

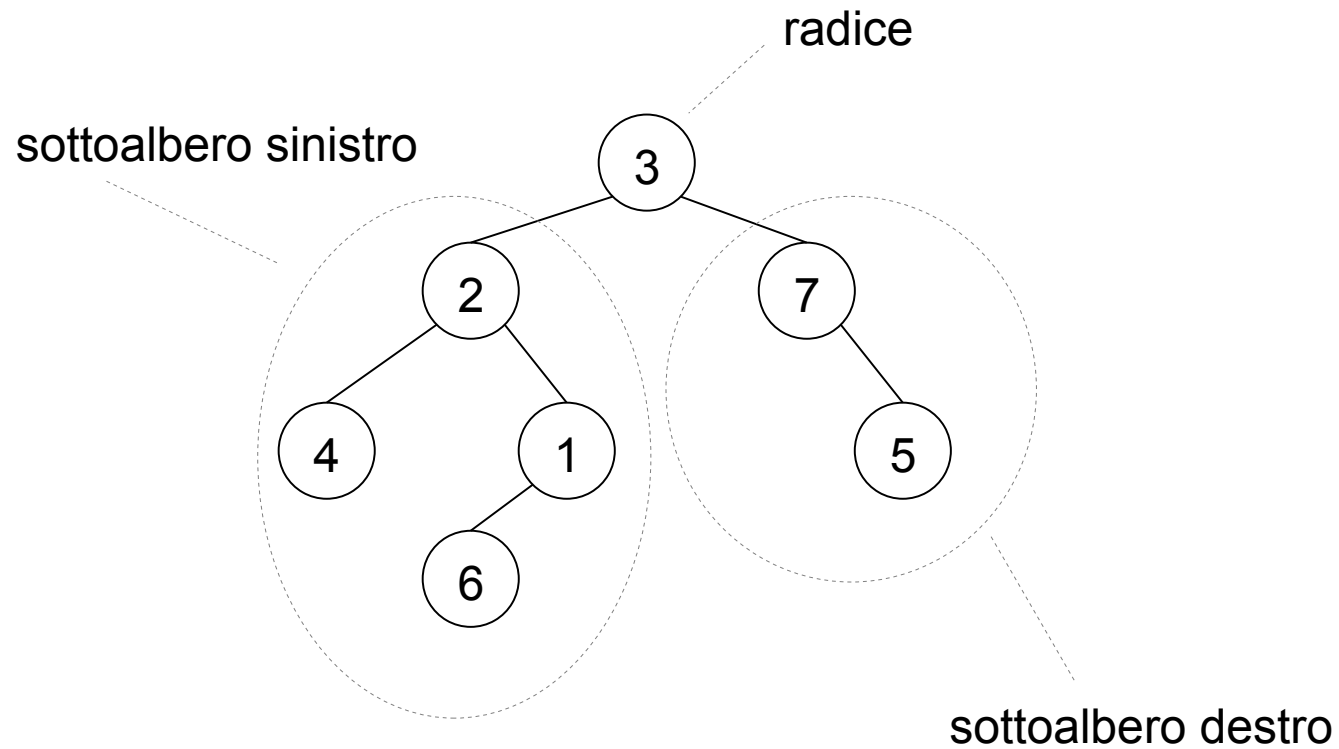
Strutture dati

(parte II: alberi e grafi)

Alberi binari

- Un **albero binario** è fatto di 3 elementi: un nodo *radice*; un albero binario che è il *sottoalbero sinistro*, ed un albero binario che è il *sottoalbero destro*
 - è una definizione ricorsiva
 - un sottoalbero può essere *vuoto* (*NIL*)
- Ad ogni nodo dell'albero associamo un oggetto con una *chiave*

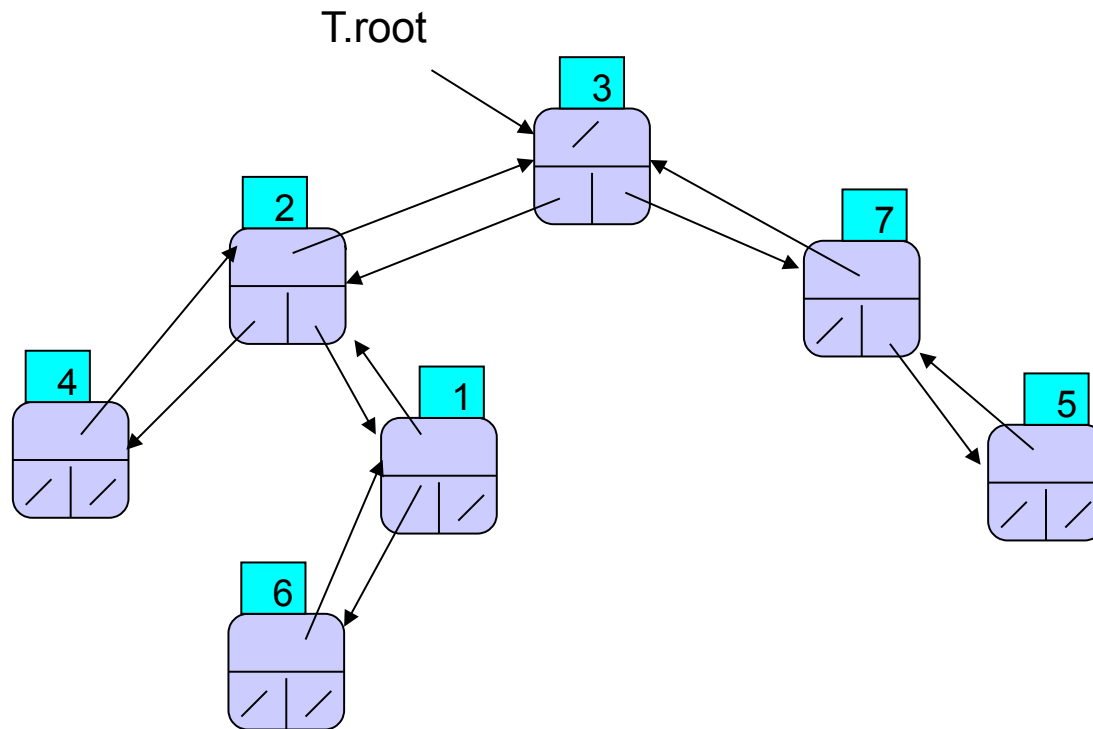
Esempio di albero binario



Rappresentazione di alberi binari

- Tipicamente si rappresentano alberi binari mediante strutture dati concatenate
 - abbiamo però anche visto la rappresentazione mediante array
- Ogni nodo dell'albero è rappresentato da un oggetto che ha i seguenti attributi
 - *key*, la chiave del nodo (che per noi ne rappresenta il contenuto)
 - tipicamente ci sono anche i dati satelliti
 - *p*, che è il (puntatore al) nodo padre
 - *left*, che è il (puntatore al) sottoalbero sinistro
 - *left* è la radice del sottoalbero sinistro
 - *right* che è il (puntatore al) sottoalbero destro
 - è la radice del sottoalbero destro
- ogni albero *T* ha un attributo, *T.root*, che è il puntatore alla radice dell'albero

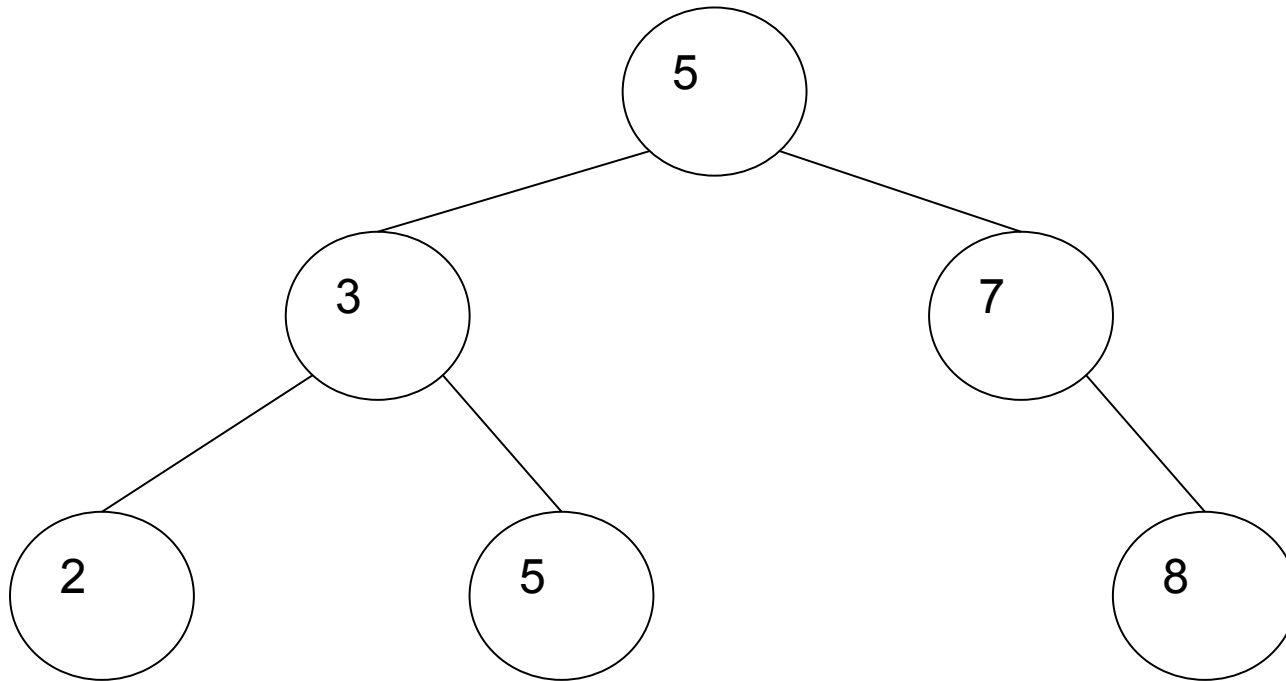
- Si noti che:
 - se il sottoalbero sinistro (destro) di un nodo x è vuoto, allora $x.left = NIL$ ($x.right = NIL$)
 - $x.p = NIL$ se e solo se x è la radice (cioè $x = T.root$)
- Per esempio:



Alberi binari di ricerca (Binary Search Trees)

- Un albero binario di ricerca (Binary Search Tree, BST) è un albero binario che soddisfa la seguente proprietà:
 - per tutti i nodi x del BST, se l è un nodo nel sottoalbero sinistro, allora $l.key \leq x.key$; se r è un nodo del sottoalbero destro, allora $x.key \leq r.key$
 - tutti i nodi l del sottoalbero sinistro di un nodo x sono tali che, per tutti i nodi r nel sottoalbero destro di x vale $l.key \leq r.key$

esempio



- Una tipica operazione che viene fatta su un albero è di attraversarlo (*walk through*)
- Lo scopo dell'attraversamento di un albero è di produrre (le chiavi associate a) gli elementi dell'albero
- Ci sono diversi modi di attraversare un albero; un modo è l'attraversamento simmetrico (**inorder tree walk**)
 - prima si visita il sottoalbero sinistro e si restituiscono i suoi nodi
 - quindi si restituisce la radice
 - quindi si visita il sottoalbero destro e si restituiscono i suoi nodi
- Si noti che:
 - come spesso accade con gli algoritmi sugli alberi (che è un astruttura dati inerentemente ricorsiva), l'attraversamento simmetrico è un algoritmo ricorsivo
 - con l'attraversamento simmetrico gli elementi di un albero sono restituiti *ordinati*
 - per esempio, l'attraversamento simmetrico sull'albero precedente produce le chiavi seguenti: 2, 3, 5, 5, 7, 8

Algoritmi di attraversamento

INORDER-TREE-WALK(x)

```
1 if  $x \neq \text{NIL}$ 
2   INORDER-TREE-WALK( $x.\text{left}$ )
3   print  $x.\text{key}$ 
4   INORDER-TREE-WALK( $x.\text{right}$ )
```

- Se T è un BST, INORDER-TREE-WALK($T.\text{root}$) stampa tutti gli elementi di T in ordine crescente
- Se n è il numero di nodi nel (sotto)albero, il tempo di esecuzione per INORDER-TREE-WALK è $\Theta(n)$
 - se l'albero è vuoto, è eseguito in tempo costante c
 - se l'albero ha 2 sottoalberi di dimensioni k e $n-k-1$, $T(n)$ è dato dalla ricorrenza $T(n) = T(k) + T(n-k-1) + d$, che ha soluzione $(c+d)n+c$
 - lo si può vedere sostituendo la soluzione nell'equazione

- Altre possibili strategie di attraversamento: *anticipato* (**preorder** tree walk), e *posticipato* (**postorder** tree walk)
 - in preorder, la radice è restituita *prima* dei sottoalberi
 - in postorder, la radice è restituita *dopo* i sottoalberi
- Esercizio: scrivere lo pseudocodice per PREORDER-TREE-WALK e POSTORDER-TREE-WALK

Operazioni sui BST

- Sfruttiamo la proprietà di essere un BST per realizzare la *ricerca*:
 - confronta la chiave della radice con quella cercata
 - se sono uguali, l'elemento è quello cercato
 - se la chiave della radice è più grande, cerca nel sottoalbero sinistro
 - se la chiave della radice è più grande, cerca nel sottoalbero destro

TREE-SEARCH(x, k)

1 **if** $x = \text{NIL}$ or $k = x.\text{key}$

2 **return** x

3 **if** $k < x.\text{key}$

4 **return** TREE-SEARCH($x.\text{left}, k$)

5 **else return** TREE-SEARCH($x.\text{right}, k$)

- Il tempo di esecuzione è $O(h)$, con h l'altezza dell'albero

- L'elemento *minimo* (risp. *massimo*) in un BST è quello che è più a sinistra (risp. destra)
- Sfruttiamo questa proprietà per definire il seguente algoritmo, che semplicemente “scende” nell'albero
 - MINIMUM scende a sinistra, mentre MAXIMUM scende a destra
 - gli algoritmi restituiscono l'oggetto nell'albero con la chiave minima, non la chiave stessa

TREE-MINIMUM(x)

```
1 while  $x.left \neq NIL$ 
2    $x := x.left$ 
3 return  $x$ 
```

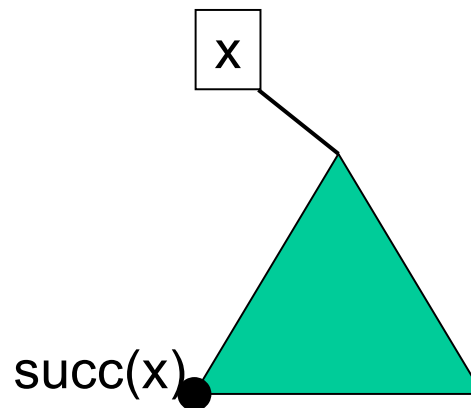
TREE-MAXIMUM(x)

```
1 while  $x.right \neq NIL$ 
2    $x := x.right$ 
3 return  $x$ 
```

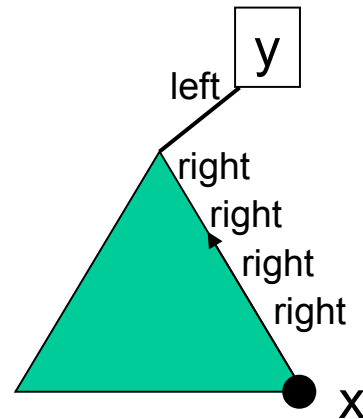
- Entrambi gli algoritmi hanno tempo di esecuzione che è $O(h)$, con h l'altezza dell'albero

Operazioni sui BST (2)

- Il *successore* (risp. *predecessore*) di un oggetto x in un BST è l'elemento y del BST tale che $y.key$ è la più piccola (risp. più grande) tra le chiavi che sono più grandi (risp. piccole) di $x.key$
- di fatto, se il sottoalbero destro di un oggetto x dell'albero non è vuoto, il successore di x è l'elemento più piccolo (cioè il *minimo*) del sottoalbero destro di x



- se il sottoalbero destro di x è vuoto, il successore di x è il primo elemento y che si incontra risalendo nell'albero da x tale che x è nel sottoalbero sinistro di y



