

Instituto de Ciências Exatas Departamento de Ciência da Computação

#### Escalonador GPU Aware para a Plataforma de Nuvens Federadas BioNimbuZ

Francisco Anderson Bezerra Rodrigues

Monografia apresentada como requisito parcial para conclusão do Bacharelado em Ciência da Computação

Orientador Prof.a Dr.a Aletéia Patrícia Favacho de Araújo

> Brasília 2018



Instituto de Ciências Exatas Departamento de Ciência da Computação

#### Escalonador GPU Aware para a Plataforma de Nuvens Federadas BioNimbuZ

Francisco Anderson Bezerra Rodrigues

Monografia apresentada como requisito parcial para conclusão do Bacharelado em Ciência da Computação

Prof.a Dr.a Aletéia Patrícia Favacho de Araújo (Orientador) CIC/UnB

Prof. Dr. Goku Dr. Bruce Wayne Planeta Veggeta Wayne Entreprises

Prof. Dr. Rodrigo Bonifácio de Almeida Coordenador do Bacharelado em Ciência da Computação

Brasília, 32 de Onzembro de 2018

## Dedicatória

Na dedicatória o autor presta homenagem a alguma pessoa (ou grupo de pessoas) que têm significado especial na vida pessoal ou profissional. Por exemplo (e citando o poeta): Eu dedico essa música a primeira garota que tá sentada ali na fila. Brigado!

# Agradecimentos

Nos agradecimentos, o autor se dirige a pessoas ou instituições que contribuíram para elaboração do trabalho apresentado. Por exemplo: Agradeço aos gigantes cujos ombros me permitiram enxergar mais longe. E a Google e Wikipédia.

### Resumo

O resumo é um texto inaugural para quem quer conhecer o trabalho, deve conter uma breve descrição de todo o trabalho (apenas um parágrafo). Portanto, só deve ser escrito após o texto estar pronto. Não é uma coletânea de frases recortadas do trabalho, mas uma apresentação concisa dos pontos relevantes, de modo que o leitor tenha uma ideia completa do que lhe espera. Uma sugestão é que seja composto por quatro pontos: 1) o que está sendo proposto, 2) qual o mérito da proposta, 3) como a proposta foi avaliada/validada, 4) quais as possibilidades para trabalhos futuros. É seguido de (geralmente) três palavraschave que devem indicar claramente a que se refere o seu trabalho. Por exemplo: Este trabalho apresenta informações úteis a produção de trabalhos científicos para descrever e exemplificar como utilizar a classe LTEX do Departamento de Ciência da Computação da Universidade de Brasília para gerar documentos. A classe UnB-CIC define um padrão de formato para textos do CIC, facilitando a geração de textos e permitindo que os autores foquem apenas no conteúdo. O formato foi aprovado pelos professores do Departamento e utilizado para gerar este documento. Melhorias futuras incluem manutenção contínua da classe e aprimoramento do texto explicativo.

Palavras-chave: Computação em nuvem, Federação de nuvens, escalonamento, GPGPU, BioNimbuZ

### Abstract

O abstract é o resumo feito na língua Inglesa. Embora o conteúdo apresentado deva ser o mesmo, este texto não deve ser a tradução literal de cada palavra ou frase do resumo, muito menos feito em um tradutor automático. É uma língua diferente e o texto deveria ser escrito de acordo com suas nuances (aproveite para ler http://dx.doi.org/10.6061% 2Fclinics%2F2014(03)01). Por exemplo: This work presents useful information on how to create a scientific text to describe and provide examples of how to use the Computer Science Department's Lass. The Unb-CIC class defines a standard format for texts, simplifying the process of generating CIC documents and enabling authors to focus only on content. The standard was approved by the Department's professors and used to create this document. Future work includes continued support for the class and improvements on the explanatory text.

