



## Modelo SC-COSMO: ¿Cómo tomar decisiones ante la pandemia de COVID-19?

Fernando Alarid-Escudero, PhD

Programa de Política de Drogas

Centro de Investigación y Docencia Económicas

fernando.alarid@cide.edu

#### Agradecimientos



- Equipo técnico-científico en Stanford
  - Jeremy Goldhaber-Fiebert, PhD
  - Jason Andrews, MD, MPH
  - Tess Ryckman, PhD(c)
- Equipo técnico-científico en el CIDE
  - Andrea Luviano, MD, MPH
  - Hugo Berumen, MPSS
  - Hirvin Diaz, METPOL(c)
  - Profesores CIDE-PPD y CIDE-PANEL
- Financiamiento
  - Financiamiento propio
- No tenemos conflictos de interés

#### Publicación de evidencia en tiempo real

Compartiremos información mostrada en esta presentación en **tiempo real** a través de la cuenta twitter

@DecModMex

https://twitter.com/DecModMex

#### Contenido

- Introducción
- Contexto del COVID-19
- Situación actual de COVID-19 en México
- Toma de decisiones en salud pública
- Stanford-CIDE Coronavirus Simulation Model (SC-COSMO)
- Preguntas

## Introducción

#### Introducción

- La protección de la salud pública es un bien fundamental para el desarrollo de cualquier sociedad contemporánea.
- Los recursos públicos destinados a los sistemas nacionales y locales de salud son limitados y suelen ser insuficientes para atender la demanda en situaciones pandémicas.
- Proyectar el comportamiento de una pandemia a través de un modelo matemático permite optimizar recursos y mejorar la toma de decisiones en salud pública.

### Contexto del COVID-19

#### **Historia Coronavirus**

- El coronavirus fue aislado en humanos por primera vez en 1965.
- Sus principales variedades se encuentran bajo control a través de medidas preventivas.
- El coronavirus en su más reciente versión, SARS-CoV-2, fue descubierto en China en diciembre de 2019 y hasta hoy, 20 de marzo de 2020, ha infectado a más de 260,000 personas en más de 90 países y causado más de 11,000 decesos.

#### **Historia Coronavirus**

 Desde al menos el 2007, se advirtió de la posibilidad de una mutación que podría generar una pandemia.

CLINICAL MICROBIOLOGY REVIEWS Det. 2007, p. 60-694 0893-8512/07/\$08.00+0 doi:10.112 CMR.00023 7 Copyright © 2007, American Society or Microb logy. All Rights Reserved.

#### Severe Acute Respiratory Syndrome Coronavirus as an Emerging and Reemerging Infection

Vincent C. C. Cheng, Susanna K. P. Lau, Patrick C. Y. Woo, and Kwok Yu

State Key Laboratory of Emerging Infectious Diseases, Department of Microbiology, Research Centre Immunology, The University of Hong Kong, Hong Kong Special Administrative Region, C

SARS-CoV AS AN AGENT OF EMERGING/REEMERGING INFECTION 683

or immunization (Table 10). The Koch's pos-3-CoV as a causative agent of SARS were orimate model using cynomolgus macaques uris), which demonstrated clinical and pathovith some similarities to those found in huthe contrary, African green monkeys (Cerco-) did not develop significant lung pathology with the SARS-CoV. The lack of consistency I models of rhesus, cynomolgus, and African or experimental SARS was noted in another over, these large mammals are expensive and 2. BALB/c mice demonstrated asymptomatic s in lungs and nasal turbinates by intranasal h was not significantly different from the findtion of immunological Th1-biased C57BL/6 B/c mice that were 12 to 14 months old denatic pneumonia, which correlated with the ptibility to acute SARS in humans (287). As 1 knockout-immunodeficient mice had fatal 1 disease (143). Transgenic mice expressing ceptors also developed fatal disease, with exssemination to many organs including the It is interesting that mouse-adapted SARS-

