Capitolo 7 Grafi

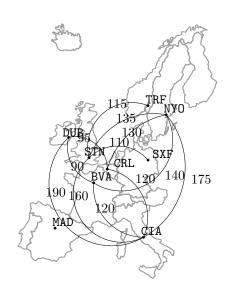
Lucidi tratti da
P. Crescenzi · G. Gambosi · R. Grossi · G. Rossi
Strutture di dati e algoritmi
Progettazione, analisi e visualizzazione
Addison-Wesley, 2012
http://algoritmica.org

I lucidi sono utilizzabili dai soli docenti e se ne sconsiglia la distribuzione agli studenti: oltre al rischio di violare una qualche forma di copyright, il problema principale è che gli studenti studino in modo superficiale la materia senza il necessario approfondimento e la dovuta riflessione che la lettura del libro fornica.

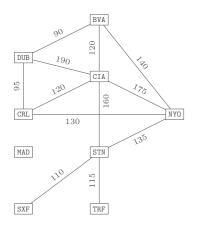
Il simbolo [alvie] nei lucidi indica l'uso di ALVIE per visualizzare il corrispettivo algoritmo: per un proficuo rendimento dello strumento, conviene esaminare in anticipo la visualizzazione per determinare i punti salienti da mostrare a lezione (l'intera visualizzazione potrebbe risultare altrimenti noiosa)

Grafi

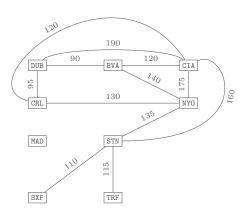
- \bullet G = (V, E)
- V = [0, n-1] = insieme di n vertici
- $\bullet \ E \subseteq V \times V = {\rm insieme} \\ {\rm di} \ m \ {\rm archi}$
- Opzionale $w: E \rightarrow R =$ **peso** degli archi \Rightarrow G = (V, E, W)



Rappresentazione a grafo e tabellare



Rappresentazione a grafo e tabellare



RAPPRESENTAZIONE TABELLARE

	SXF	CRL	DUB	STN	MAD	TRF	BVA	CIA	NYO
SXF	_	_	_	110	_	_	_	_	_
CRL	_	_	95	_	_	_	_	120	130
DUB	_	95	_	_	_	_	90	190	_
STN	110	_	_	_	_	115	_	160	135
MAD	_	_	_	_	_	_	_	_	_
TRF	_	_	_	115	_	_	_	_	_
BVA	_	_	90	_	_	_	_	120	140
CIA	_	120	190	160	_	_	120	_	175
NYO	_	130	_	135	_	_	140	175	_

Grafi pesati

- \bullet Funzione $W:E\mapsto \mathbb{R}$ definita sul grafo G=(V,E): assegna un valore (reale) a ogni arco del grafo
- Un grafo non pesato può essere visto come un grafo pesato con peso pari a 1 per tutti gli archi
- Cammino da un nodo u a un nodo z: sequenza di nodi $x_0, x_1, x_2, \ldots, x_k$ tale che $x_0 = u, x_k = z$ e $(x_i, x_{i+1}) \in E$ per ogni $0 \le i < k$
- Ciclo: cammino per cui vale $x_0 = x_k$, ovvero che ritorna nel nodo di partenza
- Cammino (o ciclo) semplice: non attraversa alcun nodo più di una volta

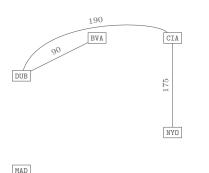
CAMMINI MINIMI

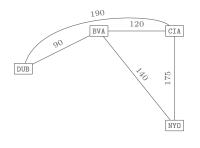
- Lunghezza di un cammino $x_0, x_1, x_2, \dots, x_k$: numero k di archi attraversati
- Nel caso di grafi pesati: **peso di un cammino**, somma dei pesi degli archi attraversati , ovvero come $\sum_{i=0}^{k-1} W(x_i, x_{i+1})$
- Cammino minimo pesato: cammino di peso minimo tra due nodi
- ullet Distanza pesata peso del cammino minimo (oppure $+\infty$ se non esiste alcun cammino tra i due nodi)