Keywords: Cloud Computing, Cloud Federation, schedulling, GPGPU, BioNimbuZ

# Sumário

| 1            | Introdução                                | 1  |
|--------------|---|----|
|              | 1.1 Objetivos                             | 2  |
|              | 1.2 Estrutura do Trabalho                 | 2  |
| 2            | Escalonamento                             | 3  |
|              | 2.1 Algoritmo proposto                    | 3  |
| 3            | ${f Bio Nimbu Z}$                         | 6  |
| 4            | Implementação                             | 9  |
|              | 4.1 Sistema de Escalonamento do BioNimbuZ | 9  |
| $\mathbf{R}$ | Leferências                               | 10 |

# Lista de Figuras

| 2.1 | Diagrama | de Funcionamento | $_{ m 0}$ do Algoritmo $_{ m 0}$ | de Escalonamento. |  |  |  |  |  |  | 4 |
|-----|----------|------------------|----------------------------------|-------------------|--|--|--|--|--|--|---|
|-----|----------|------------------|----------------------------------|-------------------|--|--|--|--|--|--|---|

## Lista de Abreviaturas e Siglas

CFS Completely Fair Scheduler.

**CPU** Unidade de Processamento Central, do inglês Central Processing Unit.

GPU Unidade de Processamento Gráfico, do inglês Graphics Processing Unit.

LABID Lboratório de Informática e Dados.

 $\textbf{REST} \ \textit{REpresentional State Transfer}.$ 

## Introdução

A tecnologia tem se tornado cada vez mais ubíqua na sociedade. Com o advento da internet a interação dos serem humanos com a tecnologia explodiu, gerando um tráfego imenso de dados e com isso a necessidade de processamento em larga escala. Com isso surgiu o conceito de Nuvem Computacional, um paradigma que permite processamento em larga escala sem ser necessário que o usuário tenha em mãos hardware com tamanha capacidade computacional. Afinal, como isso é possível?

Inicialmente utilizava a computação em grid para se obter uma capacidade considerável de processamento. Contudo atualmente isso não é suficiente. Grandes empresas do área de Tecnologia da Informação, como o Google e a Microsoft possuem vários datacenters com uma quantidade incontável de computadores interligados via rede que, disponibiliza esses recursos de forma virtualizada a usuários que necessitem de processamento em larga escala. A disponibilidade dessa capacidade de computação tem gerado uma revolução na forma como serviços computacionais são disponibilizados na internet e fora dela. Pequenas empresas agora conseguem prover serviços em larga escala sem necessitar de um grande investimento em infraestrutura computacional, grandes empresas conseguem reduzir custos com equipamentos.

Como existem vários provedores de nuvem e cada um deles tem seus pontos fortes e fracos, surgiu então a ideia de criar um plataforma que utilize serviços de vários provedores de Nuvem com o explorar o ponto forte de cada um deles. Surgiu, então, o conceito de Federação de Nuvens. Plataformas nas quais os usuários conseguem o máximo de flexibilidade provido pela combinação de funcionalidades que os distintos provedores de Nuvem disponibilizam a seus usuários.

Mas como toda nova tecnologia, ela possui seus próprios desafios. Desenvolver uma plataforma com tamanha flexibilidade requer uma arquitetura muito bem projetada e implementada. Capaz de ser eficiente concomitantemente em que sua interface seja agradável ao usuário. Uma plataforma de Federação de Nuvens que tem sido continuamente desen-

volvida é o BioNimbuZ, desenvolvido no Lboratório de Informática e Dados (LABID) por alunos de graduação e pós-graduação. [1] [2] [3] [4] [5] [6] [7] [8].

#### 1.1 Objetivos

Este trabalho tem como objetivo:

- Implementar um escalonador capaz de escalonar tarefas para arquiteturas heterogêneas no BioNimbuZ.
- Testar o ganho de desempenho obtido ao se utilizar o escalonador desenvolvido na nuvem.

#### 1.2 Estrutura do Trabalho

Esse projeto contém mais três capítulos e um apêndice. O segundo capítulo aborda a atividade de escalonamento e propõe o algoritmo que será implementado. O capítulo três descreve a plataforma de nuvens Federadas BioNimbuZ. E o quarto e último capítulo fala como foi o processo de implementação do escalonador. Também haverá um apêndice falando sobre software livre.

### Escalonamento

A atividade de escalonamento pode ser otimizada para vários objetivos, entre os quais podemos citar:

- Maximinizar quantidade de trabalho realizada por unidade de tempo;
- Minimizar tempo no qual trabalhos ficam esperando para serem executados;
- Minimizar tempo entre um conjunto de trabalhos estarem prontos para serem executados até o fim da execução do conjunto(latência ou tempo de resposta);
- Distribuir de forma justa o tempo que cada um dos trabalhos terão de uso de um recurso escasso.

