

1 Parte I - Discussão sobre o código

1.1 Leitura do Arquivo/Criação do Grafo/Comunicação

O código começa verificando se o arquivo foi aberto corretamente. Em seguida, ele lê o número de nós e arestas presentes no grafo, extraindo essas informações do arquivo. Por fim, realiza a comunicação dos valores de M (nós) e N (arestas) aos demais processos.

```

1  FILE *arquivo = fopen(argv[1], "r");
2  if (rank == 0) {
3      if (arquivo == NULL)
4          { // verificando se consegue abrir o arquivo
5              fprintf(stderr, "Erro ao abrir o arquivo.\n");
6              MPI_Finalize();
7              return 2;
8          }
9
10     int read1 = fscanf(arquivo, " %d", &N);
11     int read2 = fscanf(arquivo, " %d", &M);
12
13     if (read1 != 1)
14     { // verificando se os parametros de arestas e nos
15         fprintf(stderr, "Erro na leitura da leitura da quantidade de n .\n");
16         MPI_Finalize();
17         return 3;
18     }
19     if (read2 != 1)
20     {
21         fprintf(stderr, "Erro na leitura na leitura da quantidade de aresta.\n");
22         MPI_Finalize();
23         return 4;
24     }
25 }
26 MPI_Bcast(&N, 1, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);
27 MPI_Bcast(&M, 1, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);

```

1.1.1 Lista de adjacência

Nessa etapa o código lê as conexões entre os nós do grafo(as arestas), mas só o processo 0 faz isso. Para representar as arestas, ele utiliza uma lista de adjacência. Se fossemos utilizar uma matriz de adjacência, a complexidade seria $O(N^2)$, devido à verificação se um nó é vizinho, onde N é o número de nós. Com a lista de adjacência, a complexidade se torna $O(N)$, não tendo que fazer essa verificação.

```

1  //Valor medio de vizinhos como tamanho das listas de adjacencia
2  int k = (int)ceil(M/N);
3  //criando o grafo usando lista de adjacencia
4  Grafo *grafo = criarGrafo(N, k);
5
6  if (rank == 0) {
7      // adicionando as arestas
8      for (int i = 0; i < M; i++)
9      {

```

```

10         if (fscanf(arquivo, "%d %d", &u, &v) != 2)
11         {
12             fprintf(stderr, "Erro ao ler aresta.\n");
13             MPI_Finalize();
14             return 1;
15         }
16         adicionarAresta(grafo, u - 1, v - 1); // Ajusta para ndices baseados em 0
17     }
18
19 }
20

```

1.1.2 Comunicação

Esta etapa do código efetua a distribuição completa das informações do grafo para todos os processos. Isso inclui o tamanho das listas de adjacência e os valores contidos em cada lista, garantindo que todos os processos possuam uma cópia da estrutura do grafo.

```

1 //Broadcast do grafo
2 MPI_Bcast(grafo->tamanho_lista, N, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);
3 MPI_Bcast(grafo->indice, N, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);
4
5 for (int i = 0; i < N; i++) {
6     int tamanho_lista = grafo->tamanho_lista[i]; // Envia o tamanho da lista
7     primeiro
8     MPI_Bcast(&tamanho_lista, 1, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);
9
10    // Todos os processos alocam o tamanho correto da lista
11    if (rank != 0) {
12        grafo->lista[i] = (int *)malloc(tamanho_lista * sizeof(int));
13    }
14
15    MPI_Bcast(grafo->lista[i], tamanho_lista, MPI_INT, 0, MPI_COMM_WORLD);
16 }

```

1.2 Calculo da eficiência

1.2.1 Calculo da eficiência

Esta etapa crucial no código, calcular a eficiência do grafo. Mas antes de calcular a eficiência a equação abaixo, precisamos determinar as distâncias entre todos os pares de nós. É denotada por d_{ij} , representa o menor número de arestas que devemos percorrer para ir do nó i ao nó j .

$$E = \frac{1}{N(N-1)} \sum_{i=0}^{N-1} \sum_{\substack{j=0 \\ j \neq i}}^{N-1} \frac{1}{d_{ij}} \quad (1)$$

O código utiliza o algoritmo de busca em largura (BFS) para calcular distância. A ideia é explorar o grafo camada por camada, partindo do nó de origem. Os nós vizinhos são armazenados em uma fila, garantindo a ordem de visitação. Durante a busca, as distâncias de cada nó em relação à origem são calculadas e armazenadas. O processo continua até que todos os nós acessíveis a partir da origem tenham sido visitados e suas distâncias calculadas.