SOTTOGRAFO E SOTTOGRAFO INDOTTO

- Sottografo di G=(V,E): grafo G'=(V',E'), dove $V'\subseteq V$, $E'\subseteq V'\times V'$ e, inoltre, $E'\subseteq E$
- Sottografo indotto di G=(V,E): sottografo G'=(V',E'), con la condizione aggiuntiva che per ogni coppia $v_1,v_2\in V'$, $(v_1,v_2)\in E'$ se e solo se $(v_1,v_2)\in E$
- Componente connessa di un grafo G = (V, E): sottografo G' = (V', E') di G
 - ullet connesso: tutti i nodi di V' connessi tra loro
 - ullet massimale: non esistono nodi in V-V' connessi ai nodi di V'

SOTTOGRAFO E SOTTOGRAFO INDOTTO



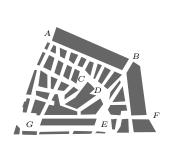


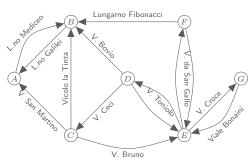
TRF

MAD

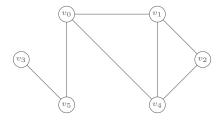
TRF

GRAFO DIRETTO





Accoppiamento perfetto(perfect matching): Dato G=(V,E), trovare un sottoinsieme $E'\subseteq E$ tale che tutti i nodi in V siano incidenti agli archi di E' e ogni nodo in V compaia soltanto in un arco di E'

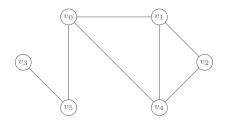


Due abbinamenti diversi:

- $\bullet \{(v_0, v_1), (v_2, v_4), (v_3, v_5)\}$
- $\bullet \{(v_0, v_4), (v_1, v_2), (v_3, v_5)\}$

Cammino hamiltoniano: cammino che attraversa tutti i nodi una e una sola volta (permutazione $\langle \pi_0, \pi_1, \dots, \pi_{n-1} \rangle$ dei nodi tale che $(\pi_i, \pi_{i+1}) \in E$ per ogni $0 \le i \le n-2$)

Ciclo hamiltoniano: cammino hamiltoniano $\langle \pi_0, \pi_1, \dots, \pi_{n-1} \rangle$ completato da un arco $(\pi_{n-1}, \pi_0) \in E$

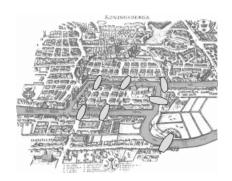


Quattro cammini diversi:

- $\bullet \langle v_3, v_5, v_0, v_1, v_2, v_4 \rangle$
- $\bullet \langle v_3, v_5, v_0, v_1, v_4, v_2 \rangle$
- $\bullet \langle v_3, v_5, v_0, v_4, v_2, v_1 \rangle$
- $\langle v_3, v_5, v_0, v_4, v_1, v_2 \rangle$ Strutture di dati e algoritmi (Capitolo 7)

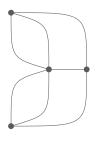
Ciclo euleriano: ciclo che attraversa tutti gli archi una e una sola volta (permutazione $\langle e_0,e_1,\ldots,e_{m-1}\rangle$ degli archi tale che e_i,e_{i+1} sono incidenti ad uno stesso nodo per ogni $0\leq i\leq m-2$) e che nodo iniziale nodo finale coincidono

Problema dei ponti di Königsberg, di L. Euler



Condizione necessaria e sufficiente per l'esistenza di un ciclo euleriano in G:

- \bullet G sia connesso
- i suoi nodi abbiano tutti grado pari





Il problema dei ponti di Königsberg non ha soluzione: 4 nodi di grado dispari

RAPPRESENTAZIONE DI GRAFI: MATRICE DI ADIACENZA

	SXF	CRL	DUB	STN	MAD	TRF	BVA	CIA	NYO
SXF	0	0	0	1	0	0	0	0	0
CRL	0	0	1	0	0	0	0	1	1
DUB	0	1	0	0	0	0	1	1	0
STN	1	0	0	0	0	1	0	1	1
MAD	0	0	0	0	0	0	0	0	0
TRF	0	0	0	1	0	0	0	0	0
BVA	0	0	1	0	0	0	0	1	1
CIA	0	1	1	1	0	0	1	0	1
NYO	0	1	0	1	0	0	1	1	0

