# Pesquisa e colaboração durante a pandemia de Covid-19

Andrea Sánchez-Tapia

Ciência com Certeza INPA - Manaus

2 de julho de 2020

## **Apresentação**

- Bióloga Universidade Nacional da Colômbia
- Mestre em Ecologia UFRJ
- Doutora em Botânica JBRJ
- Pós-doc Núcleo de Computação Científica e Geoprocessamento do JBRJ (Marinez Ferreira de Siqueira)

Ecologia de comunidades vegetais, restauração ecológica, ecologia quantitativa

Informática da biodiversidade, modelagem de nicho ecológico

Ciência aberta e reprodutível, ética na ciência de dados, ciência de dados feminista

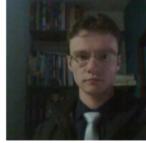
# Pacote de R para modelagem de nicho ecológico: modleR

- Unificar diferentes partes do processo de MNE
- Fornecer metadados e documentar decisões de parametrização
- Se integrar ao resto de ferramentas que existem no ambiente de R











Marinez F Siqueira, Sara Mortara, Diogo Rocha, Guilherme Gall, Felipe Sodré



Get started

Reference

Articles -

### modleR: a workflow for ecological niche models

modleR is a workflow designed to automatize and document some of the common steps when performing ecological niche models (ENM). Given the occurrence records and a set of environmental predictors, setup\_sdmdata() prepares the data by cleaning for duplicates, removing occurrences with no environmental information and applying some geographic and environmental filters. It also partitions data into test and training sets, using crossvalidation or bootstrap procedures. do\_any() or do\_many() fit the ecological niche models using several algorithms, some of which are already implemented in the dismo package (Hijmans et al 2017), and others come from other packages in the R environment, such as glm, Support Vector Machines (kernlab and e1071) and Random Forests (randomForest). A function to join individual partitions in several ways is provided in final\_model(). Finally, ensemble\_model() assembles models from distinct algorithms and provides summary rasters.

New Results

Comment on this paper

#### modleR: a modular workflow to perform ecological niche modeling in R

Diogo Souza Bezerra Rocha, Felipe Sodré Mendes Barros, Guilherme Gall, Marinez Ferreira de Siqueira doi: https://doi.org/10.1101/2020.04.01.021105

This article is a preprint and has not been certified by peer review [what does this mean?].

Abstract

Full Text

Info/History

Metrics

Preview PDF

# A MNE não deve ser usada para modelar a distribuição da pandemia #spoileralert



## Curso sobre ciência aberta e fluxos de trabalho reprodutíveis



(Um curso de R sqn)



Turma 2020:)

Boas práticas em análise de dados













# Durante a pandemia

## Pacote coronabr

- Disponibilizar os dados do Ministério da Saúde, Brasil I/O, John Hopkins
- Sem análises, projeções ou modelos

#### Download de dados de COVID-19 no Brasil

**coronabr** é um pacote de R para fazer *download* e visualizar os dados dos casos diários de coronavírus (COVID-19) disponibilizados por diferentes fontes:

- Ministério da Saúde;
- Brasil I/O;
- Johns Hopkins University

#### Nosso objetivo

O nosso objetivo é facilitar o acesso aos dados de diferentes fontes, usando ferramentas de acesso aberto e que permitam reprodutibilidade.

O código é aberto. Entre em como usar para um exemplo de como utilizar o pacote. Compartilhe.

Fazemos ciência aberta, democrática e reprodutível. Este é um trabalho em desenvolvimento. Para entender como contribuir, clique aqui.

#### Aviso!

Disponibilizamos aqui atualizações dos gráficos. Sabemos que deve haver maneiras responsáveis de apresentar estes dados e que as comparações entre regiões e países dependem de muitas variáveis.

Os dados são referentes aos casos notificados. É sabido que temos subnotificação e atraso nas notificações. Assim, mais do que nunca, não refletem a epidemia em si.