*Molto informalmente:
per trovare y mi basta salire dai "right"
fino a quando risalgo un "left"*

TREE-SUCCESSOR(x)

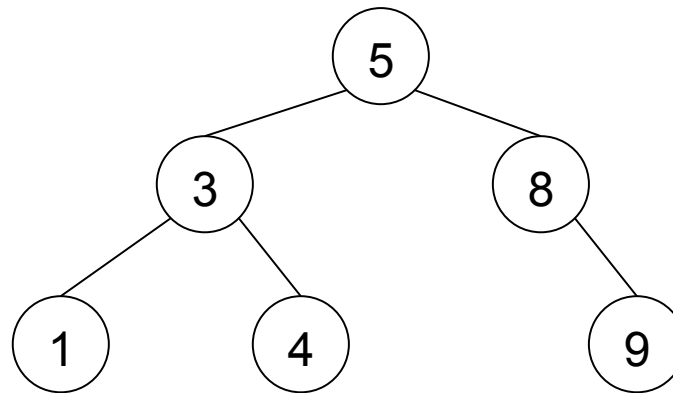
```

1 if  $x.right \neq \text{NIL}$ 
2   return TREE-MINIMUM( $x.right$ )
3  $y := x.p$ 
4 while  $y \neq \text{NIL}$  and  $x = y.right$ 
5    $x := y$ 
6    $y := y.p$ 
7 return  $y$ 
```

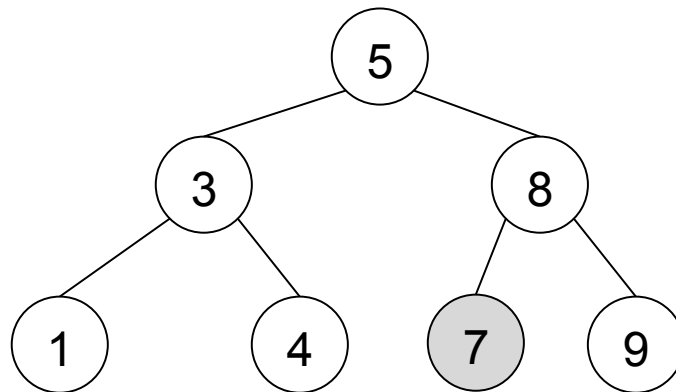
- Il tempo di esecuzione per TREE-SUCCESSOR è $O(h)$
- Esercizio: scrivere l'algoritmo TREE-PREDECESSOR e darne la complessità

Inserimento

- Idea di base per l'inserimento: scendere nell'albero fino a che non si raggiunge il posto in cui il nuovo elemento deve essere inserito, ed aggiungere questo come foglia
- Supponiamo, per esempio, di volere inserire un nodo con chiave 7 nell'albero seguente:



- eseguiamo i seguenti passi:
 - confrontiamo 5 con 7 e decidiamo che il nuovo elemento deve essere aggiunto al sottoalbero destro di 5
 - confrontiamo 8 con 7 e decidiamo che 7 deve essere aggiunto al sottoalbero sinistro di 8
 - notiamo che il sottoalbero sinistro di 8 è vuoto, e aggiungiamo 7 come sottoalbero sinistro di 8
- quindi, otteniamo il nuovo albero:



Insert: pseudocodice

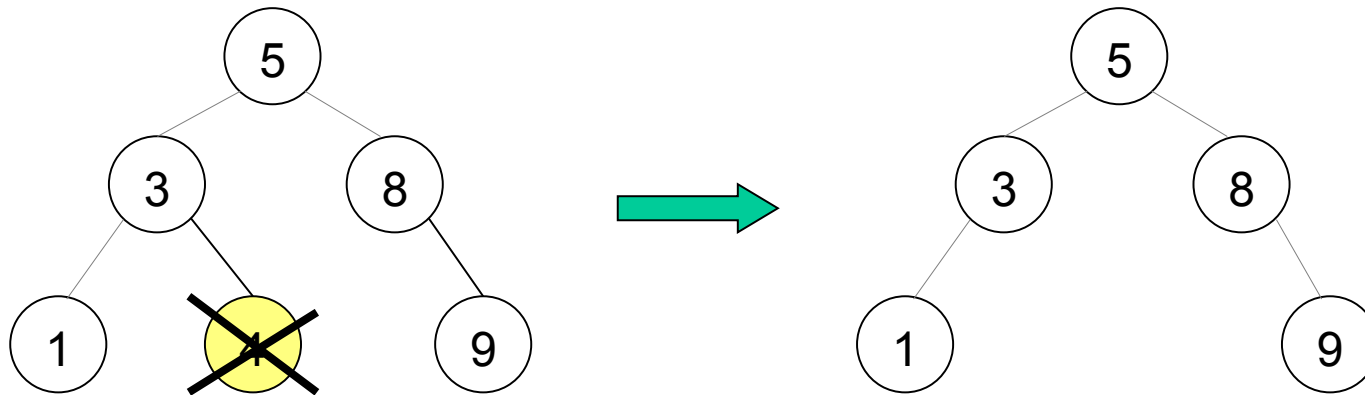
TREE-INSERT(T, z)

```
1   $y := \text{NIL}$ 
2   $x := T.\text{root}$ 
3  while  $x \neq \text{NIL}$ 
4       $y := x$ 
5      if  $z.\text{key} < x.\text{key}$ 
6           $x := x.\text{left}$ 
7      else  $x := x.\text{right}$ 
8   $z.p := y$ 
9  if  $y = \text{NIL}$ 
10      $T.\text{root} := z$  //l'albero T e' vuoto
11 elsif  $z.\text{key} < y.\text{key}$ 
12      $y.\text{left} := z$ 
13 else  $y.\text{right} := z$ 
```

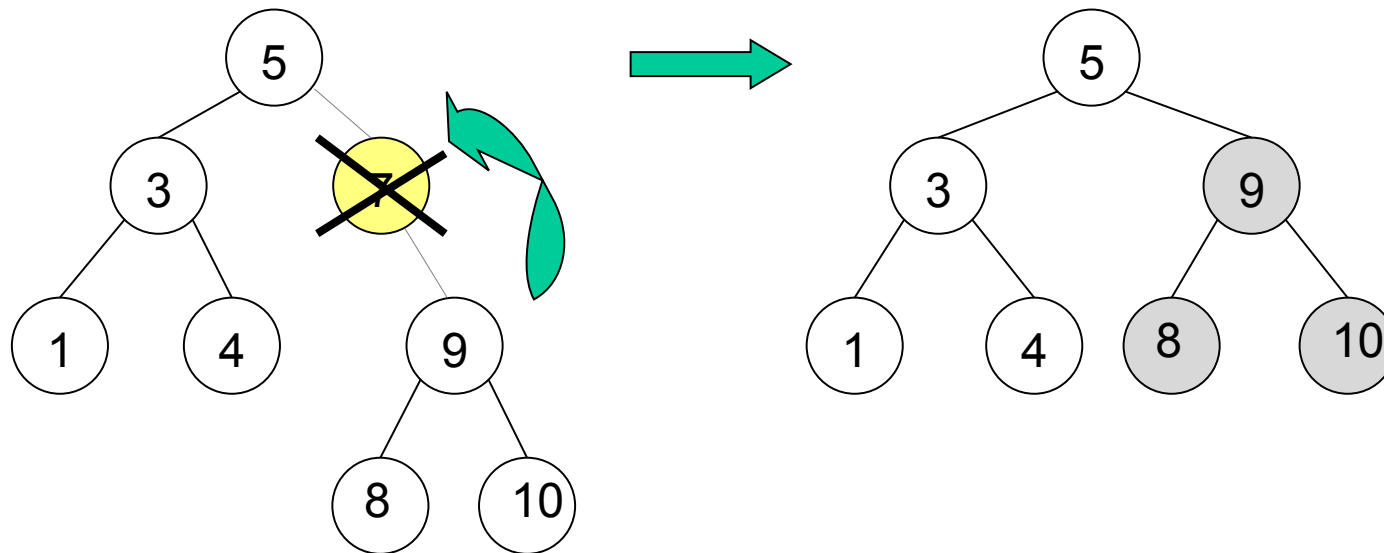
- Si noti che inseriamo un oggetto, z , che assumiamo sia stato inizializzato con la chiave desiderata
- Il tempo di esecuzione di TREE-INSERT è $O(h)$
 - infatti, scendiamo nell'albero nel ciclo **while** (che al massimo richiede tante ripetizioni quanta è l'altezza dell'albero), e il resto (linee 8-13) si fa in tempo costante

Cancellazione

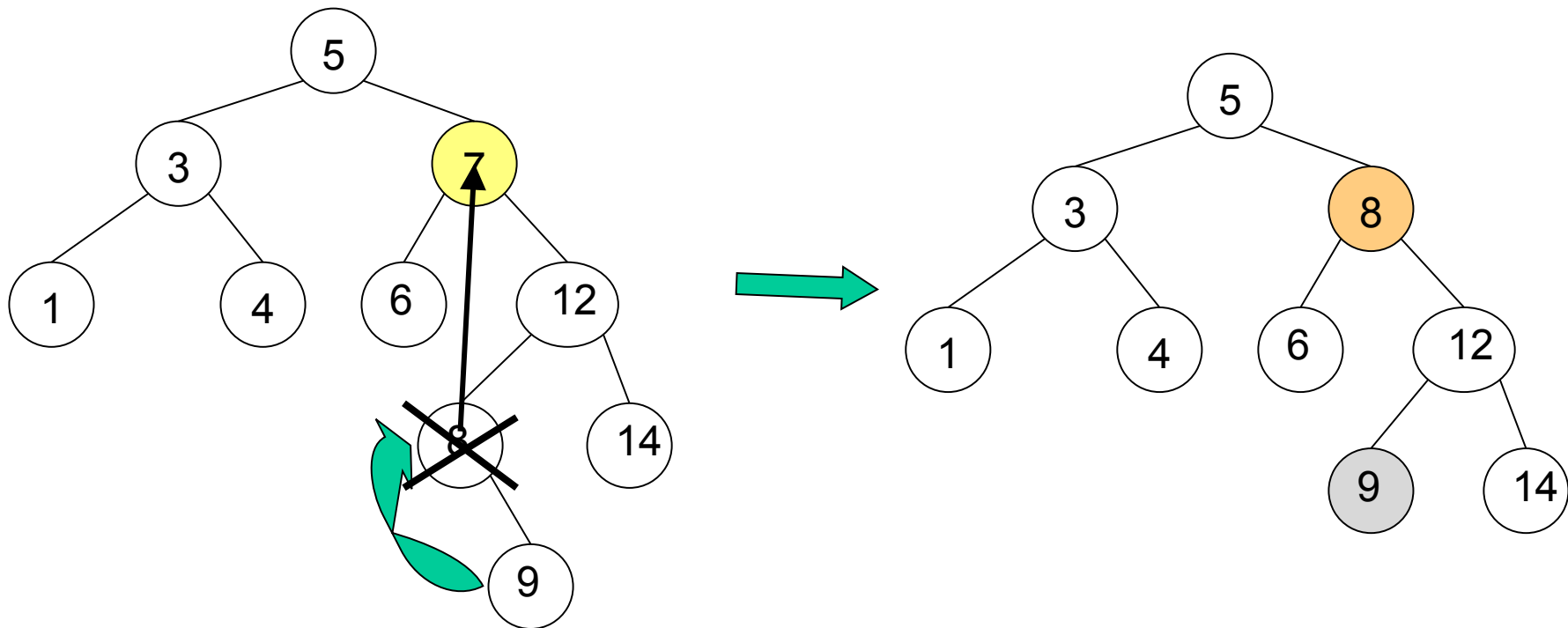
- Quando cancelliamo un oggetto z da un albero, abbiamo 3 possibili casi (a seconda che z sia una foglia o un nodo interno):
 - il nodo z da cancellare *non ha sottoalberi*
 - il nodo z da cancellare *ha 1 sottoalbero*
 - il nodo z da cancellare *ha 2 sottoalberi*
- Il caso 1 è quello più facile, basta mettere a *NIL* il puntatore del padre di z che puntava a z :



- Nel caso 2, dobbiamo spostare l'intero sottoalbero di z su di un livello:



- Nel caso 3 dobbiamo trovare il successore del nodo da cancellare z, copiare la chiave del successore in z, quindi cancellare il successore
 - cancellare il successore potrebbe richiedere di spostare un (il) sottoalbero del successore un livello su
 - si noti che in questo caso l'oggetto originario z non è cancellato, ma il suo attributo *key* viene modificato (l'oggetto effettivamente cancellato è quello con il successore di z)



Delete: pseudocodice

TREE-DELETE(T, z)

```
1  if  $z.left = \text{NIL}$  or  $z.right = \text{NIL}$ 
2     $y := z$ 
3  else  $y := \text{TREE-SUCCESSOR}(z)$ 
4  if  $y.left \neq \text{NIL}$ 
5     $x := y.left$ 
6  else  $x := y.right$ 
7  if  $x \neq \text{NIL}$ 
8     $x.p := y.p$ 
9  if  $y.p = \text{NIL}$ 
10    $T.root := x$ 
11 elseif  $y = y.p.left$ 
12    $y.p.left := x$ 
13 else  $y.p.right := x$ 
14 if  $y \neq z$ 
15    $z.key := y.key$ 
16 return  $y$ 
```

Nota:

y è il nodo da eliminare

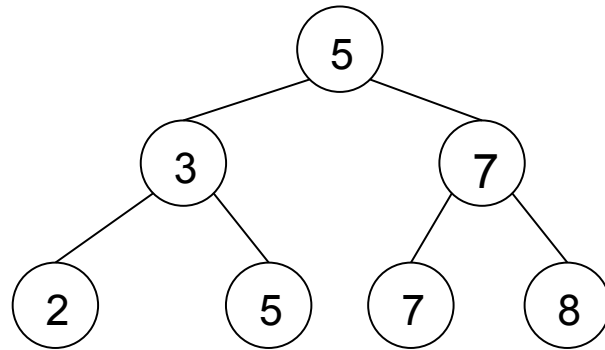
x è quello con cui lo sostituiamo

- In TREE - DELETE, y è il nodo effettivamente da cancellare
- Se z ha non più di un sottoalbero, allora il nodo y da cancellare è z stesso; altrimenti (se z ha entrambi i sottoalberi) è il suo successore (linee 1-3)
 - Si noti che y non può avere più di un sottoalbero
- nelle linee 4-6, ad x viene assegnata la radice del sottoalbero di y se y ne ha uno, *NIL* se y non ha sottoalberi
- le linee 7-13 sostituiscono y con il suo sottoalbero (che ha x come radice)
- nelle linee 14-15, se z ha 2 sottoalberi (che corrisponde caso in cui il nodo y da cancellare è il successore di z , non z stesso), la chiave di z è sostituita con quella del suo successore y

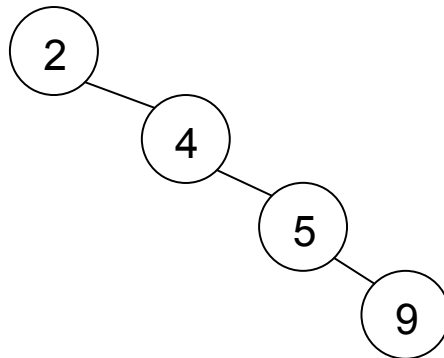
Analisi di complessità

- Il tempo di esecuzione per TREE - DELETE è $O(h)$
 - TREE - SUCCESSOR è $O(h)$, il resto è fatto in tempo costante
- Tutte le operazioni sui BST (SEARCH, MINIMUM, MAXIMUM, SUCCESSOR, PREDECESSOR, INSERT, DELETE) hanno tempo di esecuzione che è $O(h)$
 - cioè, alla peggio richiedo di scendere nell'albero
- Quindi... quanto vale l'altezza di un BST (rispetto al numero dei suoi nodi)?