RAPPRESENTAZIONE DI GRAFI: MATRICE DI ADIACENZA

- ullet Spazio $\Theta(n^2)$
- O(1) tempo per stabilire se $(i, j) \in E$
- ullet O(n) tempo per scandire gli archi incidenti a un nodo

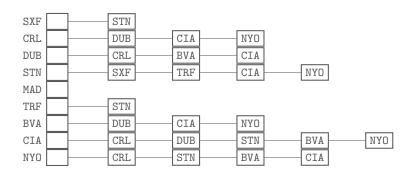
```
FOR (j = 0; j < n; j = j+1) {
    IF (A[i][j] != 0) {
        PRINT arco (i,j);
        PRINT peso P[i][j] dell'arco, se previsto;
    }
}</pre>
```

- Grafi non orientati: A[i][j] = A[j][i] per ogni $0 \le i, j \le n-1$, e quindi A è una matrice simmetrica
- \bullet Grafo pesato: associata a A, matrice P dei pesi che rappresenta in forma tabellare la funzione W

Rappresentazione di grafi: liste di adiacenza

Liste di adiacenza: per ogni nodo i, lista listaAdiacenza[i] dei nodi adiacenti.

- il nodo ha grado zero, la lista è vuota
- ullet altrimenti, listaAdiacenza[i] è una lista doppia con un riferimento sia all'elemento iniziale che a quello finale



Rappresentazione di grafi: liste di adiacenza

```
• Spazio \Theta(n+m)

• O(\min\{\operatorname{grado}(i),\operatorname{grado}(j)\}) tempo per stabilire se (i,j)\in E

• O(\operatorname{grado}(i)) tempo per scandire gli archi incidenti al nodo i

x = listaAdiacenza[i].inizio;

while (x != null) {

j = x.dato;

PRINT (i,j);

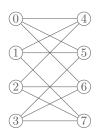
PRINT x.peso (se previsto);

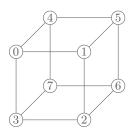
x = x.succ;
```

ISOMORFISMO (RAPPRESENTAZIONE)

Grafi isomorfi: una semplice rinumerazione dei vertici li rende uguali

Esistono n! modi per enumerare i vertici con valori distinti in $V=\{0,1,\dots,n-1\}$ e, quindi, altrettanti modi per rappresentare lo stesso grafo





 $G^*=(V,E^*)$ è la **chiusura transitiva** di G se, per ogni coppia di vertici $i,j\in V$, vale $(i,j)\in E^*$ se e solo se esiste un *cammino* in G da i a j

A: matrice di adiacenza di G, modificata in modo che gli elementi della diagonale principale hanno tutti valori pari a 1.

- $A^2=A\times A$ tale che $A^2[i][j]=\sum_{k=0}^{n-1}A[i][k]\cdot A[k][j]$ se e solo se esiste un cammino di lunghezza 2 da i a j
- $A^3=A^2\times A$ tale che $A^3[i][j]=\sum_{k=0}^{n-1}A^2[i][k]\cdot A[k][j]$ se e solo se esiste un cammino di lunghezza 3 da i a j
- o · · ·
- $A^r = A^{r-1} \times A$ tale che $A^r[i][j] = \sum_{k=0}^{n-1} A^{r-1}[i][k] \cdot A[k][j]$ se e solo se esiste un cammino di lunghezza r da i a j

Se $A^r = A^{r-1}$ tutti cammini sono rappresentatai e $A^r = A^*$

		0	1	2	3	4	5			8	9	10
_	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0
	1	1	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0
	2	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0
	3	0	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0
A=	4	1	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0
	5	1	0	0	1	0	1	1	1	0	0	0
	6	0	0	0	1	0	1	1	1	0	0	0
	7	0	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0
	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
	9	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
	10	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1