#### SHOULD WE BE READY FOR THE REEMERGENCE OF SARS?

The medical and scientific community demonstrated marvelous efforts in the understanding and control of SARS within a short time, as evident by over 4,000 publications available online. Despite these achievements, gaps still exist in terms of the molecular basis of the physical stability and transmissibility of this virus, the molecular and immunological basis of disease pathogenesis in humans, screening tests for early or cryptic SARS cases, foolproof infection control procedures for patient care, effective antivirals or antiviral combinations, the usefulness of immunomodulatory agents for late presenters, an effective vaccine with no immune enhancement, and the immediate animal host that transmitted the virus to caged civets in the market at the beginning of the epidemic. Coronaviruses are well known to undergo genetic recombination (375), which may lead to new genotypes and outbreaks. The presence of a large reservoir of SARS-CoV-like viruses in horseshoe bats, together with the culture of eating exotic mammals in southern China, is a time bomb. The possibility of the reemergence of SARS and other novel viruses from animals or laboratories and therefore the need for preparedness should not be ignored.

to new genotypes and outbreaks. The presence of a large reservoir of SARS-CoV-like viruses in horseshoe bats, together with the culture of eating exotic mammals in southern China, is a time bomb. The possibility of the reemergence of SARS and other



Cheng VCC, Lau SKP, Woo PCY, et al. Severe acute respiratory syndrome coronavirus as an agent of emerging and reemerging infection. Clin Microbiol Rev 2007;20:660-694.



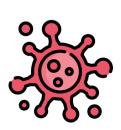




Primer caso de neumonía de causa desconocida en **Wuhan**, provincia de **Hubei** en región de **Huanan**, **China**.



El nuevo nombre de la **enfermedad es enfermedad del coronavirus 2019**, y se abrevia **COVID-19**.



El virus aislado es un Betacoronavirus del grupo 2B muy similar al SARS-CoV que causó un brote de síndrome respiratorio agudo grave (SARS o SRAG) en el 2002-2003 y en ese momento fue nombrado por la OMS como 2019-nCoV.

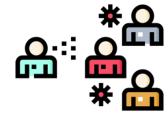


El Comité Internacional de Taxonomía de Virus, le dio al nuevo coronavirus el nombre de coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo grave, cuya versión acortada es SARS-CoV-2.

Gobierno de México. Secretaría de Salud. Dirección General de Epidemiología (2020). Lineamiento estandarizado para la vigilancia epidemiológica y por laboratorio de enfermedad por 2019-NCOV. Retrieved March 12, 2020, from http://cvoed.imss.gob.mx/secretaria-de-salud-lineamiento-estandarizado-para-la-vigilancia-epidemiologica-y-por-laboratorio-de-enfermedad-por-201-ncov/

Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades. (2020). 2019-nCoV Respuestas a las preguntas más frecuentes | CDC. Retrieved March 12, 2020, from https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/faq-sp.html

#### Transmisión de SARS-CoV-2



#### De persona a persona

- Entre las personas que tienen contacto cercano entre ellas.
- Mediante gotitas respiratorias que se producen cuando una persona infectada tose o estornuda.
- Estas gotitas pueden llegar a la boca o la nariz de las personas que se encuentren cerca o posiblemente entrar a los pulmones al respirar.

#### Contacto con superficies u objetos contaminados

- Podría ser posible que una persona contraiga el COVID-19 al tocar una superficie u objeto que tenga el virus y luego se toque la boca, la nariz o posiblemente los ojos.
- No se cree que esta sea la principal forma en que se propaga el virus.