- Per un albero *completo*, $h = \Theta(\log(n))$
 - un albero è completo se e solo se, per ogni nodo x , o x ha 2 figli, o x è una foglia, e tutte le foglie hanno la stessa profondità



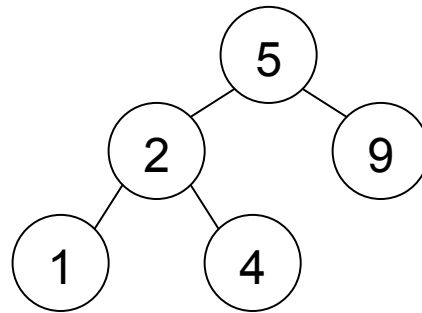
- Nel caso pessimo, però, che si ha se tutti i nodi sono “in linea”, abbiamo $h = \Theta(n)$



Analisi di complessità (2)

- Tuttavia, un BST non deve per forza essere completo per avere altezza h tale che $h = \Theta(\log(n))$
 - abbiamo per esempio visto che questa proprietà vale anche per alberi *quasi completi*
- Abbiamo che $h = \Theta(\log(n))$ anche per un albero *bilanciato*
 - informalmente, diciamo che un albero è bilanciato se e solo se non ci sono 2 foglie nell'albero tali che una è “molto più lontana” dalla radice dell'altra (se si trovano a profondità molto diverse)
 - ci potrebbero essere diverse nozioni di "molto più lontano"
 - una possibile definizione di albero bilanciato (Adelson-Velskii e Landis) è la seguente: un albero è *bilanciato* se e solo se, per ogni nodo x dell'albero, le altezze dei 2 sottoalberi di x differiscono al massimo di 1

- Esempio:



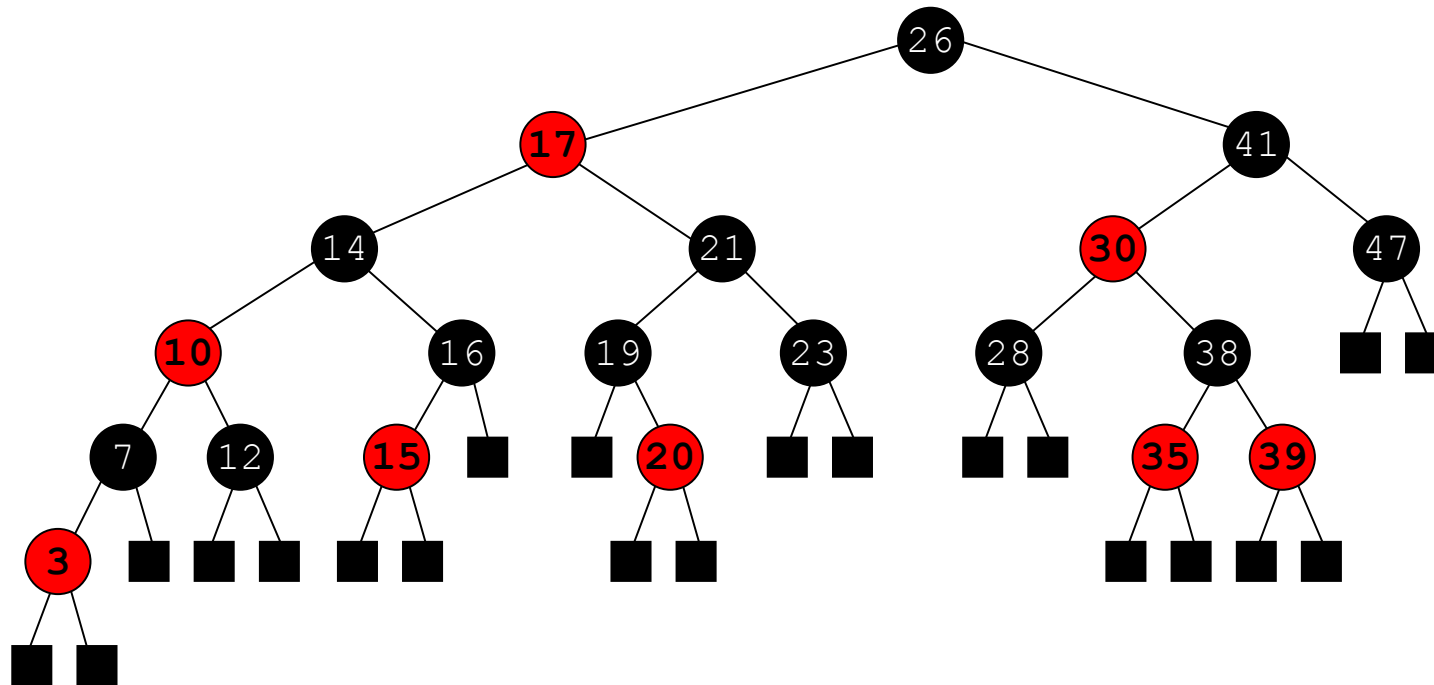
- Ci sono diverse tecniche per mantenere un albero bilanciato:
 - alberi *rosso-neri* (red-black)
 - alberi AVL
 - etc.
- Inoltre, si può dimostrare che l'altezza attesa di un albero è $O(\log(n))$ se le chiavi sono inserite in modo casuale, con distribuzione uniforme

Alberi rosso-neri (red-black)

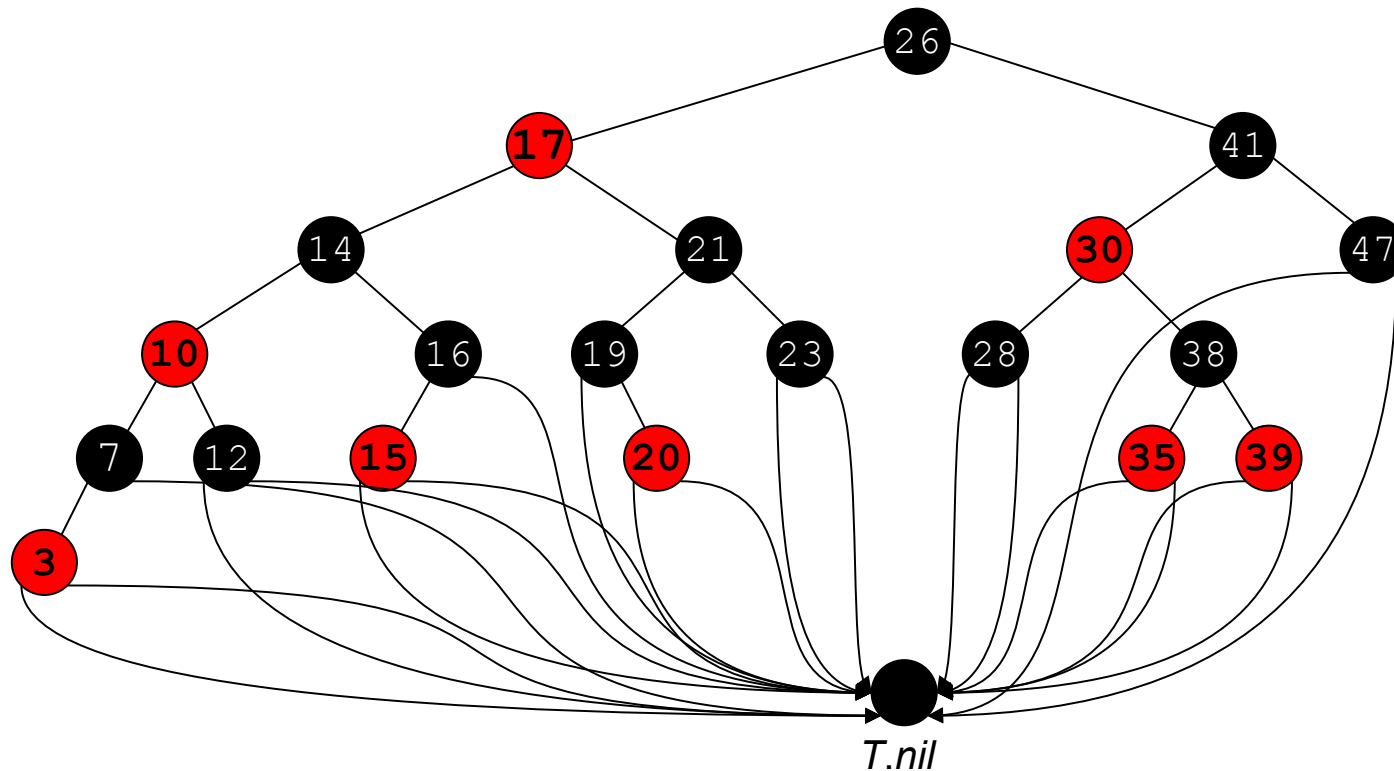
- Gli alberi rosso-neri (RB) sono BST “abbastanza” bilanciati, cioè l'altezza dell'albero $h = O(\log(n))$ ed è possibile realizzare tutte le operazioni più importanti in tempo $O(\log(n))$
- Negli alberi RB non si ha mai che un ramo dell'albero sia lungo più del doppio di un altro ramo
 - è una nozione di “bilanciamento” diversa da quella degli alberi AVL, ma dà comunque $h = O(\log(n))$
- Idea alla base degli alberi RB:
 - ogni nodo ha un colore, che può essere solo rosso o nero
 - i colori sono distribuiti nell'albero in modo da garantire che nessun ramo dell'albero sia 2 volte più lungo di un altro

- Ogni nodo di un albero RB ha 5 attributi: *key*, *left*, *right*, *p*, e *color*
 - convenzione: le foglie sono i nodi NIL, tutti i nodi non NIL (che hanno quindi una chiave associata) sono nodi interni
- Un BST è un albero RB se soddisfa le seguenti 5 proprietà:
 - 1) ogni nodo è o rosso o nero
 - 2) la radice è nera
 - 3) le foglie (NIL) sono tutte nere.
 - 4) i figli di un nodo rosso sono entrambi neri
 - 5) per ogni nodo x tutti i cammini da x alle foglie sue discendenti contengono lo stesso numero $bh(x)$ di nodi neri
 - $bh(x)$ è la **altezza nera** (black height) del nodo x
 - Il nodo x non è contato in $bh(x)$ anche se nero.

Esempi di alberi RB



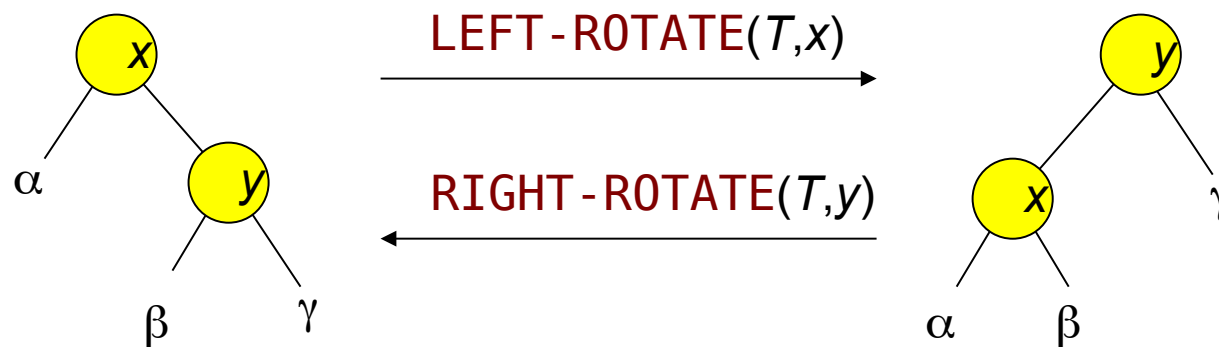
- Per comodità, per rappresentare tutte le foglie NIL, si usa un unico nodo sentinella $T.nil$
 - è un nodo particolare accessibile come attributo dell'albero T
 - tutti i riferimenti a NIL (compreso il padre della radice) sono sostituiti con riferimenti a $T.nil$



Proprietà degli alberi RB

- Un albero rosso-nero con n nodi interni (n nodi con chiavi, per la convenzione usata) ha altezza $h \leq 2 \log_2(n+1)$
 - il numero di nodi interni di un (sotto)albero con radice x è $\geq 2^{bh(x)} - 1$, (si dimostra per induzione sull'altezza di x)
 - per la proprietà 4, almeno metà dei nodi dalla radice x (esclusa) ad una foglia sono neri, quindi $bh(x) \geq h/2$, e (sostituendo al punto precedente) $n \geq 2^{h/2} - 1$, da cui discende che $h \leq 2 \log_2(n+1)$
- Come conseguenza di questa proprietà, SEARCH, MINIMUM, MAXIMUM, SUCCESSOR e PREDECESSOR richiedono tempo $O(\log(n))$ se applicate ad un albero RB con n nodi
 - queste operazioni non modificano l'albero, che viene semplicemente trattato come un BST
 - il loro pseudocodice è come quello visto in precedenza

- INSERT e DELETE si possono anch'esse fare con complessità $O(\log(n))$, ma devono essere modificate rispetto a quelle viste prima
 - devono essere tali da mantenere le 5 proprietà degli alberi RB
- Il meccanismo fondamentale per realizzare INSERT e DELETE è quello delle *rotazioni*: verso sinistra (LEFT-ROTATE) o verso destra (RIGHT-ROTATE)



Pseudocodice per rotazioni

LEFT-ROTATE(T, x)

```
1   $y := x.right$ 
2   $x.right := y.left$   //il sottoalbero sinistro di y
                        //diventa quello destro di x
3  if  $y.left \neq T.nil$ 
4     $y.left.p := x$ 
5   $y.p := x.p$           //attacca il padre di x a y
6  if  $x.p = T.nil$ 
7     $T.root := y$ 
8  elseif  $x = x.p.left$ 
9     $x.p.left := y$ 
10 else  $x.p.right := y$ 
11  $y.left := x$           //mette x a sinistra di y
12  $x.p := y$ 
```

- Una rotazione su un BST mantiene la proprietà di essere BST
- Esercizio per casa: scrivere lo pseudocodice per RIGHT-ROTATE

RB - INSERT

- L'inserimento è fatto in modo analogo a quello dei BST, ma alla fine occorre ristabilire le proprietà dagli alberi RB se queste sono state violate
 - per ristabilire le proprietà si usa un algoritmo RB-INSERT-FIXUP (che vedremo dopo)
- Uguale a TREE-INSERT, salvo che per l'uso di *T.nil* al posto di NIL e l'aggiunta delle righe 14-17:

```

RB-INSERT(T, z)
1  y := T.nil           // y padre del nodo considerato
2  x := T.root          // nodo considerato
3  while x ≠ T.nil
4      y := x
5      if z.key < x.key
6          x := x.left
7      else x := x.right
8  z.p := y
9  if y = T.nil
10     T.root := z      //l'albero T e' vuoto
11 elsif z.key < y.key
12     y.left := z
13 else y.right := z
14 z.left := T.nil
15 z.right := T.nil
16 z.color := RED
17 RB-INSERT-FIXUP(T, z)