#### Links

Browse source code at

https://github.com/liibre/coronabr/

Report a bug at

https://github.com/liibre/coronabr/issues

License

GPL (>= 3)

Community

Contributing guide

Developers

Sara Mortara

Author, maintainer (1)

Andrea Sánchez-Tapia

Author 📵

Karlo Guidoni Martins

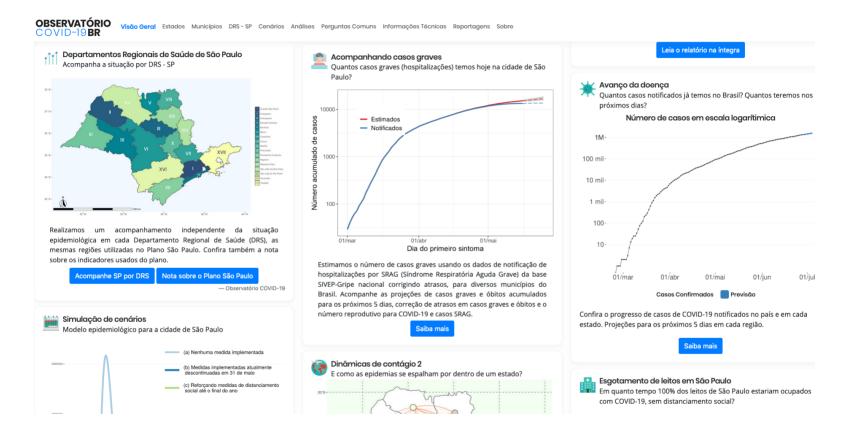
Author 🕞

All authors...

Dev status

build passing

#### OBSERVATÓRIO COVID-19BR





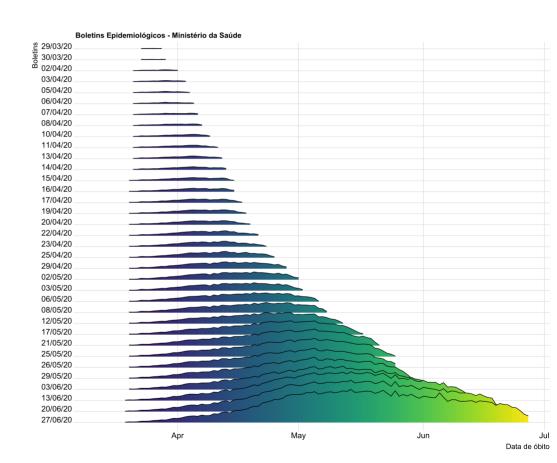


# Grupo de correção de atrasos na notificação por "nowcasting" bayesiano (McGough et al. 2020)

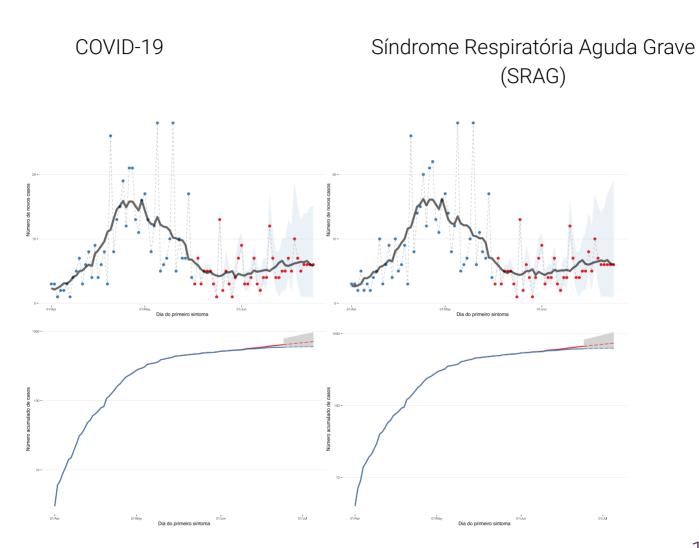
#### Primeira morte por coronavírus no Brasil aconteceu em 12 de março, diz Ministério da Saúde

Após comprovação laboratorial, ministério antecipou em quatro dias a primeira morte por Covid-19 no país. Vítima é uma mulher de 57 anos, de São Paulo.

(Notificação: 27/06/2020)



### Tabatinga (AM) (fonte: SIVEP - Nacional 30/06/2020)



## ¡Gracias!

- ◀ andreasancheztapia@gmail.com
  - **y** @SanchezTapiaA
  - ndreasancheztapia
  - R-Ladies+ Rio de Janeiro