A paralelização do código se dá pela divisão da tarefa de calcular a eficiência entre os processos disponíveis, onde cada processo atua de forma independente, calculando a eficiência de um subconjunto específico de nós de tamanho proporcional $\frac{N}{p}$, onde "p" é quantidade de processos.

```

1 // Função para calcular a eficiência do grafo direcionado
2 double calcularEficiencia(Grafo *grafo, int rank, int size)
3 {
4     double eficiencia = 0;
5     int *distancia = (int *)calloc(grafo->N, sizeof(int));
6     int inicio = (grafo->N / size) * rank;
7     int fim = (grafo->N / size) * (rank + 1);
8     if (rank == size - 1) {
9         fim = grafo->N;
10    }
11
12    for (int origem = inicio; origem < fim; origem++)
13    {
14        buscaEmLargura(grafo, origem, distancia); // percorrer todos os nós
15        for (int i = 0; i < grafo->N; i++) // algoritmo de busca em largura
16        {
17            if (i != origem && distancia[i] > 0)
18            {
19                eficiencia += 1.0 / distancia[i];
20                distancia[i] = 0;
21            }
22        }
23    }
24    free(distancia);
25    // eficiencia = eficiencia / (grafo->N * (grafo->N - 1)); // calculo de eficiencia
26    return eficiencia;
27 }

```

A abaixo a função de busca em largura no grafo. A escolha desse algoritmo se deve à sua capacidade de explorar os nós permitindo registrar as distâncias entre eles. Essa informação sobre as distâncias é crucial para a etapa de calcular a eficiência do grafo.

```

1 // Função para realizar a busca em largura a partir de um vértice de origem
2 void buscaEmLargura(Grafo *grafo, int origem, int *distancia) {
3     int u,v; // criando variáveis para auxiliar
4     int *visitado = (int *)calloc(grafo->N, sizeof(int)); // criando vetor com os valores visitados
5
6     Fila *q = criarFila(grafo->N); // criando fila com tamanho N
7
8     visitado[origem] = 1; // colocar o primeiro nó como visitado
9     distancia[origem] = 0; // colocando distancia 0 no primeiro nó
10    enfileirar(q, origem); // adicionando na fila
11
12    while (!filaVazia(q)) { // parar while quando a fila tiver vazia
13
14        u = desenfileirar(q);
15        grafo->indice[u]=0; // come a lista de vizinhos
16        v = grafo->lista[u][grafo->indice[u]]; // inserir o primeiro vizinho
17
18        while (v != -1) { // continuar até todos vizinhos sejam visitados
19
20            if (visitado[v]==0) {
21                visitado[v] = 1; // colocar como visitado
22                distancia[v] = distancia[u] + 1; // calculo da distancia
23                enfileirar(q, v); // adicionar vizinho
24            }
25
26            ++grafo->indice[u]; // ir para o próximo vizinho

```

```

27         v = grafo->lista[u][grafo->indice[u]];
28     }
29 }
30 liberarFila(q); // liberar a fila e visitados
31 free(visitado);
32 }