```

```

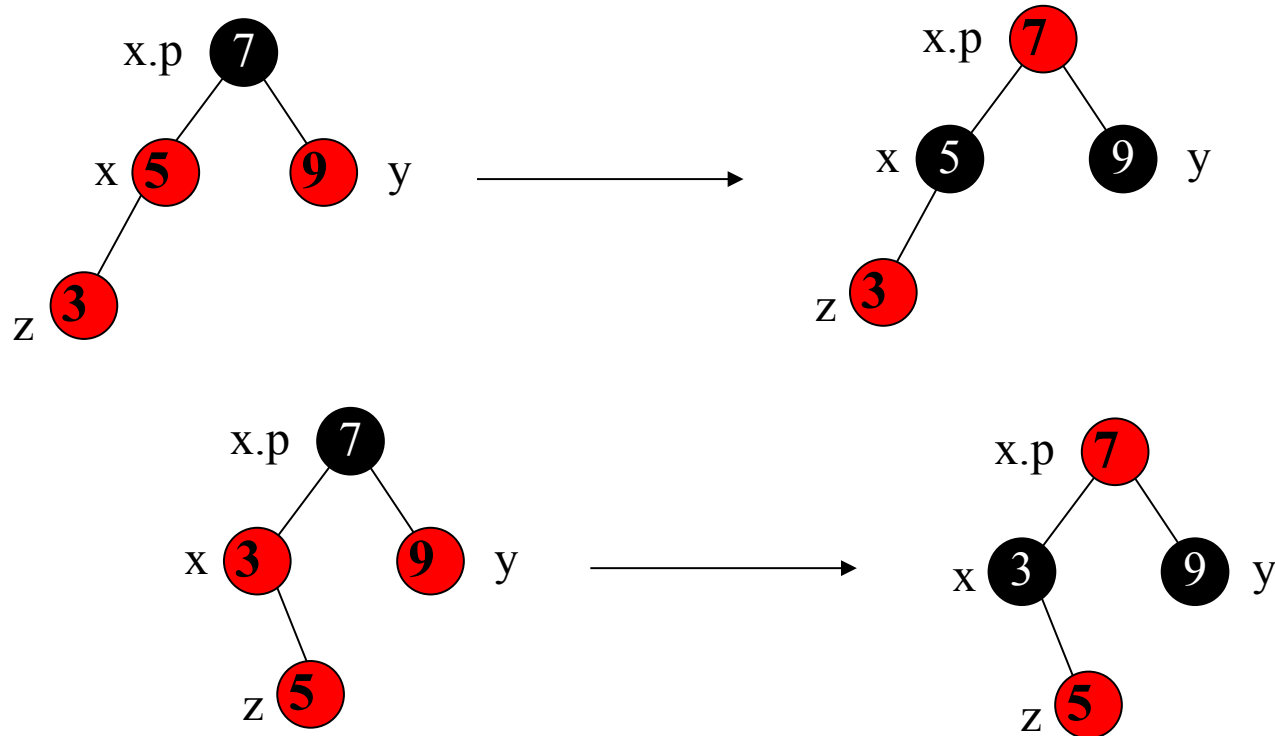
RB-INSERT-FIXUP(T, z)
1  if z = T.root
2      T.root.color = BLACK
3  else x := z.p           // x e' il padre di z
4      if x.color = RED
5          if x = x.p.left   // se x e' figlio sin.
6              y := x.p.right // y e' fratello di x
7              if y.color = RED
8                  x.color := BLACK           // Caso 1
9                  y.color := BLACK           // Caso 1
10                 x.p.color := RED           // Caso 1
11                 RB-INSERT-FIXUP(T,x.p)     // Caso 1
12             else if z = x.right
13                 z := x                     // Caso 2
14                 LEFT-ROTATE(T, z)          // Caso 2
15                 x := z.p                   // Caso 2
16                 x.color := BLACK           // Caso 3
17                 x.p.color := RED           // Caso 3
18                 RIGHT-ROTATE(T, x.p)       // Caso 3
19             else (come 6-18, scambiando "right"↔"left")

```

- RB-INSERT-FIXUP è invocato sempre su un nodo z tale che $z.color = RED$
 - per questo motivo, se la condizione alla linea 4 è non verificata (cioè se il padre di z è di colore nero) non ci sono ulteriori modifiche da fare
- Ora vediamo come funziona:

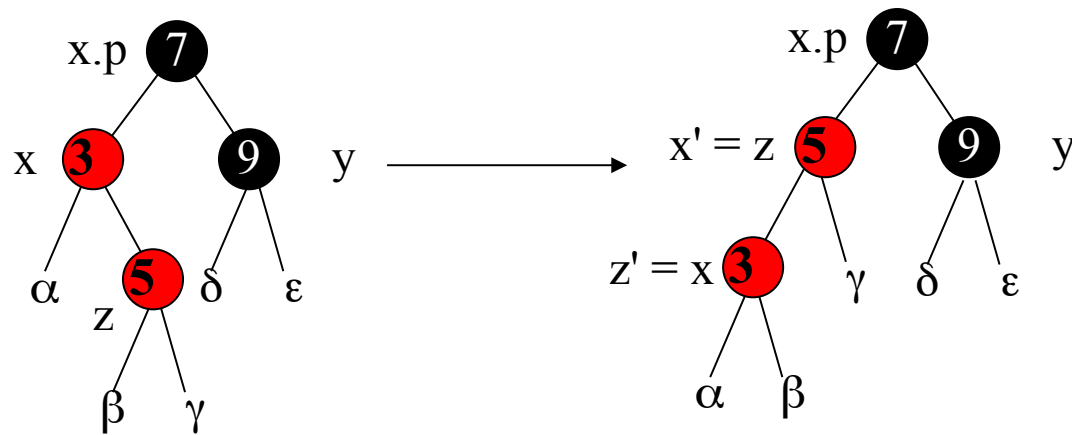
Funzionamento:

- Caso 1: y rosso



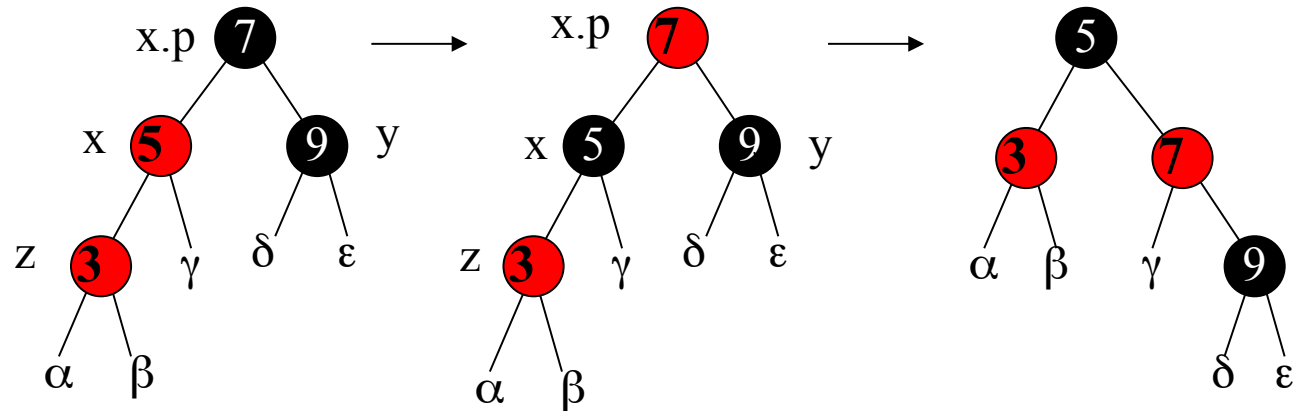
- quindi ripeto la procedura su $x.p$, in quanto il padre di $x.p$ potrebbe essere di colore rosso, nel qual caso la proprietà 4 degli alberi RB non sarebbe (ancora) verificata

- Caso 2: y nero e z figlio destro di x



- a questo punto ci siamo messi nel caso 3

- Caso 3: y nero e z figlio sinistro di x



- Ogni volta che *RB-INSERT-FIXUP* viene invocato esso può o terminare (casi 2 e 3), o venire applicato ricorsivamente risalendo 2 livelli nell'albero (caso 1)
 - quindi può essere invocato al massimo $O(h)$ volte, cioè $O(\log(n))$
 - si noti che una catena di invocazioni di *RB-INSERT-FIXUP* esegue al massimo 2 rotazioni (l'ultima chiamata)

```

RB-DELETE(T, z)
1  if z.left = T.nil or z.right = T.nil
2      y := z
3  else y := TREE-SUCCESSOR(z)
4  if y.left ≠ T.nil
5      x := y.left
6  else x := y.right
7  x.p := y.p           // x potrebbe essere T.nil
8  if y.p = T.nil
9      T.root := x
10 elseif y = y.p.left
11     y.p.left := x
12 else y.p.right := x
13 if y ≠ z
14     z.key := y.key
15 if y.color = BLACK
16     RB-DELETE-FIXUP(T,x)
17 return y

```

- Uguale a TREE-DELETE, salvo che per l'uso di *T.nil* al posto di NIL (che permette l'eliminazione dell'if alla linea 7), e l'aggiunta delle righe 15-16
- Se viene cancellato un nodo rosso (cioè se $y.color = RED$) non c'è bisogno di modificare i colori dei nodi
- per come è fatto RB-DELETE, viene cancellato un nodo (y) che ha al massimo un figlio diverso da *T.nil*, e se $y.color = RED$ il nodo x che prende il posto di y è per forza nero

```

RB-DELETE-FIXUP(T, x)
1  if x.color = RED or x.p = T.nil
2      x.color := BLACK                // Caso 0
3  elseif x = x.p.left                 // x e' figlio sinistro
4      w := x.p.right                 // w e' fratello di x
5      if w.color = RED
6          w.color := BLACK            // Caso 1
7          x.p.color := RED            // Caso 1
8          LEFT-ROTATE(T,x.p)          // Caso 1
9          w := x.p.right              // Caso 1
10     if w.left.color = BLACK and w.right.color = BLACK
11         w.color := RED              // Caso 2
12         RB-DELETE-FIXUP(T,x.p)      // Caso 2
13     else if w.right.color = BLACK
14         w.left.color := BLACK       // Caso 3
15         w.color := RED              // Caso 3
16         ROTATE-RIGHT(T,w)          // Caso 3
17         w := x.p.right              // Caso 3
18         w.color := x.p.color        // Caso 4
19         x.p.color := BLACK          // Caso 4
20         w.right.color := BLACK      // Caso 4
21         ROTATE-LEFT(T,x.p)         // Caso 4
19 else (come 4-21, scambiando "right"↔"left")

```

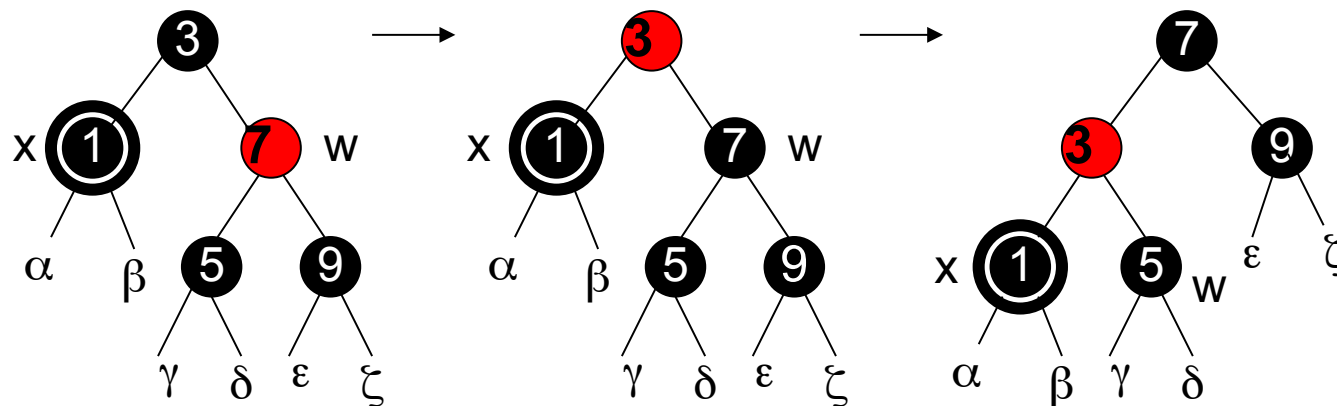
Idea: il nodo x passato come argomento si porta dietro un "nero in più", che, per fare quadrare i conti, può essere eliminato solo a certe condizioni

Funzionamento di RB-DELETE-FIXUP

- Caso 0: x è un nodo rosso, oppure è la radice

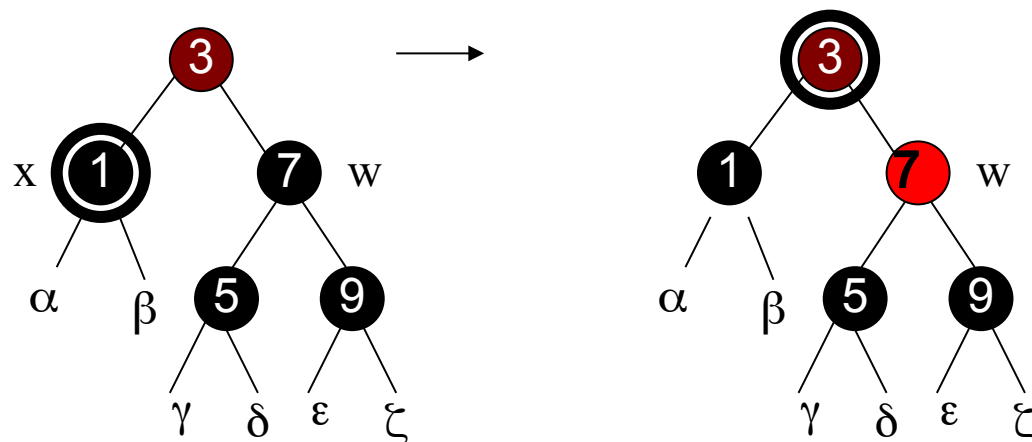


- Caso 1: x è un nodo nero, il suo fratello destro w è rosso, e di conseguenza il padre $x.p$ è nero



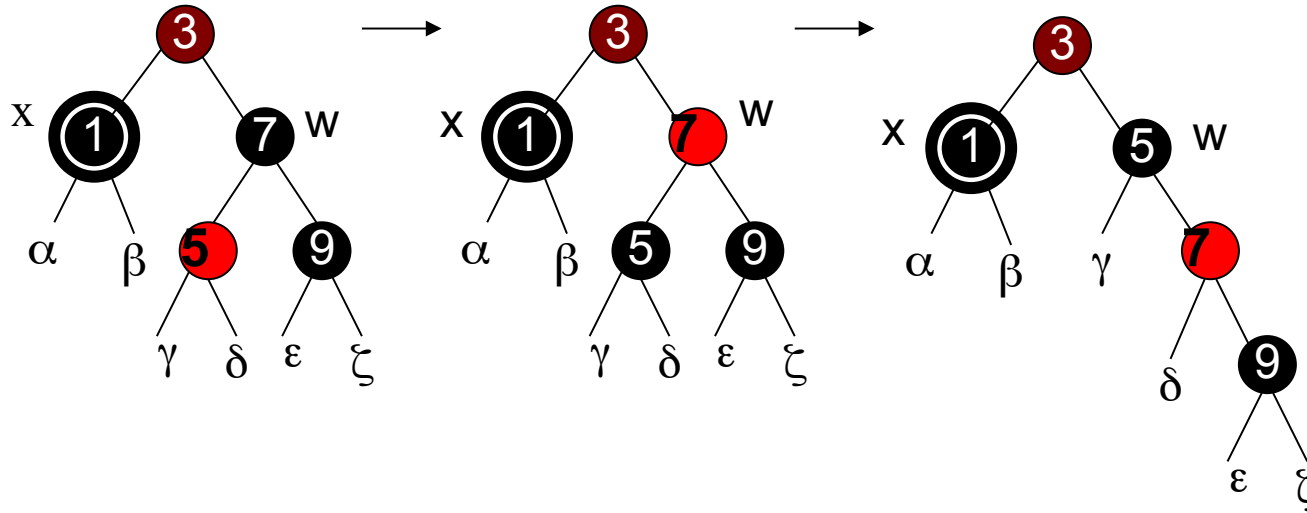
- diventa o il caso 2, o il caso 3, o il caso 4