		0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
_	0	1	1	1	1	1	1		1	0	0	0
	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	2	1	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0
	3	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
1 ² _	4	1	1	1	1	1	1	0	1	0	0	0
A -	5	1	1	0	1	1	1		1	0	0	0
	6	1	1		1	0	1	1	1	0	0	0
	7	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
	9	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
_	10	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1

		0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
_	0	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	2	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	3	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
$A^3 = A^* =$	4	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	5	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	6	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	7	1	1	1	1	1	1	1	1	0	0	0
	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
	9	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
_	10	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1

 ${\cal A}^*$ consente di verificare in tempo costante la presenza di un cammino in ${\cal G}$ tra due nodi

Calcolo efficiente di A^* a partire da A, esemplificato dal codice seguente.

```
1 A* = A;

2 DO {

3 B = A*;

4 A* = B × B;

5 } WHILE (A* != B);

6 RETURN A*;
```

Al più $\log(n-1) = \Theta(\log n)$ iterazioni: costo totale $\Theta(n^3 \log n)$ utilizzando l'algoritmo elementare dper la moltiplicazione di matrici

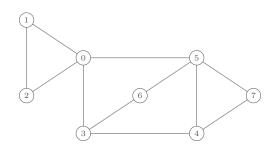
VISITA IN AMPIEZZA DI UN GRAFO

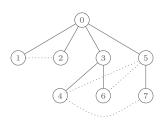
La visita in ampiezza o BFS (Breadth-First Search)

- esplora i nodi in ordine crescente di distanza da un nodo iniziale
- o evita di esaminare ripetutamente gli stessi cammini

```
BreadthFirstSearch(s):
     FOR (u = 0 ; u < n; u = u + 1)
       raggiunto[u] = FALSE;
4
     Q.Enqueue(s);
5 WHILE (!Q.Empty()) {
6
     u = Q.Dequeue();
       IF (!raggiunto[u]) {
8
         raggiunto[u] = TRUE;
        FOR (x = listaAdiacenza[u].inizio; x != null; x = x.succ) {
9
          v = x.dato:
            Q.Enqueue( v );
11
14
[alvie]
```

VISITA IN AMPIEZZA DI UN GRAFO





Visita in ampiezza di un grafo

- Gli archi che conducono a vertici ancora non visitati, permettendone la scoperta, formano un albero detto albero BFS, la cui struttura dipende dall'ordine di visita
- o invece di una coda Q di vertici, Q è una coda di archi
- ullet l'albero BFS è uno spanning tree di G
- ullet se G non è pesato, l'albero BFS è utile per rappresentare i cammini minimi dal vertice di partenza s verso tutti gli altri vertici
- \bullet la distanza minima di un vertice v da s nel grafo equivale alla profondità di v nell'albero BFS
- costo della BFS: O(n+m)

Ottenuta sostituendo la coda Q della visita BFS con una pila P.

Analogamente alla visita in ampiezza, anche nella visita in profondità o DFS (*Depth First Search*) viene costruito un albero, detto **albero DFS**.

```
DepthFirstSearch( s ):
     FOR (u = 0; u < n; u = u + 1)
        raggiunto[u] = FALSE;
     P.Push( s );
4
5
     WHILE (!P.Empty()) {
6
       u = P.Pop();
        IF (!raggiunto[u]) {
8
          raggiunto[u] = TRUE;
9
          FOR (x = listaAdiacenza[u].fine; x != null; x = x.pred) {
            v = x.dato;
            P.Push( v );
14
[alvie]
```

Versione ricorsiva della DFS

```
Scansione(G):
FOR (s = 0; s < n; s = s + 1)
raggiunto[s] = FALSE;
FOR (s = 0; s < n; s = s + 1) {
    If (!raggiunto[s]) DepthFirstSearchRicorsiva(s);
}

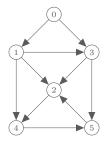
DepthFirstSearchRicorsiva(u):
raggiunto[u] = TRUE;
FOR (x = listaAdiacenza[u].inizio; x != null; x = x.succ) {
    v = x.dato;
    If (!raggiunto[v]) DepthFirstSearchRicorsiva(v);
}
[alvie]</pre>
```

Costo della visita: O(n+m)

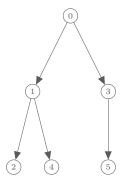
Un arco (u,v) non appartenente all'albero DFS puèssere:

- all'indietro (back): se v è antenato di u nell'albero DFS;
- in avanti (forward): se v è discendente di u nell'albero DFS (nipote, pronipote e così via, ma non figlio);
- trasversale (cross): se v e u non sono uno antenato dell'altro.