#### Prevención de COVID-19



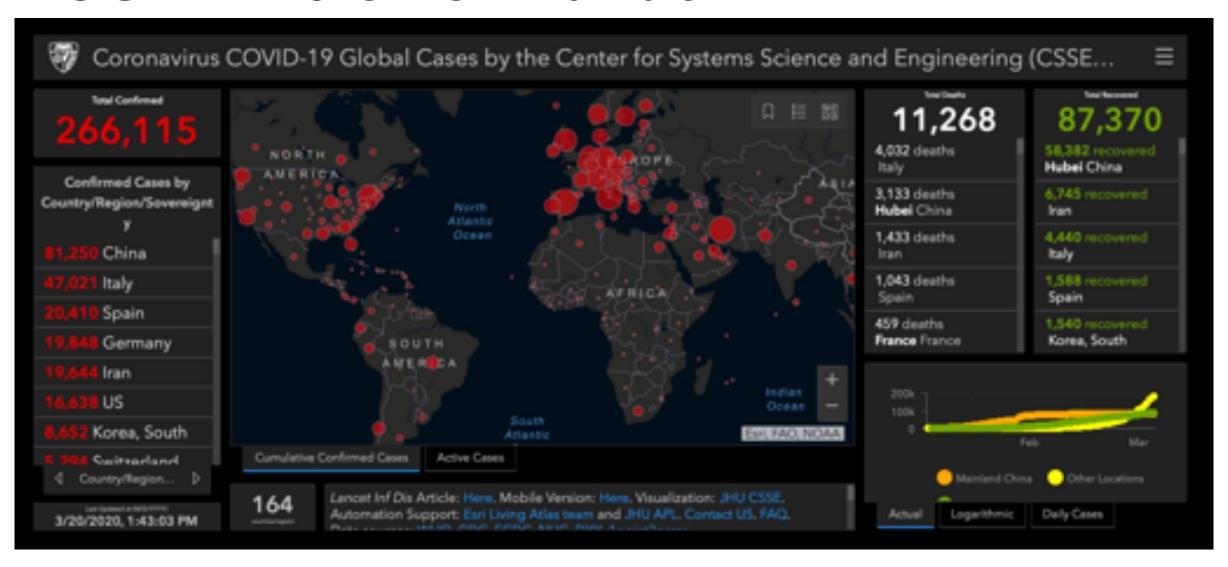
- Lavarse las manos frecuentemente con agua y jabón por al menos 20 segundos, especialmente después de ir al baño, antes de comer, y después de sonarse la nariz, toser o estornudar.
  - Si no cuenta con agua ni jabón, usar un desinfectante de manos que contenga al menos un 60% de alcohol. Lavarse las manos siempre con agua y jabón si están visiblemente sucias.
- Cubrirse la nariz y la boca con un pañuelo desechable al toser o estornudar y luego botarlo a la basura o con la parte interna del codo.
- Evitar el contacto cercano con personas enfermas.

#### Prevención de COVID-19



- Evitar tocarse los ojos, la nariz y la boca.
- · Quedarse en casa si está enfermo.
- Limpiar y desinfectar los objetos y las superficies que se tocan frecuentemente, usando un producto común de limpieza de uso doméstico en rociador o toallita.

#### COVID-19 en el mundo



## Situación actual de COVID-19 en México

#### **Breve historia**

- El primer caso confirmado de COVID-19 en México fue el 27 de febrero de 2020.
- La primera persona infectada confirmada fue un hombre de 35 años, originario de Ciudad de México, quien viajó a Italia y regresó a México el 22 de febrero de 2020.
- El número de casos confirmados, casos sospechosos y decesos se muestra en el siguiente mapa:

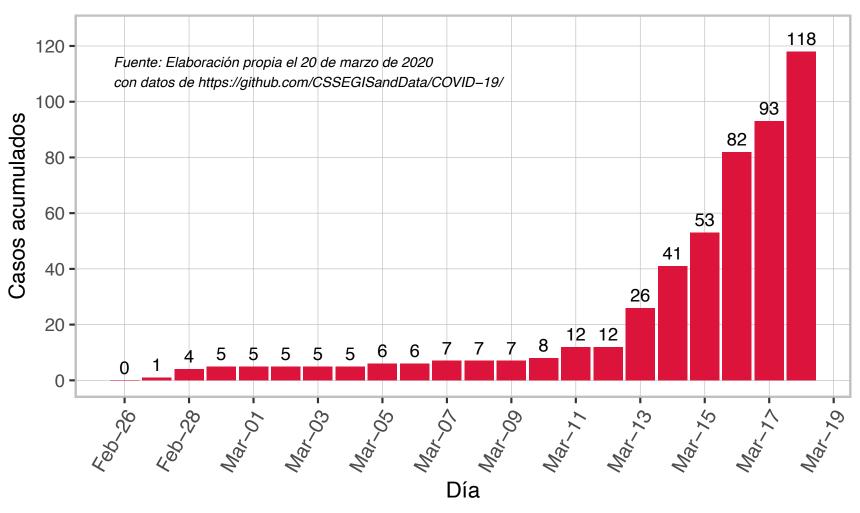
#### COVID-19 en México



#### COVID-19 en México

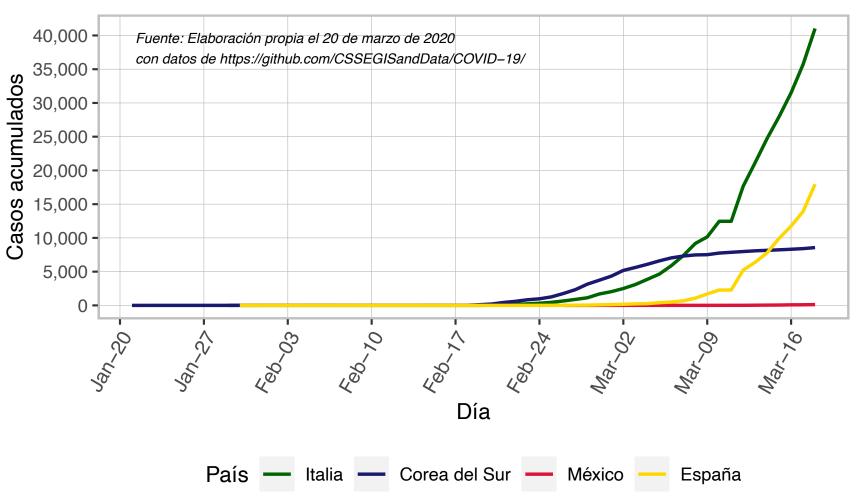
#### Casos confirmados acumulados de COVID-19 en México

hasta el 18 de marzo de 2020



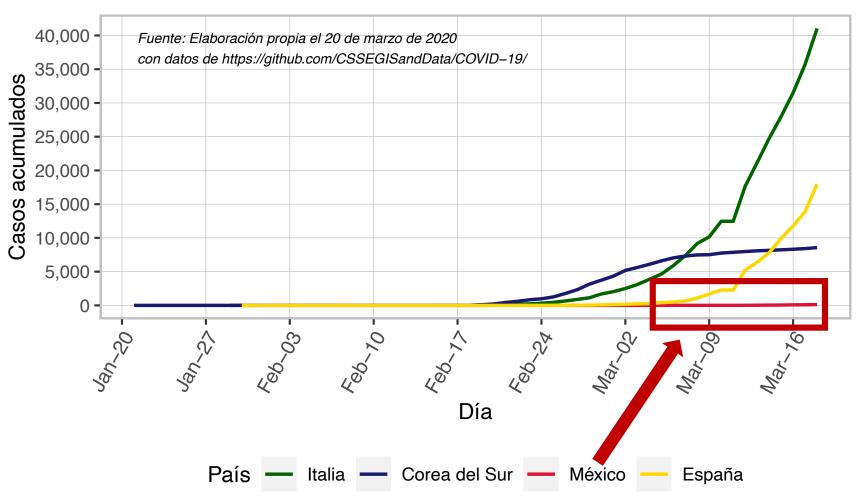
#### Casos acumulados de COVID-19 en países seleccionados