```

1.2.2 Etapa final

Após o cálculo individual das eficiências por cada processo, procede-se com a soma de todos os valores obtidos. Essa etapa de consolidação garante que a eficiência global do grafo seja determinada pela agregação dos resultados parciais de cada processo, além de imprimir o tempo e o resultado.

```

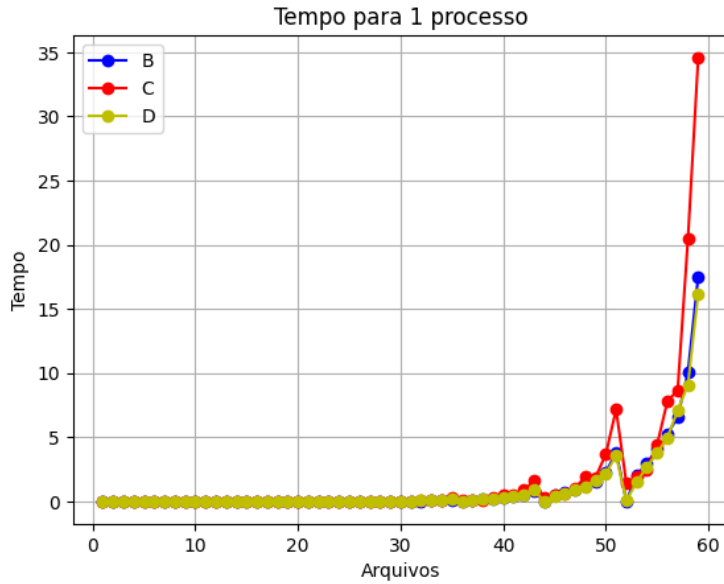
1 // calculo da eficiencia
2 double eficiencia_local = calcularEficiencia(grafo, rank, size);
3 double eficiencia;
4
5 MPI_Reduce(&eficiencia_local, &eficiencia, 1, MPI_DOUBLE, MPI_SUM, 0, MPI_COMM_WORLD
6 );
7
8 if (rank == 0) {
9     // terminando a leitura do tempo
10    clock_gettime(CLOCK_MONOTONIC, &fim);
11
12    tempo_decorrido = (fim.tv_sec - inicio.tv_sec) +
13                      (fim.tv_nsec - inicio.tv_nsec) / 1e9;
14    eficiencia = eficiencia / (grafo->N * (grafo->N - 1));
15    // imprimindo resultado no terminal
16    //printf("Eficiencia do grafo: %6f\n", eficiencia);
17    printf("%6f %6f\n", eficiencia, tempo_decorrido+tempo_decorrido2);
18    //printf("Tempo decorrido: %6f segundos\n", tempo_decorrido+tempo_decorrido2);
19    liberarGrafo(grafo);
20 }
21
22 MPI_Finalize();
23
24 return 0;
25 }

```

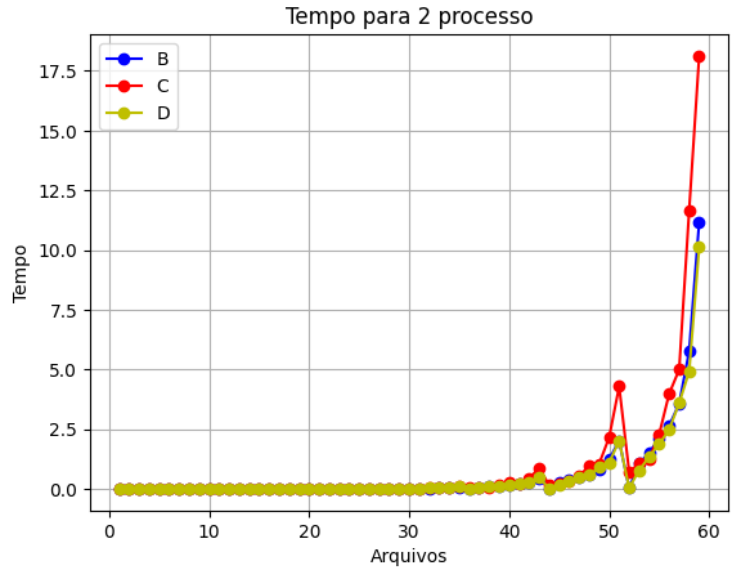
2 Parte II - Comparações

2.1 Desempenho do código

As figuras a seguir apresentam uma análise comparativa do desempenho do código ao processar diferentes tipos de grafos, variando também a quantidade de processos utilizados.