Esses objetivos são, às vezes, contraditórios. Na prática prioriza-se um conjunto de métricas como base para otimização. Por exemplo o GNU/Linux utilizada o Completely Fair Scheduler (CFS), que se baseia no algoritmo Fair queuing. Como o nome já diz, o foco desse escalonador está em ser justo. Internamente utiliza-se uma árvore rubronegra indexados pelo tempo gasto no processador. Para ser justo, o tempo máximo de cada processo fica em execução interrupta é o quociente do tempo que o processo ficou aguardando para ser executado pelo número total de processos.

#### 2.1 Algoritmo proposto

O escalonador proposto para implementação segue a ideia básica de escalonamento de listas. Haverão três listas: lista de tarefas a serem feitas, lista de CPUs disponíveis e lista de GPUs disponíveis. A lista de tarefas é ordenada por tempo previsto de execução, que é dado por um estimativa a partir do programa a ser rodado e do arquivo de entrada. Essa ordenação será em ordem decrescente de tempo previsto. A lista de CPUs disponíveis é ordenada com base na frequência e no número de núcleos. A lista de GPUs tem sua

ordem determinada pela quantidade de operações em pontos flutuante consegue realizar por segundo.

O escalonamento ocorre da seguinte forma, como ilustrado na figura 2.1:

- 1. Existem tarefas que podem ser executadas nos recursos disponíveis?
- 2. Se sim, obtenha o processo que está no topo da lista.
  - (a) É capaz de rodar em GPU?
  - (b) Se sim:
    - i. O tempo prevista para rodá-lo na melhor GPU disponível é melhor que o tempo previsto para rodá-lo na melhor CPU disponível?
    - ii. Se sim, escalone-o para nessa GPU.
    - iii. Se não, escalone-o para na melhor CPU disponível.
  - (c) Se não, escalone-o na melhor CPU disponível.
  - (d) Remova a tarefa e o recurso alocado de suas respectivas listas.
- 3. Se não, encerre o escalonamento.
- 4. Volte para a regra 1.

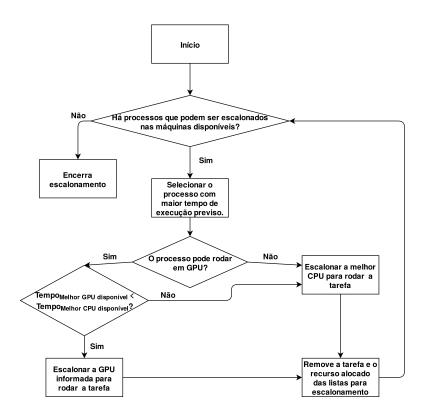


Figura 2.1: Diagrama de Funcionamento do Algoritmo de Escalonamento.

Observa-se que, para o algoritmo supracitado seja válido, pressupõe-se, que toda tarefa do algoritmo é capaz de rodar em CPU. O que é correto, pois atualmente todas as tarefas do BioNimbuZ rodam em CPU. O pressuposto simplifica o primeiro passo do algoritmo, pois se a lista de CPUs não estiver vazia, essa condição é automaticamente satisfeita. Futuramente pode ser necessário adaptá-lo para ser capaz de lidar com tarefas que só são capazes de serem executadas em GPU.

Como trabalho futuro, se o BioNimbuZ obtiver suporte executação de uma mesma tarefa de forma distribuída, uma pequena modificação que pode ser feita no algoritmo supracitado é: ao invés de remover as tarefas escalonadas da lista de tarefas, colocálas no fim dessa mesma lista. Fará com que o escalonamento seja interrompido apenas quando todos os recursos disponíveis forem alocados, pois sempre haverá tarefas para serem alocadas.

