# Распознавание фонем при помощи классификатора на основе скрытых марковских моделей

Кузьмин А.А. kuzAleksAleks@gmail.com

6 декабря 2016 г.

## Введение

Основная цель данной работы — дать общее понимание того как стохастические модели на основе скрытых марковских моделей (СММ) используются для решения задачи классификации речевого сигнала. Работа включет в себя:

- 1. подготовку данных,
- 2. расчет параметров моделей,
- 3. классификацию тестовых сигналов,
- 4. оценку точности классификации.

В качестве языка программирование предлагается использовать язык программирования Python. Этот язык широко используется как для обработки речевых сигналов в частности, так и для анализа данных в целом.

## Программного обеспечение

- Python >= 2.6 https://www.python.org/
- NumPy >= 1.9.3 http://www.numpy.org/

- SciPy >= 0.16.0 https://www.scipy.org/
- scikit-learn >= 0.16 http://scikit-learn.org/stable/
- hmmlearn http://hmmlearn.readthedocs.io/en/latest/index.html https://github.com/hmmlearn/hmmlearn

## Методические указания

### Подготовка данных

В качестве данных в данной работы выступают последовательности векторов признаков сигналов. Сигналы соответствуют фонемам русского языка: "a", "u", "e", "м", "h", "o", "p", "c", "ы". Сами данные находятся в файле corpus.json:

Каждый сигнал представляет из себя упорядоченную во времени последовательность векторов признаков. В зависимости от длительности звучания фонемы последовательность может быть различной длинны. Каждый вектор — это 13 кепстральных коэффициентов, распределенных по  ${\rm M}\Im\Pi$  шкале.

Для того что бы считать данные нужно выполнить следующие команды:

```
import json
with open('path/to/corpus.json') as f:
```

```
corpus = json.load(f)
print corpus.keys() # ['a', 'i', 'm', 'o', 'n', 's', 'r', 'y', 'je']
```

Каждому ключу словаря corpus соответствует набор последовательностей векторов для соответствующей фонемы.

Например, выборка для фонемы "а" состоит из 224 последовательностей. Первая последовательность состоит из 10 векторов признаков, а размерность каждого вектора равна 13:

```
print len(corpus['a']) # 224
print len(corpus['a'][0]) # 10
print len(corpus['a'][0][0]) # 13
```

#### Расчет параметров моделей

СММ с проинициализированными значениями параметров может быть создана следующим образом:

```
1 from hmmlearn import hmm
2
3 model = hmm.GaussianHMM(n_components=3, covariance_type='diag')
```

n\_components задает количество состояний в модели, а covarience\_type — вид матрицы ковариации: диагональный ('diag') или общий 'full').

Вызов метода fit позволит применить алгоритм Баума-Уэлча для расчета параметров модели:

```
0 = corpus['a'][0]
model.fit(0)
```

Если алгоритм сойдется, эти значения параметров будут являются точкой максимума функции правдоподобия  $P(O|\lambda)$ , где O — данная обучающей последовательности наблюдений.

В том случае, когда обучающая выборка состоит из нескольких последовательностей, перед вызовом метода fit их необходимо объединить в одну длинную последовательность. Список, в который входят длины соответствующих исходных последовательностей передается в качестве второго аргумента:

```
import numpy as np

0 = np.concatenate([corpus['a'][0], corpus['a'][1]])

lengths = [len(corpus['a'][0]), len(corpus['a'][1])]

model.fit(0, lengths)
```

#### Распознавание

Предположим, что есть обученные модели для фонемы  $Ph_1$ ,  $Ph_2$ . Фонема, к которой относится неизвестный сигнал X, определяется по следующей формуле:

$$Ph = \begin{cases} Ph_1 & \text{if} \quad P(X|Ph_1)P(Ph_1) > P(X|Ph_2)P(Ph_2), \\ Ph_2 & \text{if} \quad P(X|Ph_1)P(Ph_1) < P(X|Ph_2)P(Ph_2) \end{cases}$$

В данной лабораторной работе мы будем предполагать, что появление любой фонемы равновероятно:  $P(Ph_i) = P(Ph_i)$ .

Как известно, значение любой вероятности принадлежит замкнутому интервалу [0, 1]. Что бы избежать проблем, связанных с выходом значений переменных за границы допустимые типом данных double, будут рассчитываться логарифмы вероятностей. И тогда, критерий распознавания фонемы принимает следующий вид:

$$Ph = \begin{cases} Ph_1 & \text{if } \ln P(X|Ph_1) > \ln P(X|Ph_2), \\ Ph_2 & \text{if } \ln P(X|Ph_1) < \ln P(X|Ph_2) \end{cases}$$

Для того, что бы вычислить логарифм вероятности появления последовательности векторов X, при данной модели  $\lambda$ , вызывается метод score:

```
X = corpus['a'][2]
print model.score(X) # -267.95158196241908
```

#### Оценка точности распознавания

Теперь нужно оценить точность созданного классификатора. Для этого необходимо разделить данные на две непересекающиеся подвыборки: обучающую и тестирующую в соотношении примерно 80 к 20.

Например, выборка для фонемы "а" состоит из 224 последовательностей. Это значит, что обучающая подвыборка будет включать в себя  $\lfloor 224*0.8 \rfloor = 179$  последовательностей, а mecmupyroman: 224-179=45 Точность распознавания acc, будет оцениваться так:

$$acc = \frac{n}{N}$$

, где n — количества точных распознаваний, а N — количество всех распознаваний. Последнее совпадает с количеством последовательностей в  $mecmupy \omega \psi \omega$  подвыборке.