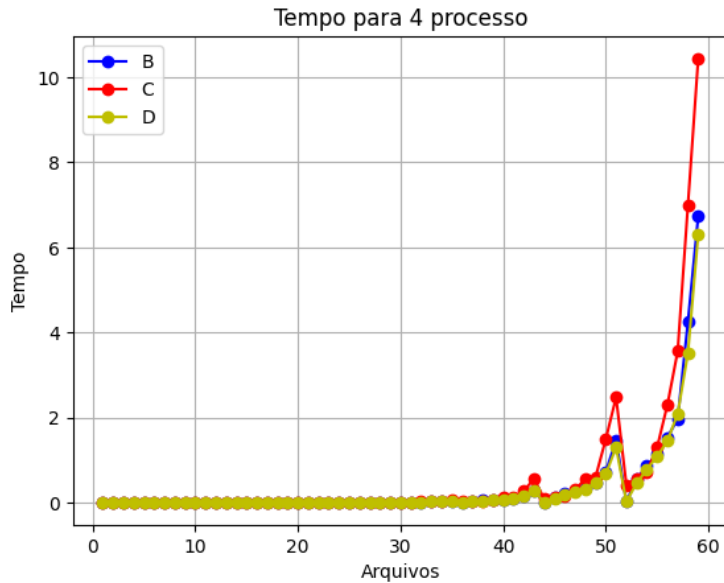


(a) Grafo B

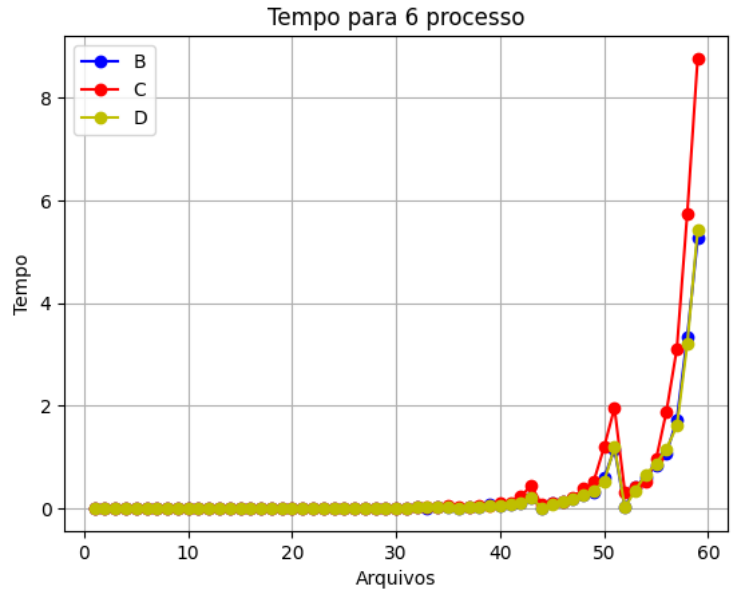


(b) Grafo C

Figura 1: Desempenho do código paralelo para diferentes grafos e processos



(a) Grafo B



(b) Grafo C

Figura 2: Desempenho do código paralelo para diferentes grafos e processos

2.1.1 Complexidade do código

Relembrando a complexidade do algoritmo sequencial, consideramos que para cada um dos N nós, serão calculados as distâncias pelo BFS, ou seja, N vezes algo proporcional a quantidade de arestas M , a complexidade fica $O(NM)$.

No código paralelo a complexidade vai ser $O(\frac{NM}{p})$, essa redução na complexidade se deve à divisão da tarefa de calcular a eficiência dos nós entre os " p " processos disponíveis. Cada processo fica responsável por calcular

a eficiência de um subconjunto de nós, diminuindo a carga de trabalho individual e, conseqüentemente, o tempo total de processamento.