### **BioNimbuZ**

O BioNimbuZ é uma plataforma livre de nuvens confederadas para execução de workflows de bioinformática desenvolvida no laboratório de Bioinformática e Dados(LABID) por alunos de graduação e pós-graduação. Originalmente proposta por Saldanha[8] e refinada por alunos de iniciação científica, graduação, mestrado e doutorado.[7][3] [5][1][9][6]

Implementado utilizando uma arquitetura de camadas, o BioNimbuZ possui 4 camadas, descritas a seguir:

- Camada de Aplicação: Responsável por prover a interface de comunicação com o usuário, seja via uma interface gráfica(GUI), seja via web. Após fazer login, o usuário pode enviar workflows para serem executados e fazer upload do arquivos necessários. Além de poder acompanhar o andamento de seus workflows e pode obter, caso queira, o resultados parciais que já tiverem sido produzidos.
- Camada de Integração: Tem como objetivo de integrar as Camadas de Aplicação
  e de Núcleo, fazendo uso do framework REST para prover de forma prática essa
  funcionalidade, utilizando operações definidas no protocolo HTTP, como GET, DELETE e PUT. Existem três tipos de mensagens trocadas entre o Núcleo e a camada
  de Aplicação:
  - Request: Requisições da camada de Aplicação que contém todos os dados necessários para o seu processamento;
  - Response: Respostas que definem as mensagens enviadas da camada de Núcleo do BioNimbuZ; e
  - Action: Comandos a serem executados pelo núcleo, que são uma requisição enviada ao núcleo para se obter dados na resposta.
- Camada de Núcleo: Realiza toda a gerência da federação, provendo vários serviços. Entre eles:

- Serviço de predição: Objetiva orientar o usuário do BioNimbuZ a escolher as melhores combinações de máquinas virtuais/provedores a partir da especificação do workflow a ser executado e custo pretendido;
- Serviço de tarifação: Responsável por calcular o valor que os usuários devem pagar pelos serviços providados do BioNimbuZ. Para tal, comunica-se com o serviço de monitoramento para obter informações como tempo de execução e quantidade de máquinas virtuais alocadas. É função desse serviço garantir o cumprimento das métricas de tarifação das nuvens integradas à federação, e repassar o valor ao usuário;
- Serviço de segurança: Realiza principalmente a autenticação de usuário, além de verificar as autorizações do mesmo. Contudo muitos outros aspectos de segurança computacional podem ser implementados por esse serviço, como criptografia na troca de mensagens;
- Serviço de Tolerância a Falhas: Como o nome diz, esse serviço é responsável em certificar que todos os serviços do BioNimbuZ estejam disponíveis o máximo de tempo possível. Além de ter a responsabilidade de tratar quaisquer falahas que venham a ocorrer. Tira vantagem da arquitetura distribuída do BioNimbuZ para prover redundância de dados;
- Serviço de Armazenamento: Posui a responsabilidade de gerenciar arquivos utilizados como entrada e/ou saída de cada estágio de um workflow. Deve desempenhar seu papel de forma eficiente, do ponto de vista de custos de armazenamento e transmissão desses dados entre o local que está armazenado e o em que serão processados;
- Serviço de Escalonamento: Responsável por fazer o escalonamento de curto prazo de jobs. Com curto prazo quer-se dizer que é tão somente o escalonamento de jobs que estão prontas para serem executadas, à máquinas virtuais que os processarão. Não é responsabilidade do serviço de escalonamento lidar com dependências, pois essa responsabilidade é do controlador de jobs, que será explicado em breve. No momento do início deste projeto, o BioNimbuZ possuia 5 políticas de escalonadonamento, são eles:
  - \* AcoSched: Baseado em *Load Balancing Ant Colony Scheduling*, desenvolvido por Oliveira. Baseado em heurística[5]
  - \* AHP: Baseado em *Analytic Hierarchy Process*[5]
  - \* BasicSched: Política First In First Out, implementada no início da plataforma;

- \* C99: Baseia-se no *Beam Search* interativo multiobjetivo. [6] Esse é o escalonador em uso atualmente.
- \* RoundRobin: O clássico escalonamento Round Robin;
- Camada de Infraestrutura: Disponibiliza uma interface de comunicação do Bio-NimbuZ com os provedores de nuvem. Utilizando *plugins* para mapear requisições provenientes da Camada de Núcleo para comandos específicos de cada provedor.

O BioNimbuZ é capaz de ser integrado tanto à nuvens públicas quanto privadas, utilizando plugins para permitir conexão com vários provedores de nuvem, cada qual com sua própria interface. Os plugins não existem apenas na camada de integração: vários serviços da camada de núcleos também são disponibilizados como tal, provendo grande flexibilidade à plataforma.