- Caso 2: x è nero, suo fratello destro w è nero con figli entrambi neri



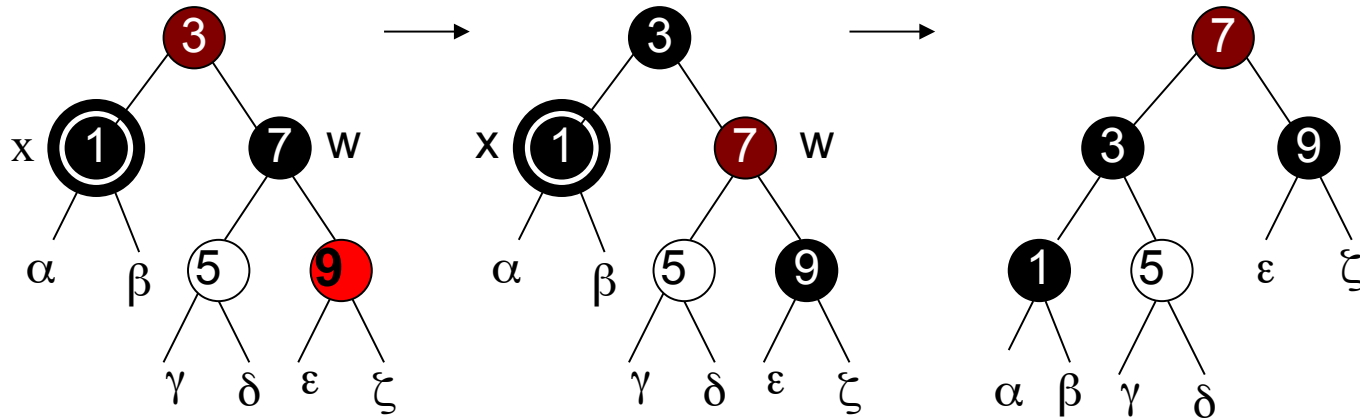
- se arriviamo al caso 2 dal caso 1, allora $x.p$ è rosso, e quando RB-DELETE-FIXUP viene invocato su di esso termina subito (arriva subito al caso 0)

- Caso 3: x è nero, suo fratello destro w è nero con figlio sinistro rosso e figlio destro nero



diventa il caso 4

- Caso 4: x è nero, suo fratello destro w è nero con figlio destro rosso

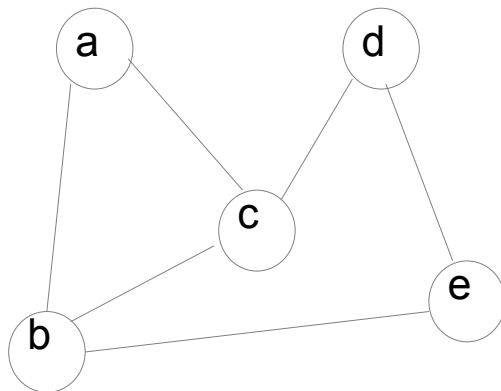


- Ogni volta che RB-DELETE-FIXUP viene invocato esso può o terminare (casi 0, 1, 3 e 4), o venire applicato ricorsivamente risalendo un livello nell'albero (caso 2 non proveniente da 1)
 - quindi può essere invocato al massimo $O(h)$ volte, cioè $O(\log(n))$
 - si noti che una catena di invocazioni di RB-DELETE-FIXUP esegue al massimo 3 rotazioni (se il caso 1 diventa 3 e poi 4)

Richiamo sui grafi

- Un grafo è una coppia $G = (V, E)$, in cui:
 - V è un insieme di *nodi* (detti anche *vertici*)
 - E è un insieme di *archi* (detti anche *lati*, o *edges*)
- Un arco è una connessione tra 2 vertici
 - 2 vertici connessi da un arco sono detti *adiacenti*
 - se un arco e connette 2 vertici u e v , può essere rappresentato dalla coppia (u, v) di vertici che connette
 - quindi, $E \subseteq V^2$
- $|V|$ è il numero di vertici nel grafo, mentre $|E|$ è il numero di archi
 - $0 \leq |E| \leq |V|^2$

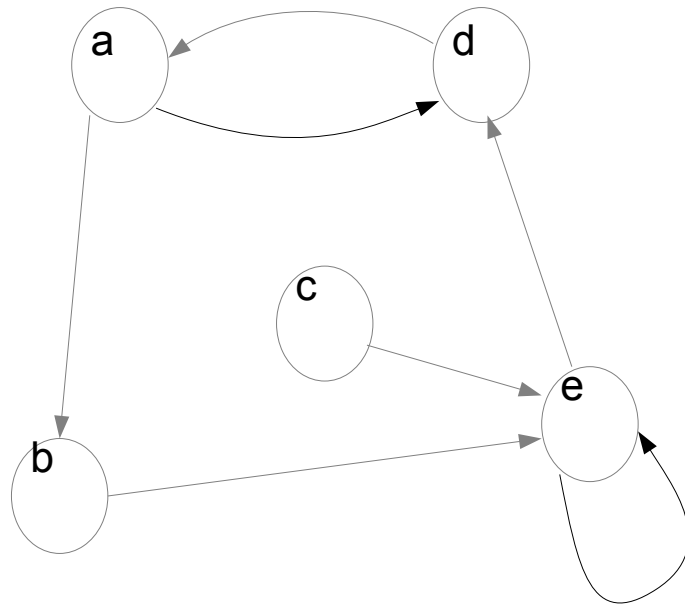
- Ci sono 2 tipi di grafi: *orientati* e *non orientati*
 - in un grafo non orientato, un arco (u, v) è lo stesso di (v, u) (non c'è nozione di direzione da un nodo all'altro)
 - In un grafo orientato (u, v) "va dal" nodo u al nodo v , ed è diverso da (v, u)



$V = \{a, b, c, d, e\}$
 $E = \{(b, a) (a, c) (b, c) (d, c) (e, d) (b, e)\}$

- L'ordine dei vertici negli archi è irrilevante

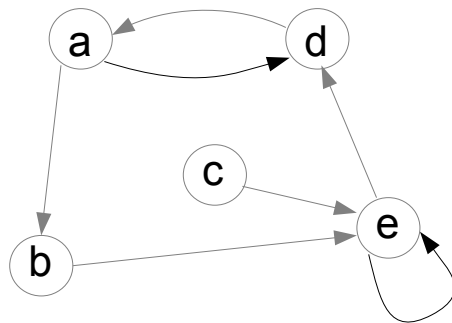
esempio di grafo orientato



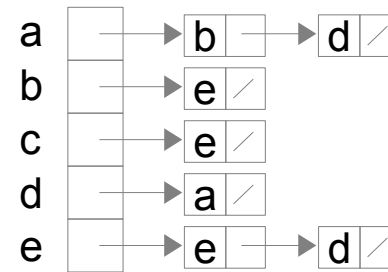
$V = \{a, b, c, d, e\}$
 $E = \{(a, b) (a, d) (d, a) (b, e)$
 $(c, e) (e, d), (e, e)\}$

Rappresentazione di grafi in memoria

- 2 tecniche principali:
 - liste di adiacenza
 - matrice di adiacenza
- Grafo orientato



$V = \{a, b, c, d, e\}$
 $E = \{(a, b) (a, d) (d, a) (b, e)$
 $(c, e) (e, d), (e, e)\}$



Liste ad.

	a	b	c	d	e
a	0	1	0	1	0
b	0	0	0	0	1
c	0	0	0	0	1
d	1	0	0	0	0
e	0	0	0	1	1

Matrice ad.

- Nel caso di liste di adiacenza abbiamo un array di liste
 - c'è una lista per ogni nodo del grafo
 - per ogni vertice v , la lista corrispondente contiene i vertici adiacenti a v
- In una matrice di adiacenza M , l'elemento m_{ij} è 1 se c'è un arco dal nodo i al nodo j , 0 altrimenti
- In entrambi i casi, dato un nodo u in un grafo G , l'attributo $u.Adj$ rappresenta l'insieme di vertici adiacenti a u
- Quanto è grande una rappresentazione con liste di adiacenza?
 - il numero totale di elementi nelle liste è $|E|$
 - il numero di elementi nell'array è $|V|$
 - la complessità *spaziale* è $\Theta(|V| + |E|)$
- Quanto è grande la matrice di adiacenza?
 - la dimensione della matrice è $|V|^2$, quindi la sua complessità è $\Theta(|V|^2)$

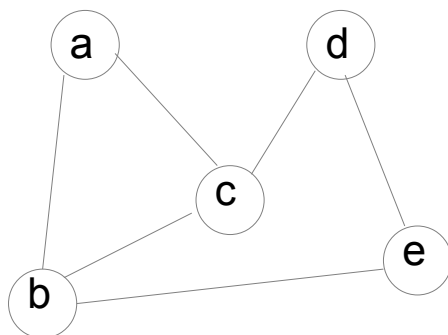
- Le liste di adiacenza sono in generale migliori quando $|E| \neq \Theta(|V|^2)$, cioè quando il grafo è *sparso* (quando il numero di nodi connessi “non è tanto grande”)
 - si ricordi che $|E| \leq |V|^2$, cioè $|E| = O(|V|^2)$
- Se il grafo è *completo* (o quasi), tanto vale usare una matrice di adiacenza
 - un grafo orientato è completo se, per ogni coppia di nodi u e v , sia l'arco (u, v) che l'arco (v, u) sono in E

- Quale è la complessità temporale per determinare se un arco (u, v) appartiene al grafo:
 - quando il grafo è rappresentato mediante liste di adiacenza?
 - quando il grafo è rappresentato con una matrice di adiacenza?
- Quale è la complessità temporale per determinare il numero di archi che escono da un nodo u del grafo
 - quando il grafo è rappresentato mediante liste di adiacenza?
 - quando il grafo è rappresentato con una matrice di adiacenza?

Rappresentazione di grafi (cont.)

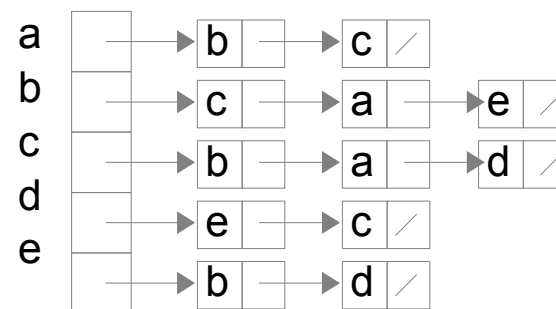
- Possiamo rappresentare un arco (u, v) di un grafo non orientato come 2 archi orientati, uno che va da u a v , ed uno che va da v ad u

- es:



$$V = \{a, b, c, d, e\}$$

$$E = \{(b, a) (a, c) (b, c) (d, c) (e, d) (b, e)\}$$



	a	b	c	d	e
a	0	1	1	0	0
b	1	0	1	0	1
c	1	1	0	1	0
d	0	0	1	0	1
e	0	1	0	1	0

la matrice di adiacenza è simmetrica, quindi tutta l'informazione che serve per descrivere il grafo si trova sopra la diagonale principale

Visita in ampiezza (Breadth-First Search)

- Problema:
 - *input*: un grafo G , e un nodo s (la sorgente) di G
 - *output*: visitare tutti i nodi di G che sono *raggiungibili* da s (un nodo u è raggiungibile da s se c'è un *cammino* nel grafo che va da s a u)
- Algoritmo: Breadth-First Search (BFS)
- Idea dell'algoritmo: prima visitiamo tutti i nodi che sono a distanza 1 da s (cioè che hanno un cammino di lunghezza 1 da s), quindi visitiamo quelli a distanza 2, quindi quelli a distanza 3, e così via
- Quando visitiamo un nodo u , teniamo traccia della sua distanza da s in un attributo $u.dist$

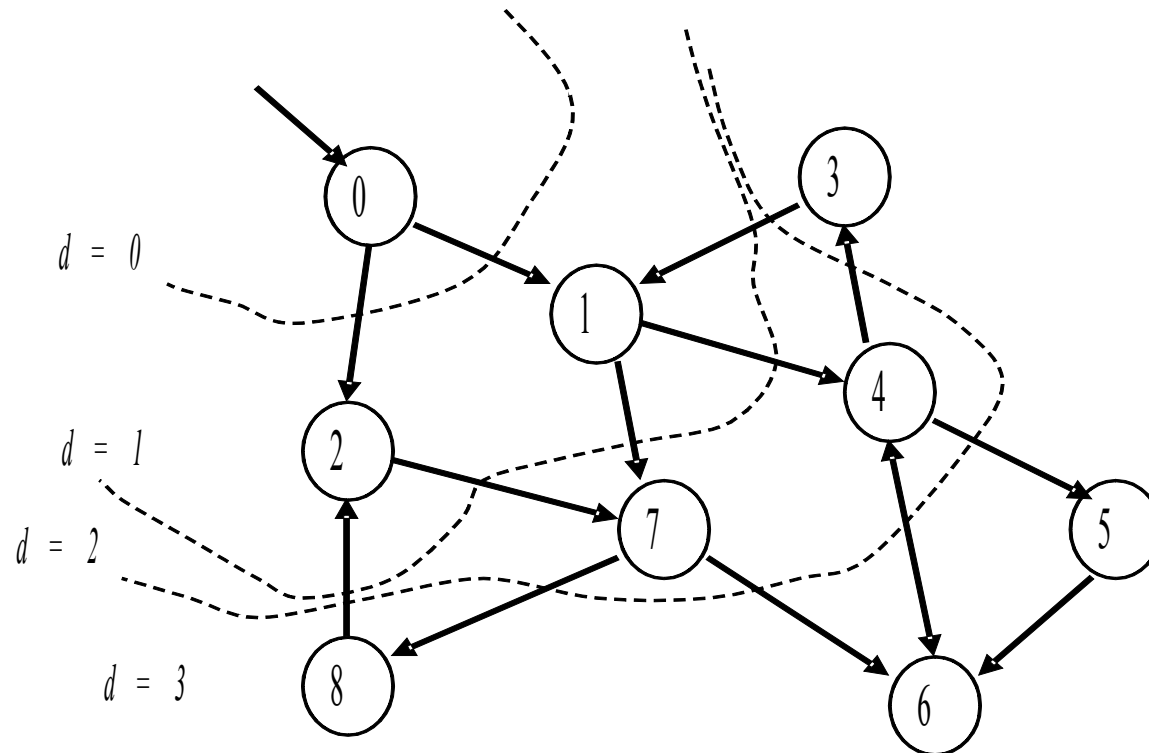
- Mentre visitiamo i nodi, li *coloriamo* (cioè li marchiamo per tenere traccia della progressione dell'algoritmo)
 - un nodo è *bianco* se deve essere ancora visitato
 - un nodo è *grigio* se lo abbiamo già visitato, ma dobbiamo ancora completare la visita dei nodi ad esso adiacenti
 - un nodo è *nero* dopo che abbiamo visitato tutti i suoi nodi adiacenti
- L'algoritmo in breve:
 - all'inizio tutti i nodi sono bianchi, tranne s (la sorgente), che è grigio
 - manteniamo i nodi di cui dobbiamo ancora visitare i nodi adiacenti in una *coda* (che è gestita con politica FIFO!)
 - all'inizio la coda contiene solo s
 - a ogni iterazione del ciclo, eliminiamo dalla coda un elemento u , e ne visitiamo i nodi adiacenti che sono ancora bianchi (cioè che devono essere ancora visitati)
 - Si noti che, se $u.dist$ è la distanza del nodo u da s , la distanza dei nodi bianchi adiacenti ad u è $u.dist+1$

Esempio di utilizzo:

$G = [[1,2],[7,4],[7],[1],[3,5,6],[6],[4],[8,6],[2]]$

$\text{BFS}(G, 0)$ *distanze dal nodo 0*

$[0, 1, 1, 3, 2, 3, 3, 2, 3]$



BFS: pseudocode

BFS(G, s)

```
1  for each  $u \in G.V - \{s\}$ 
2     $u.color := \text{WHITE}$ 
3     $u.dist := \infty$ 
4   $s.color := \text{GREY}$ 
5   $s.dist := 0$ 
6   $Q := \emptyset$ 
7  ENQUEUE( $Q, s$ )
8  while  $Q \neq \emptyset$ 
9     $u := \text{DEQUEUE}(Q)$ 
10   for each  $v \in u.Adj$ 
11     if  $v.color = \text{WHITE}$ 
12        $v.color := \text{GRAY}$ 
13        $v.dist := u.dist + 1$ 
14       ENQUEUE( $Q, v$ )
15    $u.color := \text{BLACK}$ 
```

- Le linee 1-7 sono la fase di inizializzazione dell'algoritmo (che ha complessità $O(|V|)$)
- Le linee 8-15 sono quelle che effettivamente visitano i nodi; ogni nodo nel grafo G è accodato (e tolto dalla coda) al massimo una volta, quindi, nel ciclo **for** della linea 10, ogni lato è visitato al massimo una volta; quindi, la complessità del ciclo **while** è $O(|E|)$
- La complessità totale di BFS è $O(|V| + |E|)$

Ricerca in profondità (Depth-First Search)

- BFS si basa sull'idea di visitare i nodi con una politica FIFO (che è realizzata mediante una coda)
- Come alternativa possiamo usare una politica LIFO
- Se usiamo una politica LIFO, otteniamo un algoritmo di visita in profondità (*depth-first search*, DFS)
 - l'idea in questo caso è che, ogni volta che “mettiamo un nodo in cima allo stack”, immediatamente cominciamo a visitare i nodi a lui adiacenti
 - cioè continuiamo con la visita dei nodi che sono adiacenti a quello che da meno tempo è nello stack
 - in BFS non è così: visitiamo i nodi che sono adiacenti a quello che da più tempo è nella coda
 - è quindi sufficiente, per ottenere un algoritmo di DFS, cambiare ENQUEUE con PUSH, e DEQUEUE con POP nell'algoritmo di BFS.