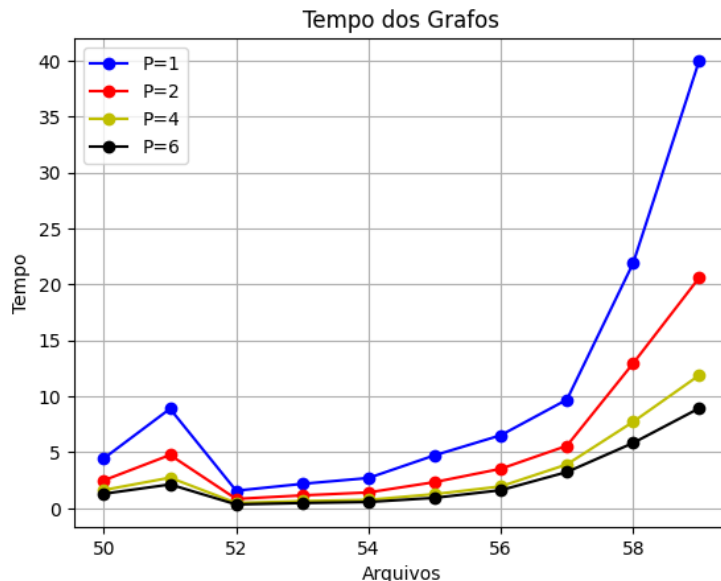


Figura 3: Grafos com maior quantidade de arestas e nós

Os gráficos abaixo ilustram o comportamento do código em cenários onde o número de nós (M) e o número de arestas (N) são mantidos constantes.

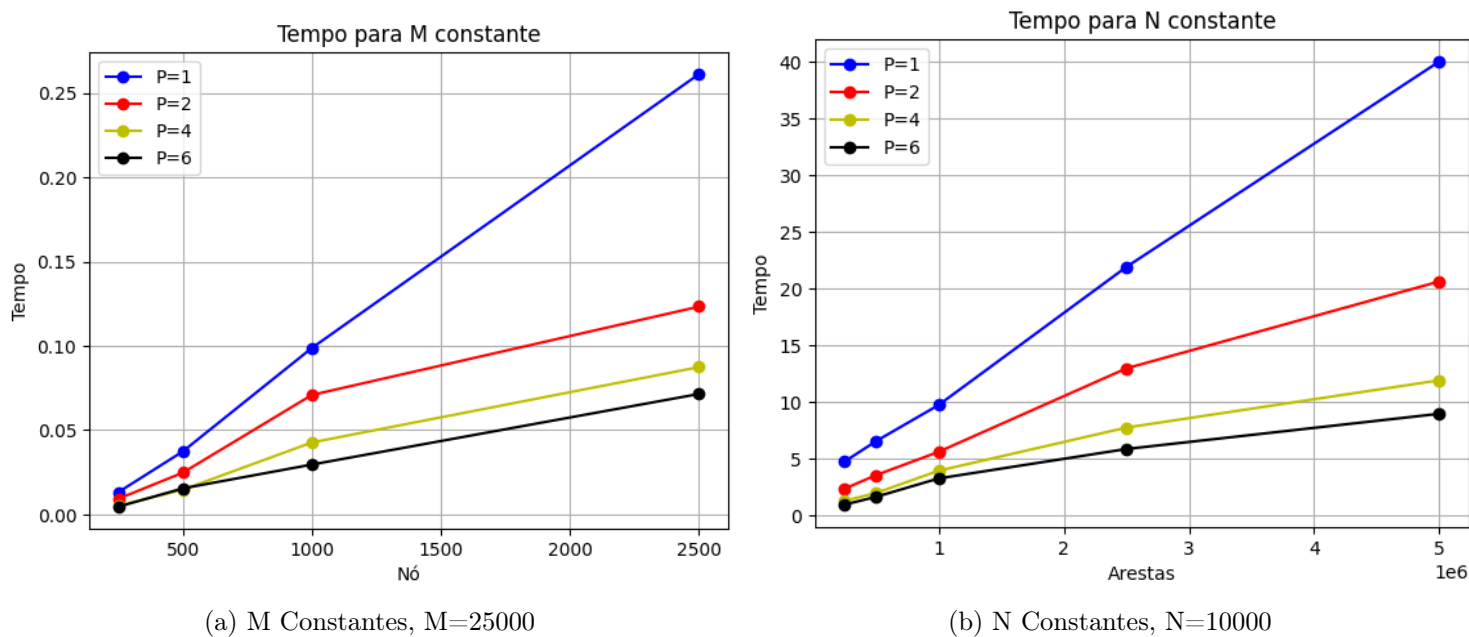


Figura 4

2.1.2 Eficiência do código

A figura apresenta uma análise do desempenho do código ao processar o grafo definido no arquivo "C_59.net" (as outras figuras foi utilizado o mesmo arquivo), avaliando o impacto do número de processos na eficiência da execução.