hasta el 18 de marzo de 2020

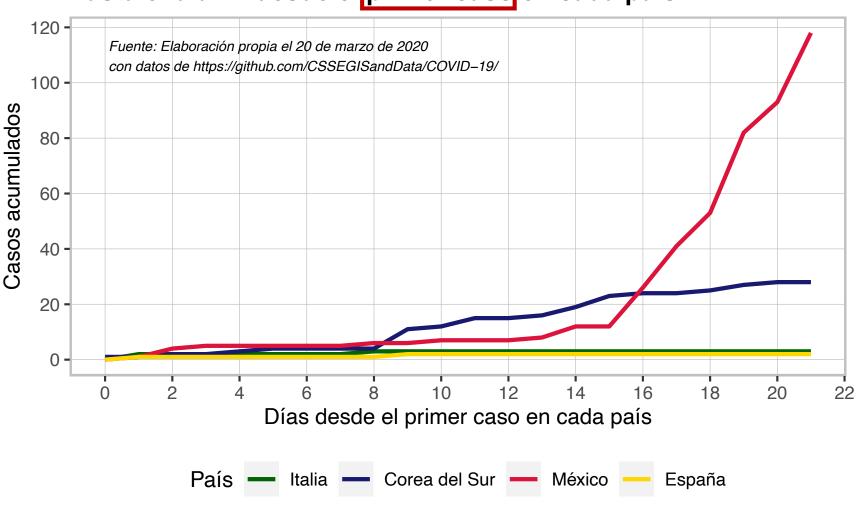


#### Casos acumulados de COVID-19 en países seleccionados

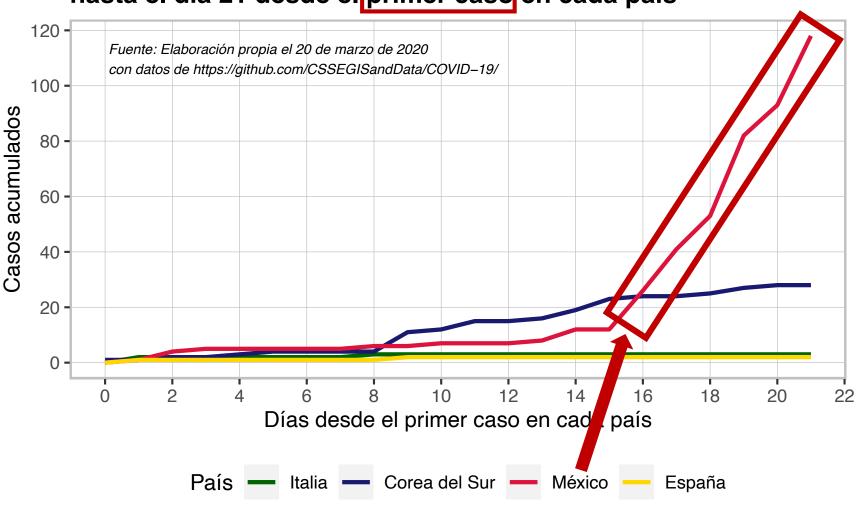
hasta el 18 de marzo de 2020



Casos acumulados de COVID-19 en países seleccionados hasta el día 21 desde el primer caso en cada país



Casos acumulados de COVID-19 en países seleccionados hasta el día 21 desde el primer caso en cada país



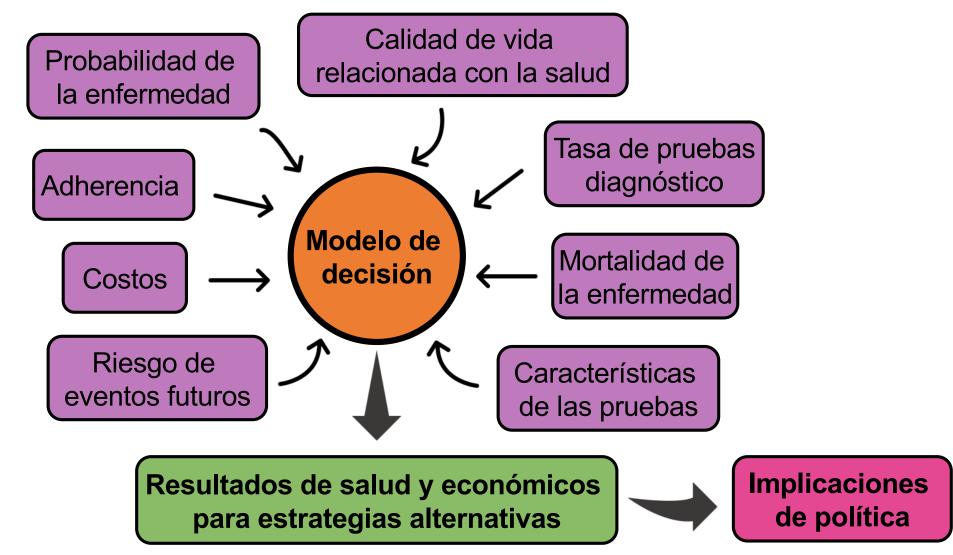
# Toma de decisiones en salud pública

#### ¿Cómo tomar decisiones en épocas pandémicas?



#### Modelos de decisión





#### Ventajas de los modelos de decisión

Aclara la toma de decisiones

Proporciona marco integral

Incorporar la mejor evidencia disponible

Caracterización explícita y sistemática de la **incertidumbre** 

Extrapola las observaciones a corto plazo en resultados a largo plazo

**Extrapola** resultados de **ACE** a diferentes **subgrupos de población** 

Alienta el análisis de "qué pasaría si"

#### Número básico de reproducción R0

 R<sub>0</sub>: Representa el número de infecciones secundarias que pueden surgir en promedio de un solo individuo infectado en una población totalmente susceptible

En otras palabras:

 $R_0 = (tasa\ de\ contacto) \times (tasa\ de\ transmisión) \times (periodo\ de\ infección)$ 

#### Número básico de reproducción R0

 R<sub>0</sub>: Representa el número de infecciones secundarias que pueden surgir en promedio de un solo individuo infectado en una población totalmente susceptible

En otras palabras:

 $R_0 = (tasa\ de\ contacto) \times (tasa\ de\ transmisión) \times (periodo\ de\ infección)$ Conocida Conocida

No conocida

#### Tasa de transmisión

- Por lo general, esta tasa no se obtiene directamente sino que se deriva de modelos epidemiológicos
- Estos modelos se ajustan a casos totales de infección
- Reto: Para COVID-19 solo se tienen casos confirmados, lo cual es solo una cota inferior de los casos totales
- Solución: Tener información de tasas diagnósticas para derivar rangos factibles de caso totales

#### Retos



Faltan datos y mecanismos estructurados para la toma de decisiones relacionadas con la pandemia de COVID-19.