Internamente, o BioNimbuZ utiliza o Apache Zookeeper[10] para prover serviços de coordenação de ambientes distribuídos. Desenvolvido pela fundação Apache[11], tem como objetivo ser e fácil manuseio. Possui um modelo de dados semelhante a uma estrutura de diretórios Uma outra tecnologia que também é utilizada no BioNimbuZ é o Apache Avro[12], para serialização de dados para transmissão pela rede.

# Implementação

4.1 Sistema de Escalonamento do BioNimbuZ

### Referências

- [1] Bacelar, Breno Rodrigues Moura; Deric Lima: *Política para armazenamento de arquivos no zoonimbus*. Biblioteca de monografias da UnB, 2013. Monografia (Licenciatura em Ciência da Computação). 2, 6
- [2] Hugo Saldanha, Edward de Oliveira Ribeiro, Maristela Holanda Aleteia PF Araujo Genaína Nunes Rodrigues Maria Emilia Telles Walter Jo btxfnamespacelong ao Carlos Setubal Alberto MR Dávila: A cloud architecture for bioinformatics workflows. CLOSER, 11:477, 2011. 2
- [3] Lima, D., B. Moura, G. Oliveira, E. Ribeiro, A. Araujo, M. Holanda, R. Togawa e M. E. Walter: A storage policy for a hybrid federated cloud platform: A case study for bioinformatics. Em 2014 14th IEEE/ACM International Symposium on Cluster, Cloud and Grid Computing, páginas 738–747, May 2014. 2, 6
- [4] Saldanha, Hugo, Edward Ribeiro, Carlos Borges, Aletéia Araújo, Ricardo Gallon, Maristela Holanda, Maria Emília Walter, Roberto Togawa e Jo btxfnamespacelong ao Carlos Setubal: Towards a hybrid federated cloud platform to efficiently execute bioinformatics workflows. Em Pérez-Sánchez, Horacio (editor): Bioinformatics, capítulo 05. InTech, Rijeka, 2012. http://dx.doi.org/10.5772/50289.
- [5] Oliveira, G. S. S. de, E. Ribeiro, D. A. Ferreira, A. P. F. Araújo, M. T. Holanda e M. E. M. T. Walter: Acosched: A scheduling algorithm in a federated cloud infrastructure for bioinformatics applications. Em 2013 IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine, páginas 8–14, Dec 2013. 2, 6, 7
- [6] Oliveira Barreiros Júnior, Willian de: Escalonador de tarefas para o plataforma de nuvens federadas bionimbuz usando beam search iterativo multiobjetivo. Biblioteca de monografias da UnB, 2016. Monografia (Bacahrelado em Engenharia da Computação). 2, 6, 8
- [7] Borges, C. A. L., H. V. Saldanha, E. Ribeiro, M. T. Holanda, A. P. F. Araujo e M. E. M. T. Walter: Task scheduling in a federated cloud infrastructure for bioinformatics applications. Em Proceedings of the 2nd International Conference on Cloud Computing and Services Science Volume 1: CLOSER,, páginas 114–120. INSTICC, SciTePress, 2012, ISBN 978-989-8565-05-1. 2, 6
- [8] Saldanha, Hugo Vasconcelos: Bionimbus: uma arquitetura de federação de nuvens computacionais híbrida para a execução de workflows de bioinformática. Tese de

- Mestrado, Universidade de Brasília, 2013. http://repositorio.unb.br/handle/10482/12046. 2, 6
- [9] Vergara, Guilherme Fay: Arquitetura de um controlador de elasticidade para nuvens federadas. 2017. 6
- [10] Foundation, The Apache Software: Apache Zookeeper Home. https://zookeeper.apache.org/, 2017. [Online; acessado em 24 de Novembro de 2017]. 8
- [11] Foundation, The Apache Software: Welcome to Apache Software Foundation! https://apache.org/, 2017. [Online; acessado em 15 de Dezembro de 2017]. 8
- [12] Foundation, The Apache Software: Welcome to Apache Avro! https://avro.apache.org/, 2017. [Online; acessado em 24 de Novembro de 2017]. 8