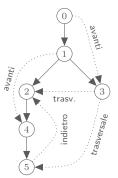
Nei grafi non orientati possono esserci solo archi back: sono gli unici a condurre a vertici già visitati



Albero BFS del grafo precedente a partire da $0\,$



Albero DFS del grafo precedente a partire da 0



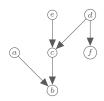
Grafi orientati aciclici

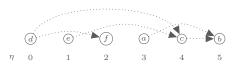
Un grafo G è ciclico se e solo se le visite BFS o DFS forniscono almeno un arco all'indietro

Un **grafo orientato aciciclo** è chiamato **DAG** (*Directed Acyclic Graph* e viene utilizzato in quei contesti in cui esiste una dipendenza tra oggetti espressa da una relazione d'ordine

Ordinamento topologico

Ordinamento topologico di un DAG G=(V,E): numerazione $\eta:V\mapsto\{0,1,\dots,n-1\}$ dei suoi vertici tale che per ogni arco $(u,v)\in E$ vale $\eta(u)<\eta(v)$





Ordinamento topologico

```
OrdinamentoTopologico():
     FOR (s = 0; s < n; s = s + 1)
     raggiunto[s] = FALSE;
    contatore = n - 1;
    FOR (s = 0; s < n; s = s + 1) {
 6
        IF (!raggiunto[s]) DepthFirstSearchRicorsivaOrdina( s );
   DepthFirstSearchRicorsivaOrdina( u ):
     raggiunto[u] = TRUE;
    FOR (x = listaAdiacenza[u].inizio; x != null; x = x.succ) {
     v = x.dato:
 5
        IF (!raggiunto[v]) DepthFirstSearchRicorsivaOrdina( v );
    eta[u] = contatore:
     contatore = contatore - 1:
[alvie]
Costo O(n+m)
```

CAMMINI MINIMI

- ullet Grafo pesato G=(V,E,W) (orientato o meno) con $W:E\mapsto\mathbb{R}$
- ullet Si vogliono individuare i cammini di lunghezza minima tra i nodi di G
- Caratteristiche diverse in dipendenza del numero di cammini minimi da individuare
 - ullet all pairs shortest path: gli n(n-1) cammini minimi tra tutte le coppie di nodi
 - ullet single source shortest path: gli n-1 cammini minimi da un nodo a tutti gli altri
- ullet Caratteristiche diverse in dipendenza di W
 - pesi positivi
 - pesi qualunque

Grafo G=(V,E,W) con $W:E\mapsto \mathbb{R}^+$, nodo $s\in V$. Vi vuole

- ullet derivare la distanza $\delta(s,v)$ da s a v, per ogni nodo $v\in V$
- \bullet ottenere, per ogni nodo, il cammino minimo: è sufficiente ottenere, per ogni nodo v , l'indicazione del nodo u che precede v nel cammino minimo da s a v

Risolubile mediante algoritmo di Dijkstra:

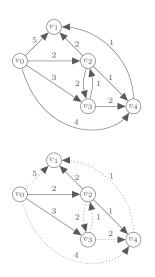
- visita del grafo che fa uso di una coda con priorità per determinare l'ordine di visita dei nodi
- nella coda con priorità, coppie (v,p), con $v\in V$ e $p\in \mathbb{R}^+$, ordinate rispetto ai pesi p
- ullet invariante: $p \geq \delta(s,v)$ per ogni coppia (v,p) nella coda con priorità
- quando (v,p) viene estratta dalla coda con priorità, $p=\delta(s,v)$

Ad ogni istante, il peso p associato al nodo v nella coda con priorità indica la lunghezza del cammino più breve da s a v trovato finora nel grafo