Falta de acceso a información fidedigna (por ejemplo, en redes sociales), puede tener consecuencias negativas en la percepción de la ciudadanía en cuanto a la subactuación de las autoridades.



No se tienen mecanismos para **generar proyecciones de diferentes estrategias** en el mediano o largo plazo para verificar el **impacto en salud y en la economía** de éstas en el **tiempo**.

# Stanford-CIDE Coronavirus Simulation Model (SC-COSMO)





#### Motivación

- Falta de modelos de simulación para proyectar desenlaces esperados de estrategias de prevención
- Distintos lugares requerirán diferentes estrategias de prevención.
- Se necesita un modelo que simule estrategias factibles de prevención de la pandemia COVID19 en México y Estados Unidos atendiendo necesidades a nivel nacional, regional, estatal y municipal.

## Objetivos ( )

#### Objetivo general

 Generar acceso a información disponible en tiempo real para generar proyecciones de diferentes decisiones que se tomen para combatir la pandemia de COVID19 en México.

#### Objetivos específicos

- 1. Solicitar, recopilar, sintetizar y compartir abiertamente los datos más relevantes y útiles durante la pandemia.
- Contar con un modelo para incorporar nueva información sobre la evolución de la epidemia y hacer proyecciones útiles y relevantes para los tomadores de decisiones.
- Identificar un conjunto de estrategias factibles y comparar las consecuencias en salud y económicas en la población en el mediano y largo plazo

## Modelo SC-COSMO Stanford University



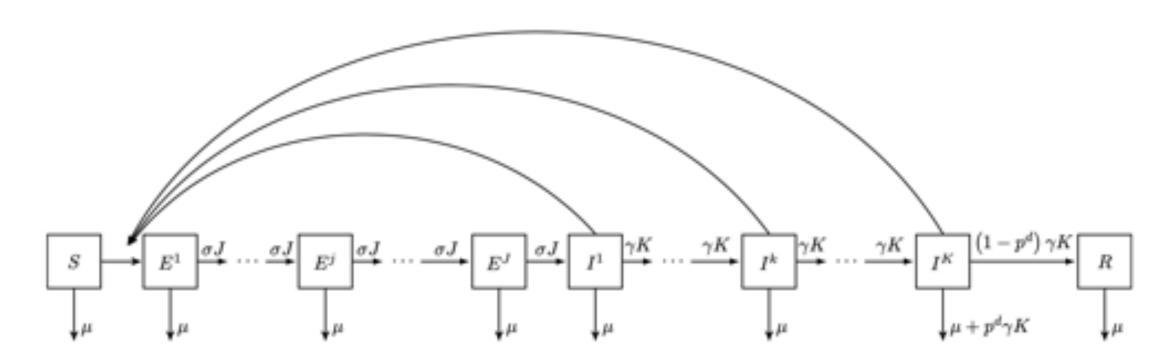


- El modelo está programado en R, lenguaje de código abierto.
- Basado en modelo epidemiológico matemático de ecuaciones diferenciales.
- Acoplado a un modelo de intervención.
- Alimentado por datos abiertos disponibles al momento.

#### Modelo epidemiológico



Diagrama de un **modelo SEIR** (Suceptible, Expuesto, Infeccioso y Recuperado) con *J* expuestos y *K* infectados



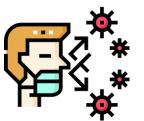
#### Modelo epidemiológico

- Para modelar adecuadamente las dinámicas dependientes de edad del COVID-19, expandimos el modelo SEIR para incluir una estructura de edad realista (EER) y una mezcla de edad heterogénea.
- El modelo EER SEIR para COVID-19 se describe en el siguiente sistema de (3+J+K)N ODEs:

