia respecto a los centroides y la clasific
        amos
                    for featureset in data:
                        # calculamos las normas (distancia) ej. de ||AB|| sqrt((b1-a1)^2+(b2-a2)^2)
                        distances = [np.linalg.norm(featureset - self.centroids[centroid]) for centroid in self.c
        entroids]
                        classification = distances.index(min(distances)) # el indice de la menor es el nombre de
        l cluster
                        self.classifications[classification].append(featureset)
                    prev_centroids = dict(self.centroids)
                    # de las instancias clasificadas en clusters hacemos su media para definir nuevos centroides
                    for classification in self.classifications:
                        # Como funciona np.average:
                        \# >>> x = [[1,7],[2,18],[9,46]]
                        # >>> X
                        # [[1, 7],
                        # [2, 18],
                        # [9, 46]]
                        # >>> np.average(x) # la media de todos los numeros
                        # 13.833333333333333
                        # >>> np.average(x, axis=0) # la media de las columnas
                        # array([ 4.
                                            , 23.66666667])
                        # >>> np.average(x, axis=1) # la media de las filas
                        # array([ 4. , 10. , 27.5])
                        self.centroids[classification] = np.average(self.classifications[classification], axis=0)
                    # asumimos que esta optimizado
                    optimized = True
                    # comparamos los centroides antiguos con los nuevos para saber si esta optimizado
                    for c in self.centroids:
                        original_centroid = prev_centroids[c]
                        current_centroid = self.centroids[c]
                        # TODO averiguar por que calcula la tolerancia de esta manera
                        distance change = np.sum((current centroid - original centroid) / original centroid * 10
        0.0)
                        if distance_change > self.tol:
                            #print("Distance_change:", distance_change)
                            optimized = False
                    # si sigue optimizado terminamos
                    if optimized:
                        break
                else: # for-else: si el loop no ha tenido ningun break se ejecuta
                    print("Max iterations reached.")
            def predict(self,data):
                distances = [np.linalg.norm(data - self.centroids[centroid]) for centroid in self.centroids]
                classification = distances.index(min(distances))
                return classification
```

Calcular los centroides



Agrupar nuevos datos

```
In [4]: clf = K Means()
        clf.fit(X)
        for centroid in clf.centroids:
            plt.scatter(clf.centroids[centroid][0], clf.centroids[centroid][1],
                        marker="o", color="k", s=150, linewidths=5)
        for classification in clf.classifications:
            color = colors[classification]
            for featureset in clf.classifications[classification]:
                plt.scatter(featureset[0], featureset[1], marker="x", color=color, s=150, linewidths=5)
        unknowns = np.array([[1,3],
                              [8,9],
                              [0,3],
                              [5,4],
                              [6,4],])
        for unknown in unknowns:
            classification = clf.predict(unknown)
            plt.scatter(unknown[0], unknown[1], marker="*", color=colors[classification], s=150, linewidths=5)
        plt.show()
```



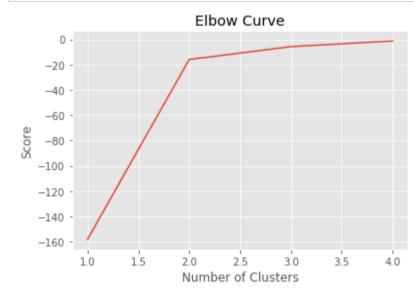
Usando la libreria KMeans de sklearn

Calcular cuantos clusters hay

25/9/2018 Kmeans algoritmo

```
In [9]: from sklearn.cluster import KMeans

Nc = range(1, 5)
kmeans = [KMeans(n_clusters=i) for i in Nc]
kmeans
score = [kmeans[i].fit(X).score(X) for i in range(len(kmeans))]
score
plt.plot(Nc,score)
plt.xlabel('Number of Clusters')
plt.ylabel('Score')
plt.title('Elbow Curve')
plt.show()
```



El codo está claramente en el 2, por lo tanto podemos decir que hay 2 clusters.