Il peso viene aggiornato ogni qual volta viene individuato un cammino più breve da s a v

Cammini minimi in grafi con pesi positivi

```
Dijkstra( s ):
     FOR (u = 0; u < n; u = u + 1) {
     pred[u] = -1;
 4
      dist[u] = +\infty;
 5
6
    pred[s] = s;
7
    dist[s] = 0:
8
    FOR (u = 0; u < n; u = u + 1) {
0
       elemento.peso = dist[u];
10
     elemento.dato = u;
11
    PQ.Enqueue( elemento );
13
     while (!PQ.Empty()) {
14
     e = PQ.Dequeue();
15
    v = e.dato:
for (x = listaAdiacenza[v].inizio; x != null; x = x.succ) {
       u = x.dato;
18
         IF (dist[u] > dist[v] + x.peso) {
           dist[u] = dist[v] + x.peso;
19
           pred[u] = v;
21
          PQ.DecreaseKey(u, dist[u]);
24
```



Costo dell'algoritmo di Dijkstra $O(t_c+nt_e+mt_d)$, dipende dall'implementazione della coda con priorità

- ullet t_c : costo di costruzione della coda
- te: costo di estrazione del minimo dalla coda
- t_d : costo dell'operazione DecreaseKey

Implementazione mediante heap: costo $O((n+m)\log n)$

Implementazione mediante lista non ordinata: costo $O(n^2 + m)$

Implementazione mediante heap di Fibonacci: costo $O(n \log n + m)$

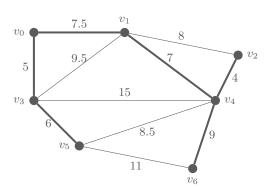
CAMMINI MINIMI IN GRAFI CON PESI QUALUNQUE

Algoritmo di Bellman-Ford

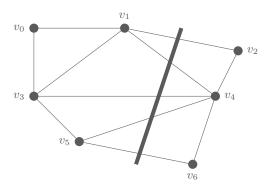
```
Bellman-Ford( s ):
     FOR (u = 0; u < n; u = u + 1) {
     pred[u] = -1;
4
      dist[u] = +\infty;
5
6
    pred[s] = s;
7
     dist[s] = 0;
8
     FOR (i = 0; i < n; i = i + 1)
       FOR (v = 0; v < n; v = v + 1) {
9
10
          FOR (x = listaAdiacenza[v].inizio; x != null; x = x.succ) {
            u = x.dato;
            IF (dist[u] > dist[v] + x.peso) {
              dist[u] = dist[v] + x.peso;
13
14
              pred[u] = v;
16
[alvie]
```

Dato un grafo non orientato e connesso G=(V,E), un albero di ricoprimento di G è un albero T i cui archi sono anche archi del grafo e collegano tutti i nodi in V, ossia un albero T=(V,E'), dove $E'\subseteq E$.

Un albero di ricoprimento è minimo se la somma dei pesi nei suoi archi è la minima tra quelle di tutti i possibili alberi di ricoprimento



Dato un grafo G=(V,E), un **taglio** (cut) su G è un sottoinsieme $C\subseteq E$ di archi la cui rimozione disconnette il grafo



Dato un grafo G=(V,E,W) pesato sugli archi con pesi tutti distinti e un suo minimo albero ricoprente T=(V,E'), per ogni arco $e\in E$ abbiamo che:

CONDIZIONE DI TAGLIO $e \in E'$ se e solo se esiste un taglio in G che comprende e, per il quale $e \in I'$ arco di peso minimo.

CONDIZIONE DI CICLO $e \notin E'$ se e solo se esiste un ciclo in G che comprende e, per il quale e è l'arco di peso massimo.

Algoritmo di Kruskal

Considera gli archi l'uno dopo l'altro, in ordine crescente di peso, valutando se inserire ogni arco nell'insieme E^\prime degli archi dell'albero.