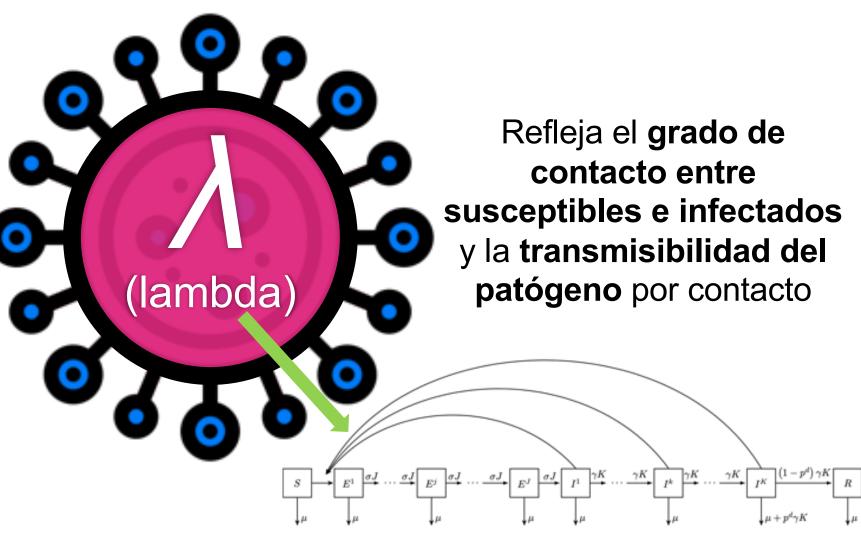


$$\begin{split} \frac{dS_{a}}{dt} &= -\left(\lambda_{a} + \mu_{a}\right) S_{a}, \\ \frac{dE_{a}^{1}}{dt} &= \lambda_{a} S_{a} - \left(\sigma J + \mu_{a}\right) E_{a}^{1}, \\ \vdots &= \vdots \\ \frac{dE_{a}^{j}}{dt} &= \sigma J E_{a}^{j-1} - \left(\sigma J + \mu_{a}\right) E_{a}^{j}, \\ \vdots &= \vdots \\ \frac{dE_{a}^{J}}{dt} &= \sigma J E_{a}^{J-1} - \left(\sigma J + \mu_{a}\right) E_{a}^{J}, \\ \frac{dI_{a}^{1}}{dt} &= \sigma J E_{a}^{J} - \left(\gamma K + \mu_{a}\right) I_{a}^{1}, \\ \vdots &= \vdots \\ \frac{dI_{a}^{k}}{dt} &= \gamma K I_{a}^{k-1} - \left(\gamma_{a} K + \mu_{a}\right) I_{a}^{k}, \\ \vdots &= \vdots \\ \frac{dI_{a}^{K}}{dt} &= \gamma_{a} K I_{a}^{K-1} - \left(\gamma K + \mu_{a}\right) I_{a}^{K}, \\ \frac{dR_{a}}{dt} &= \left(1 - p^{d}\right) \gamma K I_{a}^{K} - \mu_{a} R_{a}, \end{split}$$

#### Fuerza de la infección

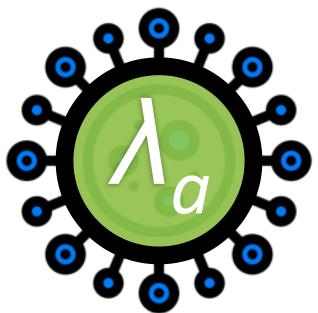


Cantidad clave que gobierna la transmisión de la infección entre una población determinada, definido como la tasa instantánea per cápita en la que las personas susceptibles adquieren la infección



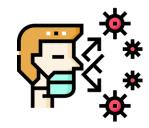
#### Fuerza de la infección





λ(a) de la fuerza de la infección representa la tasa de transmisión de la enfermedad entre las personas infectadas en todos los grupos de edad hacia las personas susceptibles en el grupo de edad a.