- In realtà, l'algoritmo DFS che vediamo risolve un problema leggermente diverso da BFS
- Problema risolto dall'algoritmo DFS
 - *input*: un grafo G
 - *output*: visitare *tutti* i nodi di G
 - nell'algoritmo BFS di prima visitiamo solo i nodi che sono raggiungibili dalla sorgente s !
- DFS è spesso usato come parte (cioè come sottoalgoritmo) di un algoritmo più complesso (da cui il problema leggermente diverso da quello risolto da BFS)

DFS: considerazioni

- Come in BFS, in DFS coloriamo i nodi di bianco, grigio e nero (con lo stesso significato che in BFS)
- Come detto in precedenza, questa volta usiamo una politica di visita LIFO, quindi usiamo un meccanismo analogo a quello dello stack
 - in questo caso, il meccanismo a pila viene dal fatto che l'algoritmo è ricorsivo
- L'algoritmo DFS tiene traccia di “quando” i nodi sono messi sullo stack ed anche di “quando” sono tolti da esso
 - c'è una variabile (globale), *time*, che è messa a 0 nella fase di inizializzazione dell'algoritmo, e che è incrementata di 1 sia appena dopo un nodo è messo sullo stack che appena prima di togliere un nodo dallo stack
 - usiamo la variabile *time* per tenere traccia di 2 altri valori:
 - il “tempo” di quando inizia la “scoperta” (discovery) di un nodo, ed il “tempo” di quando la scoperta termina
 - l'inizio della scoperta di un nodo u è memorizzata nell'attributo $u.d$, mentre la sua fine nell'attributo $u.f$

DFS(G)

```
1 for each  $u \in G.V$ 
2    $u.color := \text{WHITE}$ 
3  $time := 0$ 
4 for each  $u \in G.V$ 
5   if  $u.color = \text{WHITE}$ 
6     DFS-VISIT( $u$ )
```

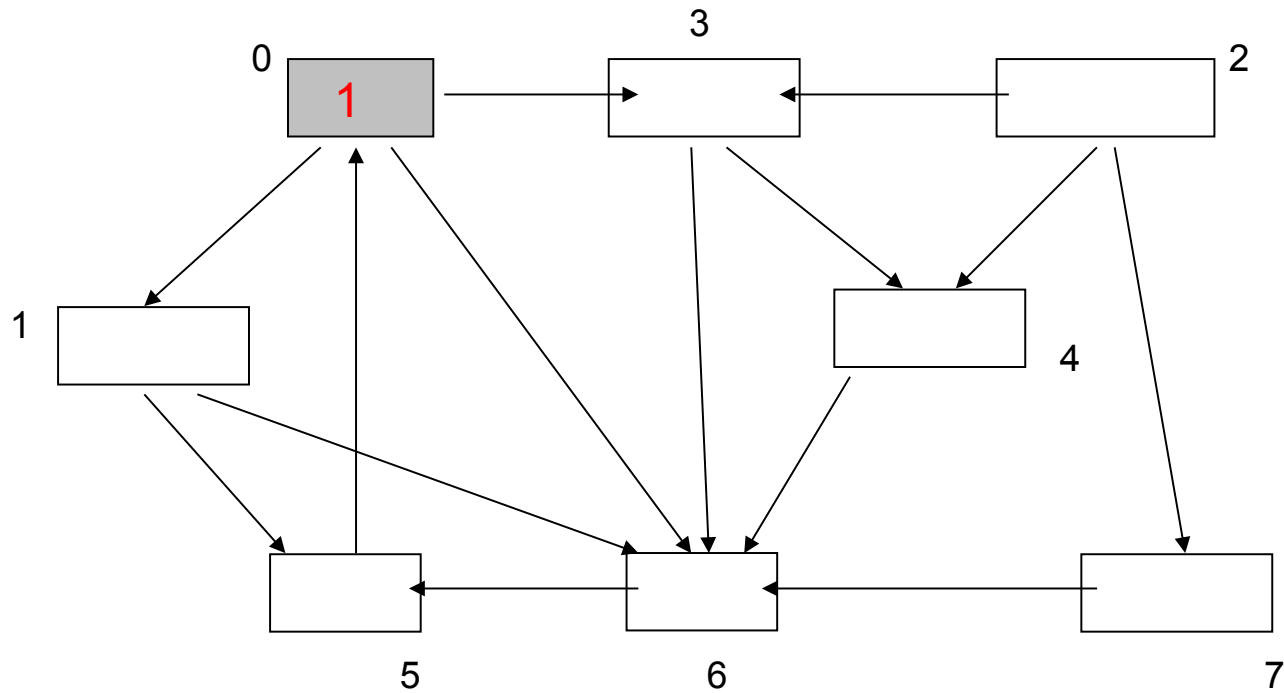
DFS-VISIT(u)

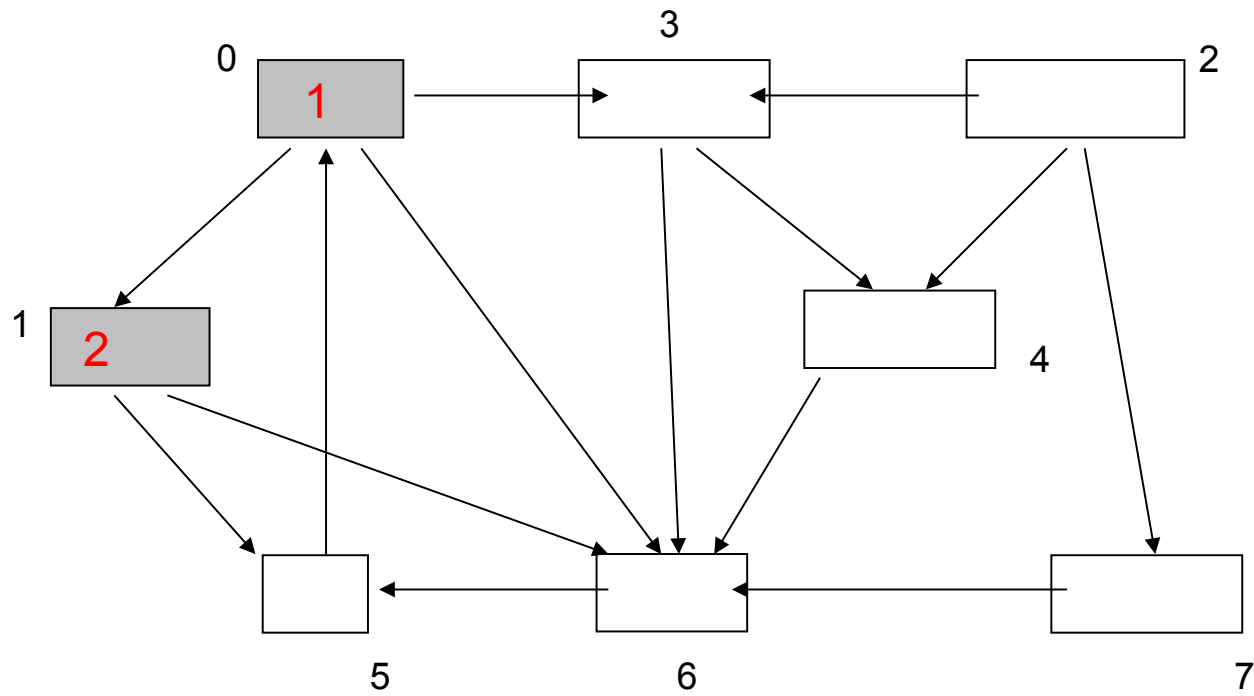
```
1  $u.color := \text{GRAY}$ 
2  $time := time + 1$ 
3  $u.d := time$ 
4 for each  $v \in u.Adj$ 
5   if  $v.color = \text{WHITE}$ 
6     DFS-VISIT( $v$ )
7  $u.color := \text{BLACK}$ 
8  $u.f := time := time + 1$ 
```

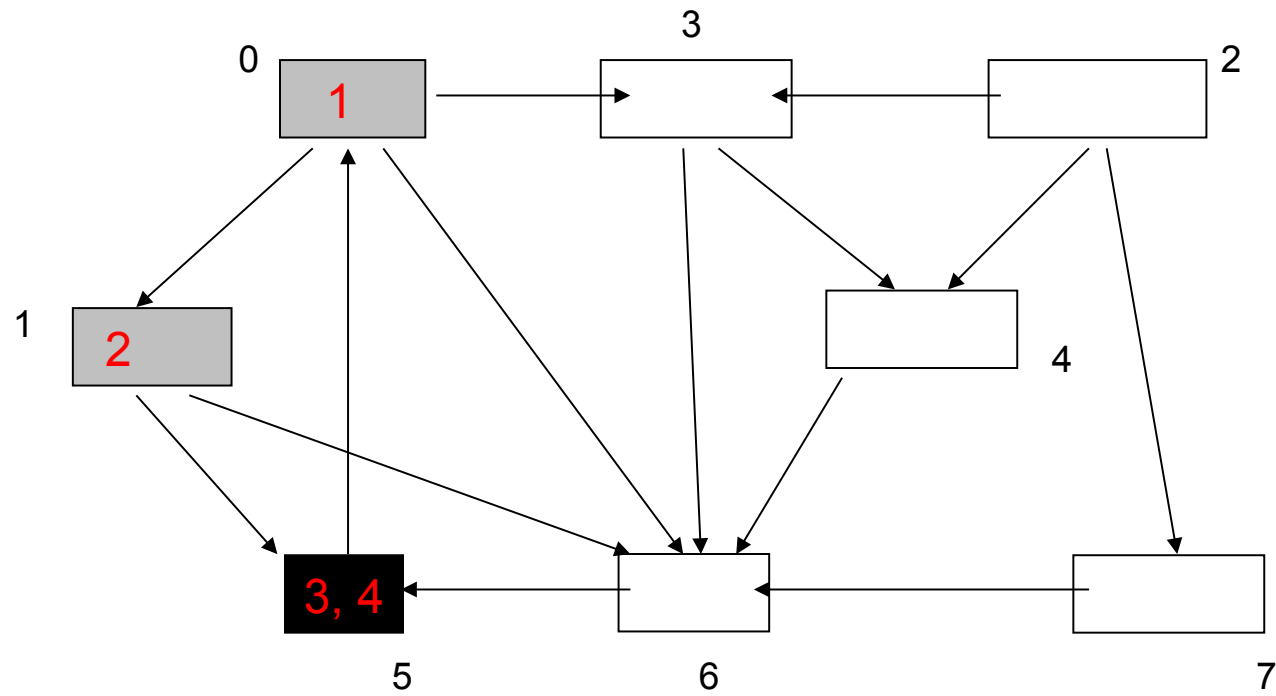
- Le linee 1-3 di DFS inizializzano i nodi colorandoli tutti di bianco, e mette il tempo a 0: tempo di esecuzione $\Theta(|V|)$
- L'algoritmo DFS-VISIT è ripetuto (linee 4-6 di DFS) fino a che non ci sono più nodi da visitare
 - come in BFS, ogni nodo è “messo sullo stack” (che in questo caso corrisponde ad invocare DFS-VISIT sul nodo) solo una volta
 - quindi, ogni lato è visitato esattamente una volta durante l'esecuzione del ciclo **for** delle linee 4-6 di DFS, quindi queste prendono tempo $\Theta(|E|)$
- In tutto, la complessità di DFS è $\Theta(|V| + |E|)$

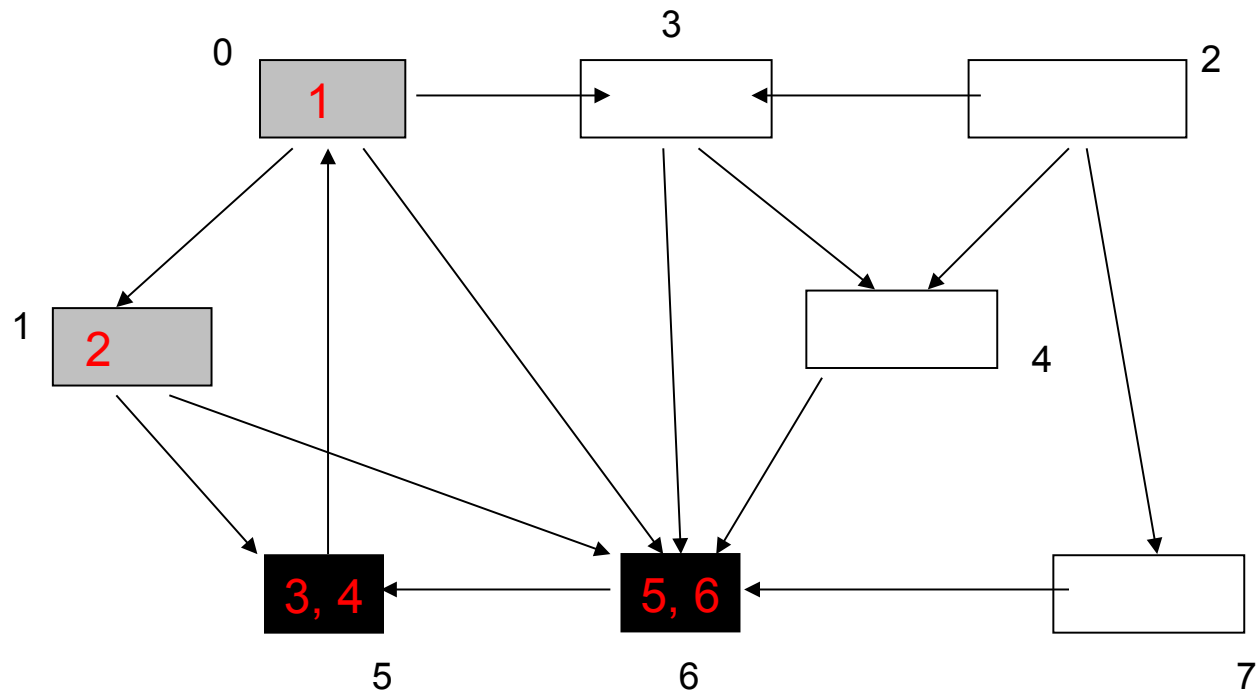
Esempio:

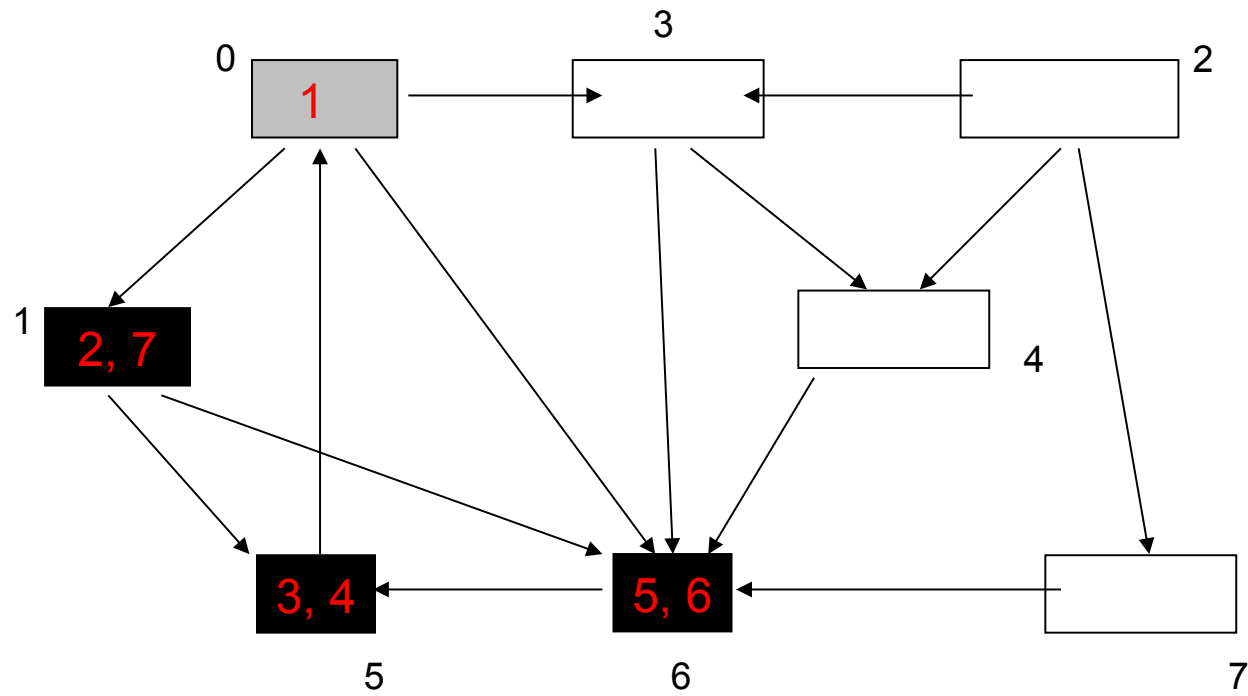
- per ogni nodo: d, f

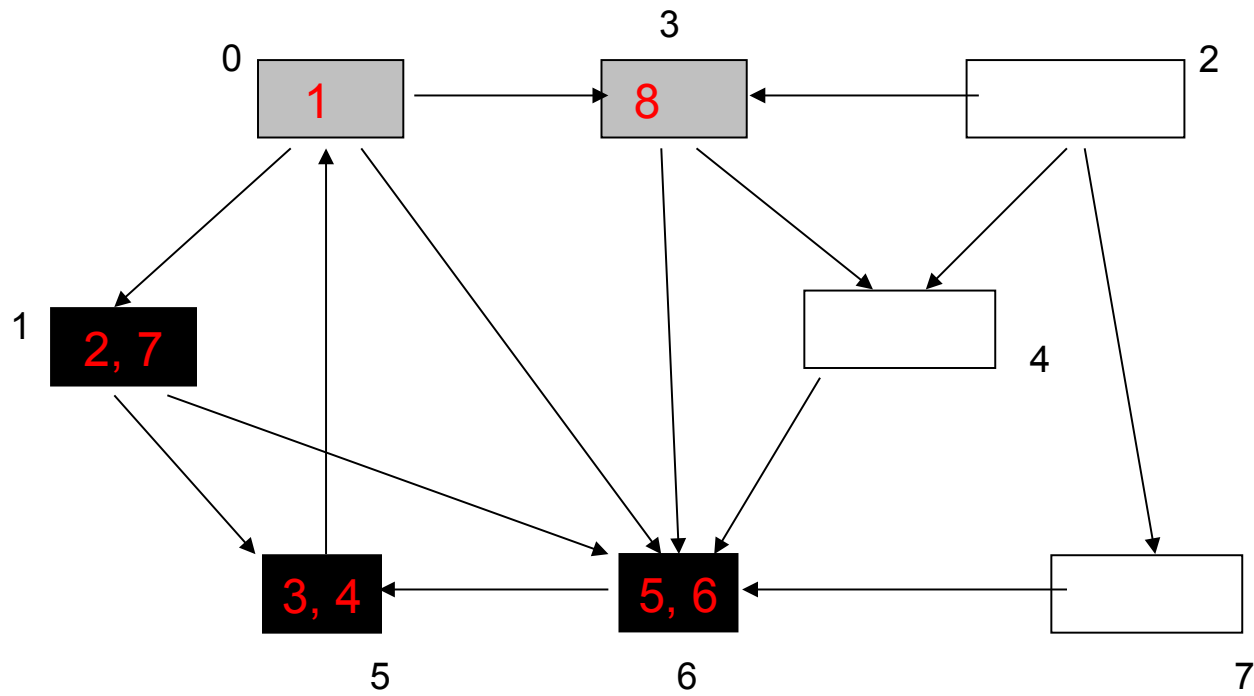


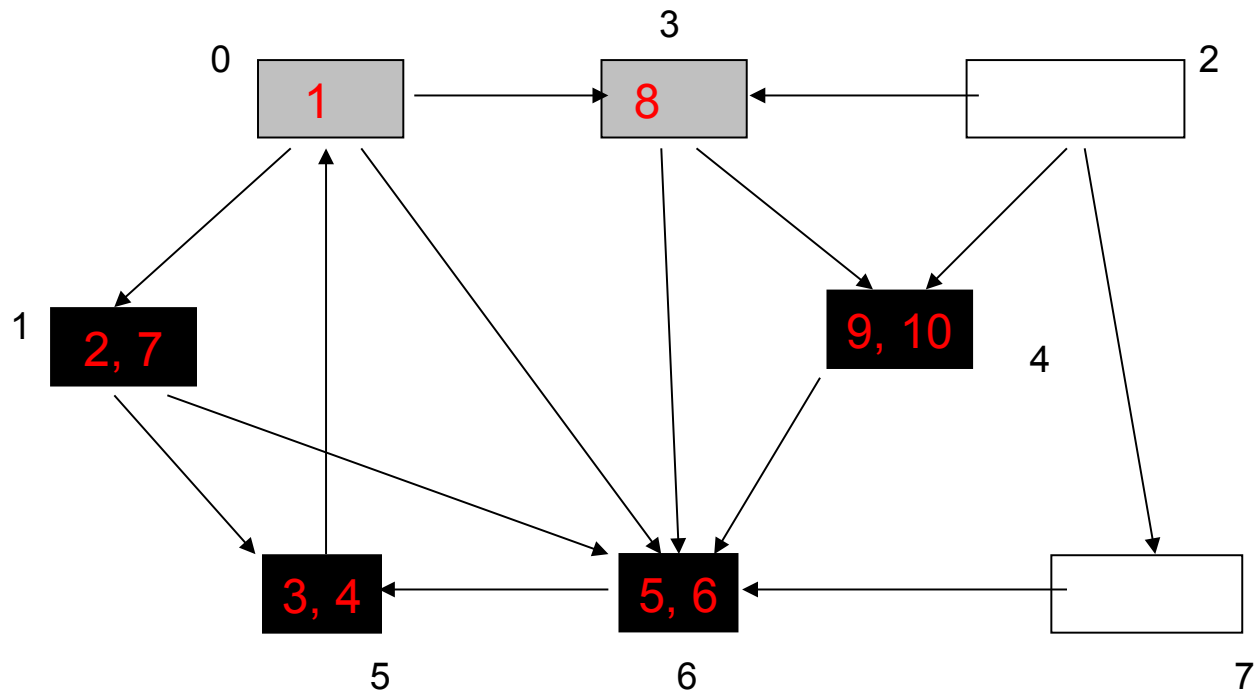


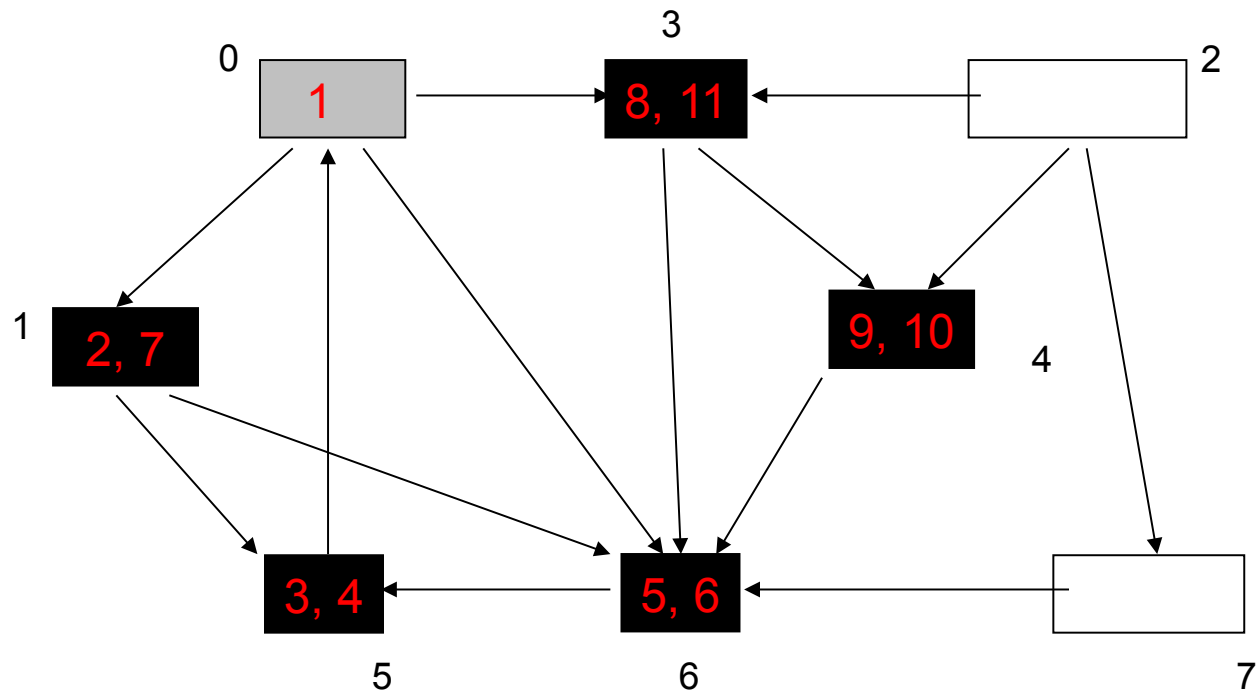


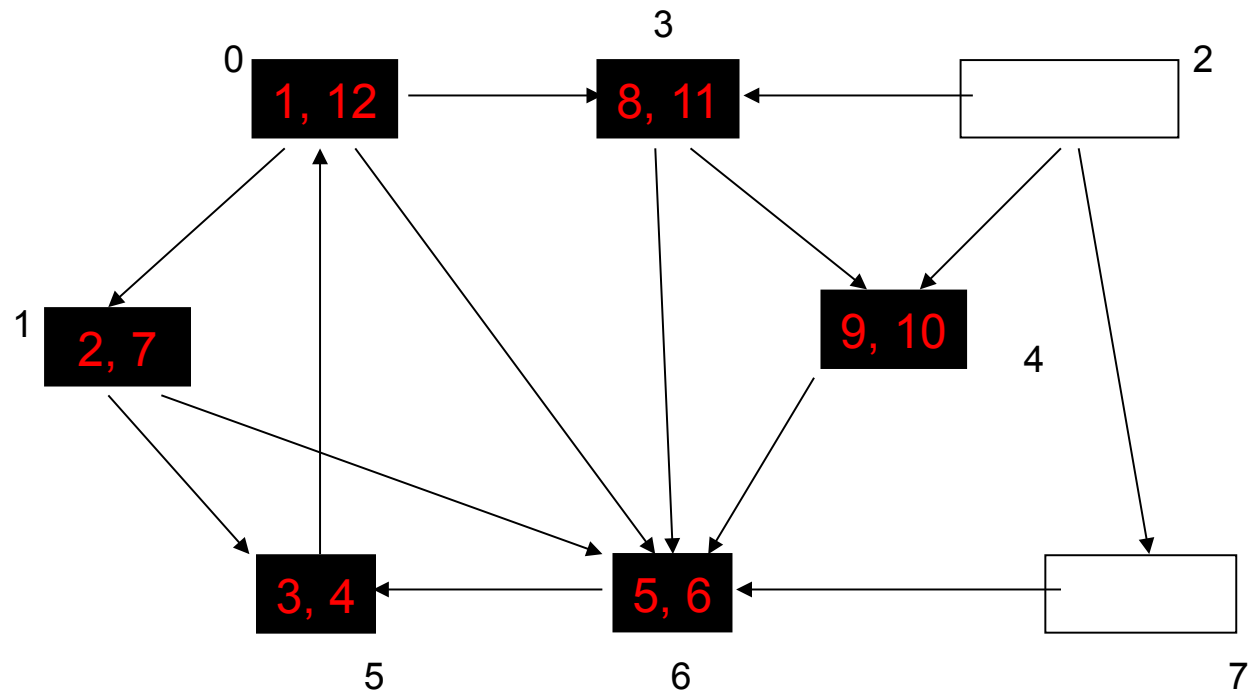


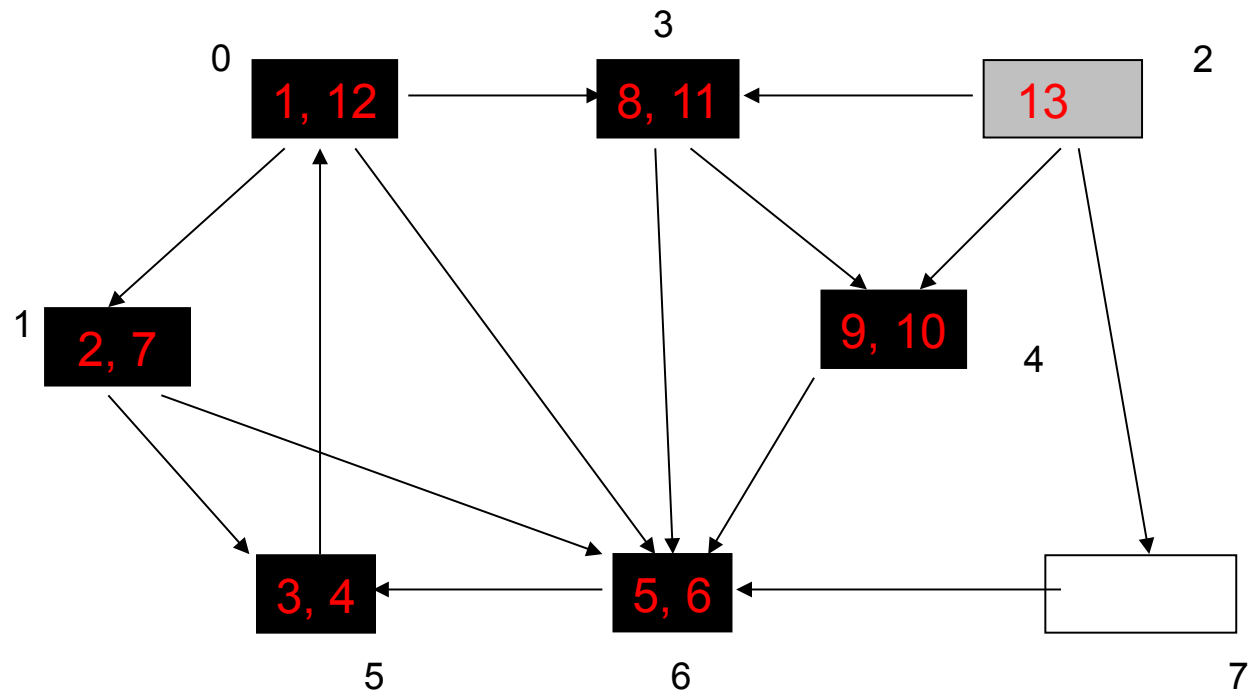


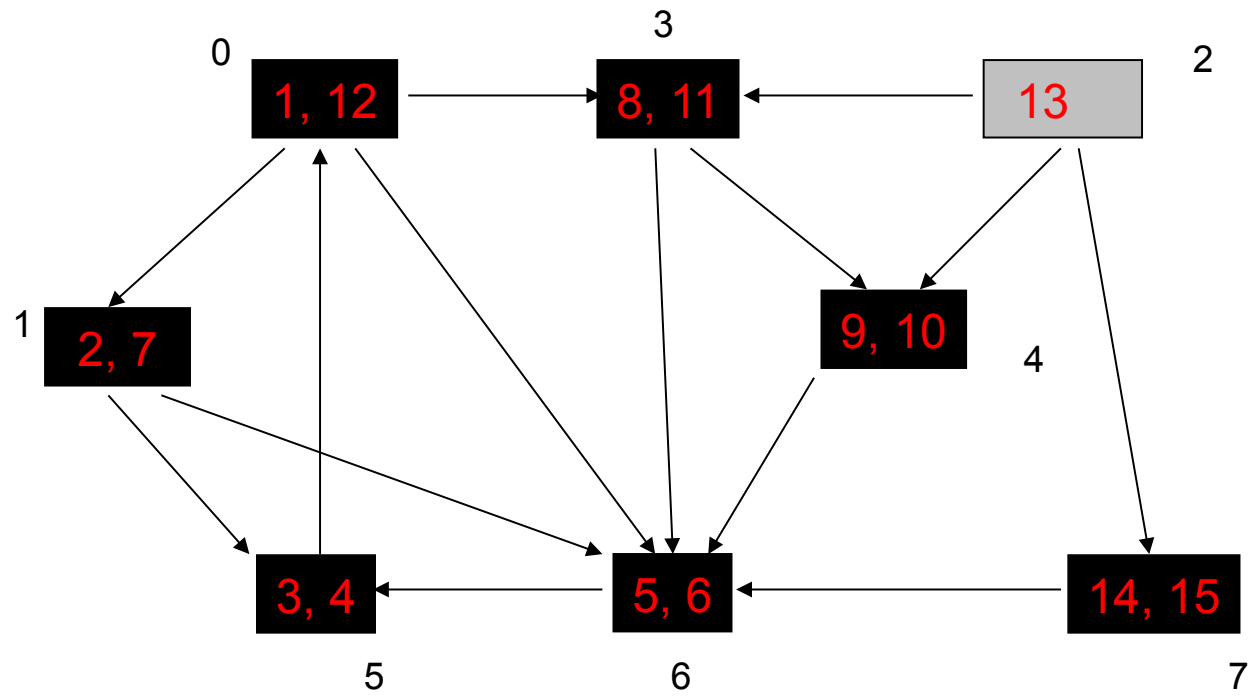


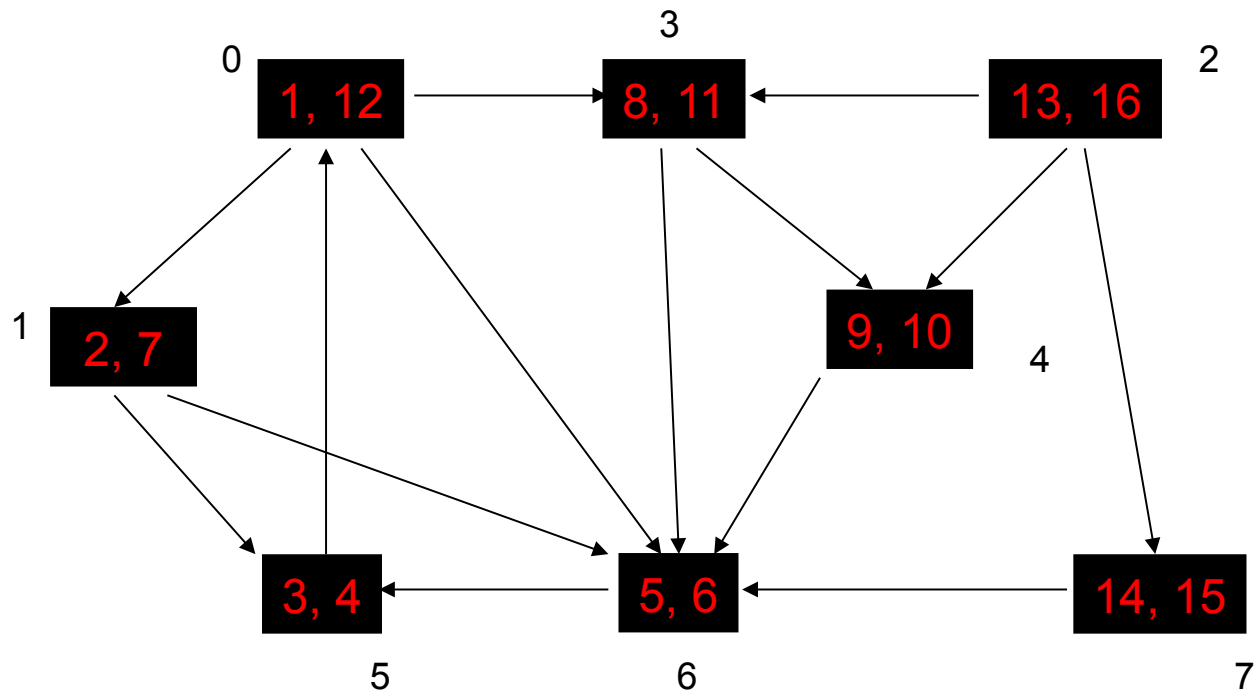






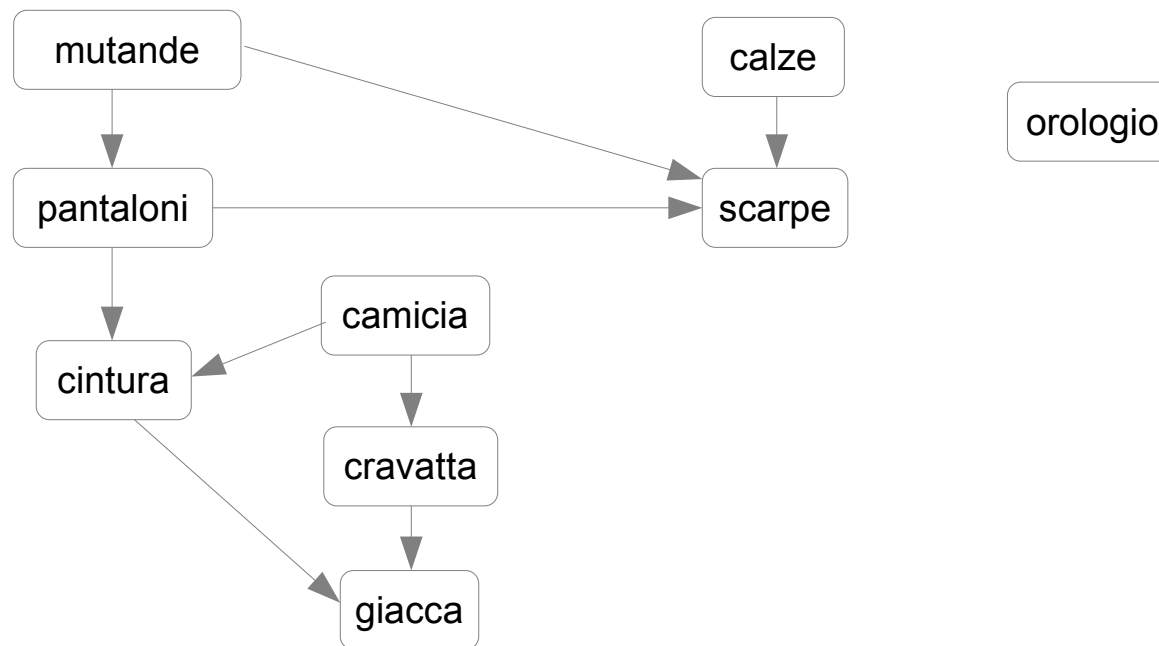






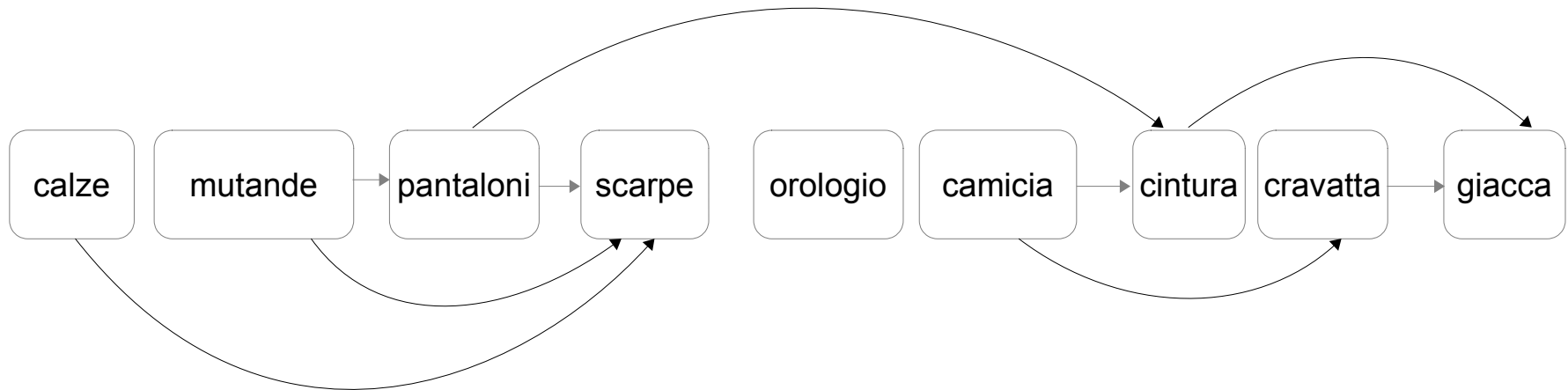
Applicazione: Ordinamento Topologico

- Supponiamo di avere un grafo orientato aciclico che rappresenta le precedenze tra eventi
- Come questo, per esempio



Ordinamento topologico (2)

- Un ordinamento topologico di un DAG è un ordinamento lineare dei nodi del grafo tale che, se nel DAG c'è un arco (u, v) , allora il nodo u precede v nell'ordinamento
- Per esempio, un ordinamento topologico del primo DAG della slide precedente potrebbe dare il seguente ordinamento



- si noti che questo non è l'unico possibile ordinamento ammissibile...

- Di fatto, un ordinamento topologico restituisce un ordinamento totale che rispetta le precedenze tra eventi.
- Il problema dell'ordinamento topologico di un DAG è il seguente:
 - *input*: un DAG G
 - *output*: una lista che è un ordinamento topologico di G
 - si ricordi che una lista è un ordinamento lineare, in cui l'ordine è dato da come gli oggetti nella lista sono connessi tra loro
- Idea per l'algoritmo:
 - visitiamo il DAG con un algoritmo DFS
 - quando coloriamo un nodo u di G di nero (cioè ogni volta che finiamo di visitare un nodo di G), inseriamo u in testa alla lista
 - dopo che abbiamo visitato tutti i nodi di G , la lista che abbiamo costruito è un ordinamento topologico di G , e lo restituiamo

TOPOLOGICAL-SORT(G)

```
1  $L := \emptyset$ 
2 for each  $u \in G.V$ 
3    $u.color := \text{WHITE}$ 
4 for each  $u \in G.V$ 
5   if  $u.color = \text{WHITE}$ 
6     TOPSORT-VISIT( $L, u$ )
7 return  $L$ 
```

TOPSORT-VISIT(L, u)

```
1  $u.color := \text{GRAY}$ 
2 for each  $v \in u.Adj$ 
3   if  $v.color = \text{WHITE}$ 
4     TOPSORT-VISIT( $L, v$ )
5 crea l'elemento di lista  $x$ 
6  $x.key := u$ 
7 LIST-INSERT( $L, x$ )
8  $u.color := \text{BLACK}$ 
```

- Il tempo di esecuzione di TOPSORT è lo stesso di DFS, cioè $\Theta(|V| + |E|)$
 - le linee 5-7 di TOPSORT-VISIT impiegano tempo $\Theta(1)$ (come le linee 2-3 e 7-8 di DFS-VISIT), ed il resto dell'algoritmo è come DFS