Nel considerare l'arco (u, v), possiamo avere due possibilità:

- $lackbox{0}$ u e v già collegati in G=(V,E'), quindi l'arco (u,v) chiude un ciclo: in tal caso (u,v) è l'arco più pesante nel ciclo, e quindi non appartiene al minimo albero di ricoprimento;
- ② u e v non sono già collegati in G=(V,E'), quindi esiste almeno un taglio che separa u da v: di tale taglio (u,v), essendo il primo arco considerato, e il più leggero, e quindi esso appartiene all'albero e va messo in E'

L'algoritmo di Kruskal opera a partire da una situazione in cui esistono n componenti connesse distinte (gli n nodi isolati), ognuna con un proprio minimo albero di ricoprimento (l'insieme vuoto degli archi)

Strutture di dati utilizzate:

- 1 coda con priorità PQ contenente l'insieme degli archi del grafo e i loro pesi;
- ② struttura di dati che rappresenta una partizione dell'insieme dei nodi in modo tale da consentire di verificare se due nodi appartengono allo stesso sottoinsieme e da effettuare l'unione dei sottoinsiemi di appartenenza di due elementi;
- array set che associa a ogni nodo del grafo un riferimento al corrispondente elemento nella struttura di dati precedente;
- (a) lista doppia mst, utilizzata per memorizzare gli archi nel minimo albero ricoprente, quando sono individuati dall'algoritmo.

```
Kruskal():
     FOR (u = 0; u < n; u = u + 1) {
        FOR (x = listaAdiacenza[u].inizio; x != null; x = x.succ) {
4
          v = x.dato;
          elemento.dato = <u, v>;
6
          elemento.peso = x.peso;
7
          PQ.Enqueue( elemento );
8
9
        set[u] = NuovoNodo();
       Crea( set[u] ):
12
     WHILE (!PQ.Empty()) {
        elemento = PQ.Dequeue();
14
        <u,v> = elemento.dato;
15
        IF (!Appartieni( set[u], set[v] )) {
16
          Unisci( set[u], set[v] );
          mst.InserisciFondo( <u,v> );
     }
[alvie]
```

Costo: $O((m+n)\log n)$

Algoritmo di Jarník-Prim

- \bullet parte da un qualunque nodo s e fa crescere un minimo albero ricoprente a partire da tale nodo, aggiungendo man mano nuovi nodi e archi all'albero stesso
- se T indica la porzione di minimo albero ricoprente attualmente costruita, l'algoritmo sceglie l'arco (u,v) tale che esso è di peso minimo nel taglio tra $u\in T$ e $v\in V-T$
- ullet v viene aggiunto a T e (u,v) all'insieme E'
- ullet termina quando tutti i nodi sono in T

Ogni arco aggiunto a E^\prime è il più leggero nel taglio che separa T da V-T e quindi deve far parte del minimo albero ricoprente del grafo.

Al termine dell'algoritmo si ha che $\mid E'\mid =n-1$, quindi tutti gli archi dell'albero compaiono in E'

Implementazione efficiente: punto critico = selezione efficiente dell'arco di peso minimo tra T a V-T

- ullet Soluzione banale: ogni volta scansione di tutti gli m archi. Tempo di esecuzione O(nm), peggiore dell'algoritmo di Kruskal
- Soluzione più efficiente: uso di coda con priorità PQ per mantenere l'insieme dei nodi in V-T. Peso di ogni nodo $v\in V-T$ è il peso dell'arco più leggero che collega va un qualche nodo in T. Tempo di esecuzione dipende dall'implementazione di PQ:

```
.Jarník-Prim():
     FOR (u = 0; u < n; u = u + 1) {
        incluso[u] = FALSE;
4
     pred[u] = u;
5
        elemento.peso = peso[u] = +\infty;
6
       elemento.dato = u:
      PQ.Enqueue( elemento );
8
9
     WHILE (!PQ.Empty()) {
        elemento = PQ.Dequeue();
      v = elemento.dato;
       incluso[v] = TRUE;
13
       mst.InserisciFondo( <pred[v], v> );
        FOR (x = listaAdiacenza[v].inizio; x != null; x = x.succ) {
14
15
          u = x.dato:
16
          IF (!incluso[u] && x.peso < peso[u]) {</pre>
17
            pred[u] = v;
18
            peso[u] = x.peso;
19
            PQ.DecreaseKey(u, peso[u]);
[alvie]
```