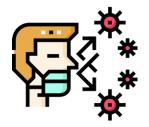
## Fuerza de la infección



La fuerza de la infección dependiente de edad del modelo SEIR de COVID-19 está definida por:

$$\lambda_a = \sum_{a'=1}^{N} \beta W_{a,a'} I_{a'}, \quad a = 1, \dots, N,$$

## Fuerza de la infección \*\*



La fuerza de la infección dependiente de edad del modelo SEIR de **COVID-19** está definida por:

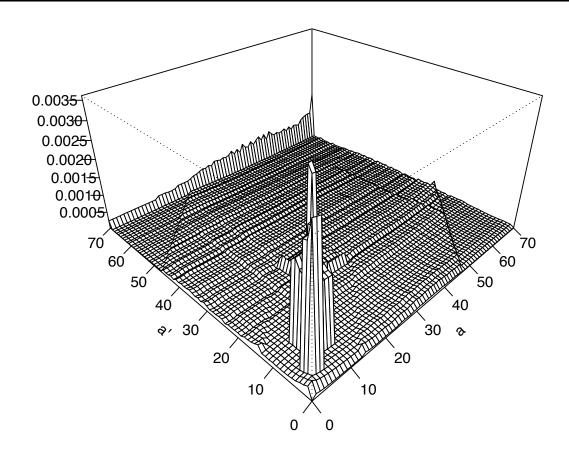
$$\lambda_a = \sum_{a'=1}^{N} \beta W_{a,a'} I_{a'}, \quad a = 1, \dots, N,$$

$$\lambda = \beta WI$$

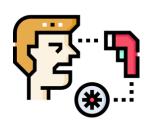
$$\begin{bmatrix} \lambda_1 \\ \lambda_2 \\ \vdots \\ \lambda_N \end{bmatrix} = \beta \begin{bmatrix} W_{1,1} & W_{1,2} & \cdots & W_{1,N} \\ W_{2,1} & W_{2,2} & \cdots & W_{2,N} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ W_{N,1} & W_{N,2} & \cdots & W_{N,N} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \sum_{k=1}^K I_1^k \\ \sum_{k=1}^K I_2^k \\ \vdots \\ \sum_{k=1}^K I_N^k \end{bmatrix}.$$

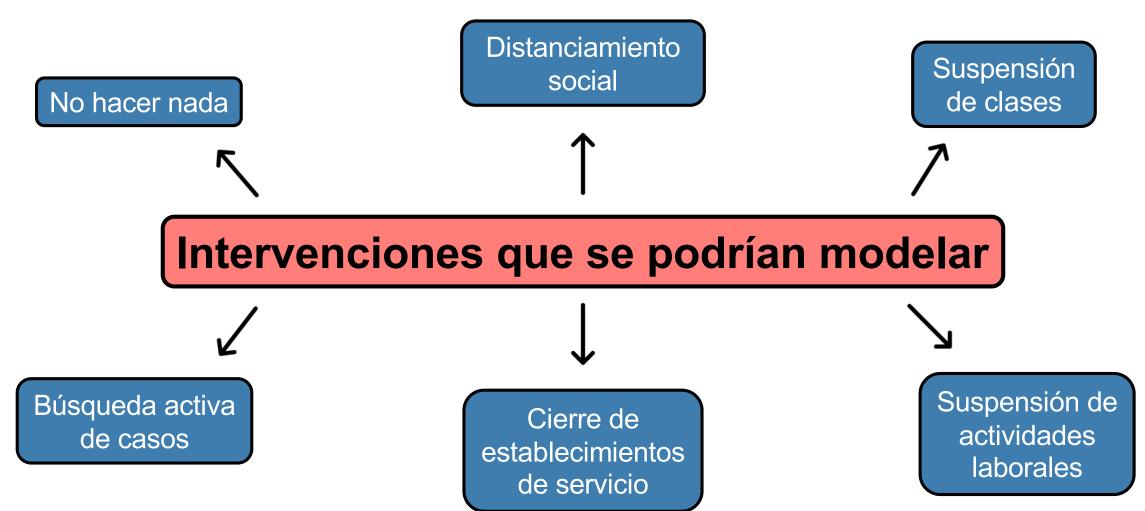
## Matriz de Quién Adquirió la Infección de Quién (QAIQ)

La **matriz QAIQ** tiene N<sup>2</sup> elementos, que representan la interacción entre cada par de grupos de edad en el modelo.



#### Alcances del modelo





#### Alcances del modelo



- Preguntas que se pueden responder:
  - Número de individuos enfermos que requieran servicios de salud en un momento determinado
  - Demanda máxima de servicios de salud
  - Impactos económicos y en salud de las diferentes intervenciones

#### Extensiones del modelo



Es necesario determinar qué áreas necesitan más investigación



Valor de la información

Permite saber en dónde es **más valioso invertir recursos** para tener **más información** que ayude a mejorar la toma de decisiones

## Preguntas

