

# Andrea Martínez Cuevas

Biologa | Biotecnologa



✉ andreamtc45@gmail.com

☎ +34 727772210

➕ [www.linkedin.com/in/andrea-martínez-cuevas](https://www.linkedin.com/in/andrea-martínez-cuevas)

## OBIETTIVO PROFESSIONALE

Biologa specializzata in biotecnologia, con esperienza in tecniche di laboratorio, biologia molecolare e analisi dei dati. Ho esperienza in colture cellulari, tecniche di laboratorio avanzate come l'editing genetico con CRISPR/Cas9, analisi bioinformatica e tecnologie di sequenziamento. Il mio obiettivo è applicare le mie conoscenze in biologia molecolare, biotecnologia e analisi dei dati per sviluppare soluzioni innovative nel campo della diagnostica, delle terapie avanzate e della ricerca biomedica. Sono motivata a contribuire al progresso scientifico attraverso l'ottimizzazione dei processi, lo sviluppo di nuovi approcci sperimentali e l'applicazione di strumenti bioinformatici per migliorare la salute e la qualità della vita.

## ISTRUZIONE

### Postgrado in Biotecnologia

Università di Granada (2023-2024)

### Laurea in Biologia

Università di Granada (2019-2023)

### Diploma di scuola superiore

I.E.S José de Mora (2017-2019)

## COMPETENZE

### Competenze Professionali

- **Apprendimento rapido** di nuove tecnologie e metodologie scientifiche.
- **Lavoro di squadra** in progetti multidisciplinari e scientifici.
- **Efficace comunicazione** per la presentazione dei risultati e la divulgazione scientifica.
- **Adattabilità** a lavorare in ambienti multidisciplinari e con tecnologie emergenti.
- **Gestione dei progetti** con capacità di gestire più attività contemporaneamente.

### Competenze Tecniche

- **Tecniche di Laboratorio:** PCR, qPCR, sequenziamento del DNA, elettroforesi, colture cellulari, immunofluorescenza, estrazione di RNA e sintesi di cDNA.
- **Editing Genetico:** competenza nel sistema CRISPR/Cas9 (progettazione di gRNA, produzione di vettori, trasduzione cellulare).
- **Bioinformatica:** analisi delle sequenze (Synthego ICE), progettazione di primer e utilizzo di CRISPOR per il design di gRNA.
- **Analisi dei Dati:** competenze in Excel, GraphPad.
- **Software Scientifico:** BioRender, CRISPOR, ICE de Synthego.
- **Ricerca e Scrittura Scientifica:** revisione della letteratura, sintesi delle informazioni e redazione di rapporti tecnici.

## LINGUE

- **Spagnolo:** Nativo
- **Inglese:** B2
- **Italiano:** B2

## PUBBLICAZIONI

Carrillo-Gálvez, A.B., Guerra-Valverde, J.A., Padial-Molina, M., Martínez-Cuevas, A., Abril-García, D., Olaechea, A., Martín-Morales, N., O'Valle, F., Galindo-Moreno, P. & Zurita, F. (2025). Cross-talk between NLRP3 and AIM2 inflammasomes in macrophage activation by LPS and titanium ions. Molecular Medicine, 31:223. <https://doi.org/10.1186/s10020-025-01290-7>

## CERTIFICAZIONI & RICONOSCIMENTI

---

- **MOOC Machine Learning and Big Data per la Bioinformatica:** Università di Granada, 2022.
- **MOOC sulla Ricerca di Informazioni:** Università di Granada, 2022.
- **Borsa di studio del programma ERASMUS+:** Università degli Studi del Piemonte Orientale, 2021/2022.

## PROGETTI

---

### **Sindrome correlate a Delezioni e Duplicazioni Cromosomiche.**

- Revisione approfondita della letteratura scientifica sulle sindromi genetiche associate a delezioni e duplicazioni cromosomiche.
- Analisi critica di studi precedenti e sintesi delle informazioni rilevanti sulle manifestazioni cliniche e sui meccanismi genetici sottostanti.
- Redazione di un rapporto dettagliato che evidenzia i principali risultati e le implicazioni per la diagnosi e il trattamento.

Valutazione: 9.1

### **Analisi In Vitro del Processo Infiammatorio Attraverso la Generazione di Linee di Macrofagi Knockout per NLRP3 e AIM2.**

- Tecniche di Laboratorio: PCR, qPCR, sequenziamento del DNA, elettroforesi, colture cellulari, immunofluorescenza, estrazione di RNA, sintesi di cDNA, gestione del sistema CRISPR/Cas9: progettazione di gRNA, produzione di vettori, trasduzione cellulare, utilizzo di microscopi a fluorescenza e ottici.
- Bioinformatica: Analisi delle sequenze utilizzando il software Synthego ICE, progettazione di primer, utilizzo del software CRISPOR per la progettazione di gRNA.

Valutazione: 9.7