 - tranne la gestione della variabile *time*, che possiamo evitare

Approfondimento: cammini minimi

- Si vuole ottenere il cammino minimo tra due nodi
(es. problema delle distanze tra stazioni ferroviarie)

Ingresso: $G = (V, E)$ diretto, funzione di peso $w : E \rightarrow \mathbf{R}$

- Peso di un cammino:

$$p = \langle v_0, v_1, \dots, v_k \rangle$$

$$W(p) = \sum_{i=1}^k w(v_{i-1}, v_i)$$

- peso cammino minimo da u a v :

$$\delta(u, v) = \begin{cases} \min \{w(p) : u \xrightarrow{p} v\}, & \text{se esiste cammino } p \text{ da } u \text{ a } v \\ \infty, & \text{altrimenti} \end{cases}$$

- Ok pesi negativi, ma non cicli negativi! (come mai?)
- Inoltre calcoliamo i cammini minimi da un nodo fissato s (detto *sorgente*) (anch'esso fornito in ingresso)

Uscita: $\forall v \in V$:

- $d[v] = \delta(s, v)$
 - all'inizio $d[v] = \infty$
 - viene ridotto al procedere dell'algoritmo. Però sempre $d[v] \geq \delta(s, v)$
 - $d[v]$ viene anche detto *stima di cammino minimo* (dalla sorgente s a v)
- $Pi[v] =$ predecessore di v nel cammino min da s
 - se non esiste: = NIL

- Gli algoritmi di questo tipo si basano sul concetto di *rilassamento*

Rilassamento di un lato (u,v):

- se $d[v] > d[u] + w(u,v)$ allora
 $d[v] := d[u] + w(u,v)$ e
 $Pi[v] := u$
- (cioè vediamo che "costa di meno" passare per il lato (u,v))

RELAX(u, v, adj, d, Pi)

```
if  $d[v] > d[u] + adj[u][v]$ :  
     $d[v] := d[u] + adj[u][v]$   
     $Pi[v] := u$ 
```

Algoritmo di Bellman-Ford

BELLMAN-FORD(adj, s)

$V :=$ vector of nodes of adj

allocate vectors d, Pi of size adj

for i from 0 to $|adj| - 1$

$d[i] := \infty$

$d[s] := 0$

repeat for $|V| - 1$ times

for u in V

for v in adj[u]

RELAX(u, v, adj, d, Pi)

return [d, Pi]

*In pratica rilasso, un passo alla volta, partendo da s.
Ad ogni passo avanzo di un passo nei miei cammini –
al $|V| - 1$ -esimo passo sicuramente avrò toccato tutti i nodi
raggiungibili
(chiaramente non converge se ci sono cicli negativi...)*

Esempio:

Adj = [{1:2, 2:2, 3:3}, {2:-3}, {0:1, 3:5}, {}, {0:-1,3:4}]

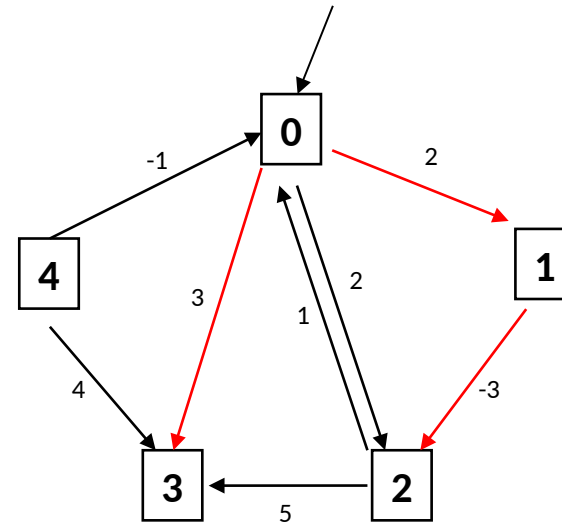
d, Pi = bellmanFord(Adj, 0);

Distanze (4 è irraggiungibile):

d: [0, 2, -1, 3, ∞]

Predecessori (codifica i cammini minimi):

Pi: [NIL, 0, 1, 0, NIL]



Costo: ciclo su tutte le adiacenze innestato in un ciclo su $|V|$; relax costo costante

=> $\Theta(|V| |E|)$