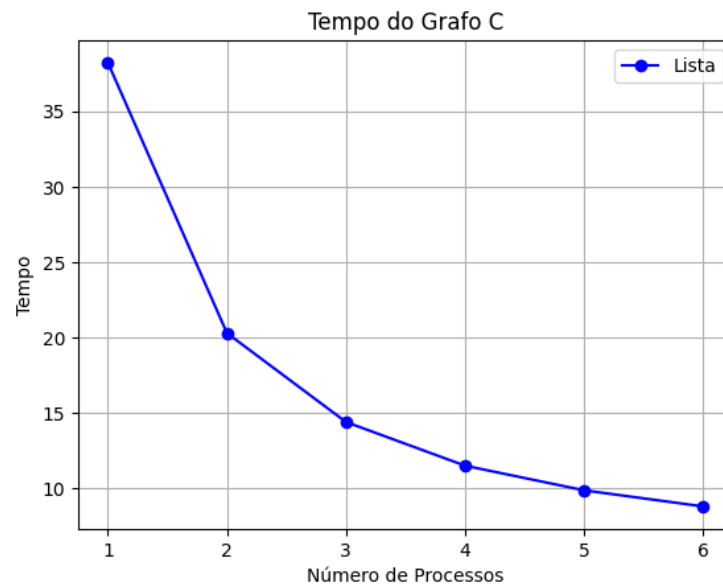


Figura 5: Desempenho do código do arquivo "C_59.net" em função da quantidade de processos

As imagens a seguir ilustram a eficiência e o Speed Up alcançados pelo código.

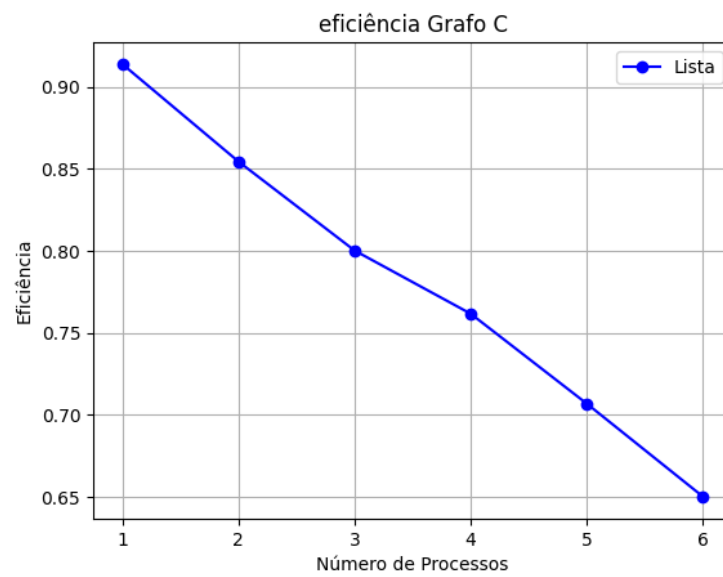


Figura 6: Eficiência do código

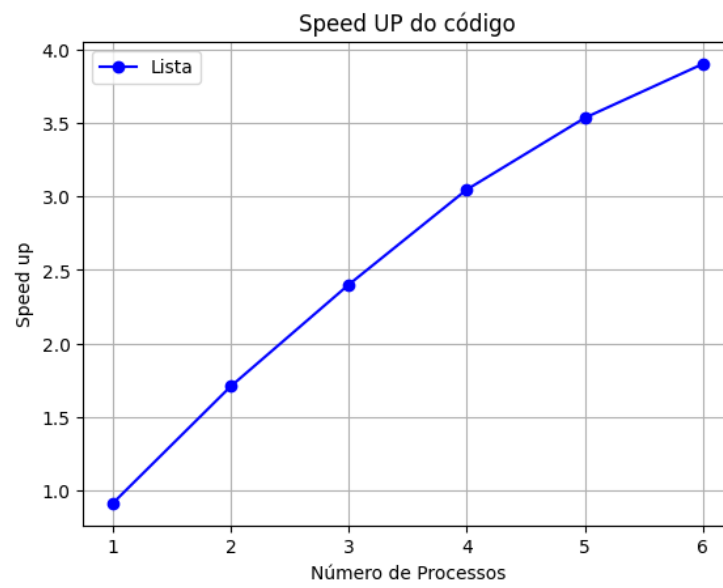


Figura 7: Speed Up do código