

Algoritmy s reťazcami

12. 12. 2017

zimný semester 2017/2018

Rozbehový problém

- Daný je reťazec nájsť najdlhší palindróm…
- Palindróm je slovná hračka: postupnosť písmen, ktorá znie rovnako pri čítaní spredu ako pri čítaní zozadu.
- Používal už 3. st. pred n.l. básnik Sotades z Maronei
- Nájdeme ich vo všetkých jazykoch
- Napr. veľmi známy grécky
 ΝΙΨΟΝ ΑΝΟΜΗΜΑΤΑ ΜΗ ΜΟΝΑΝ ΟΨΙΝ
 Nipson anomemata me monan opsin
 (Zmy aj hriechy, nielen tvár)

Sv. Gregor Naziánsky



Chrám Svätej Múdrosti Konštantínopol

Žartovnejšie palindrómy

- Náhrobok: A man, a plan, a canal, Panama.
- Aké auto si kúpim?
 A Toyota! Race fast...safe car: a Toyota.
- Morálna dilema: Borrow or rob?
- Niečo si vyjasnime: Madam, in Eden, I'm Adam.
- Bratia Česi sa nezaprú: Jelenovi pivo nelej ...
- Zo slovenskej kuchyne: Má diery syr eidam? Ráno kuchár hodí do hrachu konár ...
- Jankovia: Jano, konaj! Nájde med Ján?
- Iné: more za jazerom, seno dones, Edo vo vode, Kobyla má malý bok, Nitra Martin ...

Najdlhší palindróm

- Majme slovo W, otočené slovo označíme W^R
 W=AABBACCD W^R=DCCABBAA
- Palindróm je také slovo, pre ktoré W = W^R
 AABBACCDDCCABBAA
- Ako v texte T (dĺžky N písmen) nájdem najdlhší palindróm? AABACADDACABDABAC
- Prvý algoritmus:
 - Preskúmam všetky súvislé postupnosti písmen v T a pre každú skontrolujem, či je palindróm.
 - Koľko je všetkých súvislých postupností písmen v T? $\binom{N}{2}$
 - Postupnosť písmen dĺžky K skontrolujem v čase O(K)
 - Celková zložitosť: O(N³)

Najdlhší palindróm (2)

- Palindróm je také slovo, pre ktoré W = W^R
 AABBACCDDCCABBAA
- Všimnem si, že palindróm má stred, okolo ktorého sú písmená symetricky:
 AABBACCD DCCABBAA
- Stred môže byť:
 - jedno písmeno: ABA, alebo
 - medzi susednými písmenami: ABBA
- Transformujem text na vstupe, tak, aby:
 - bol stred vždy jedno písmeno, a
 - súčasne sa nezhoršila výpočtová zložitosť

Najdlhší palindróm (3)

- Medzi každé susedné písmenká pridám pomocný znak, ktorý sa nenachádza inde v texte, napr. +
- Stred palindrómov pôvodného textu potom bude vždy v nejakom písmenku transformovaného textu
- Párna dĺžka: A+B+B+A
 Nepárna dĺžka: A+B+A
- Druhý algoritmus:
 - Pre každý možný stred S, určím najdlhší palindróm so stredom S (postupne kontrolujem písmená od stredu S k okraju textu)
 - Počet možných stredov palindrómu? O(N)
 - Určenie dĺžky palindrómu okolo jedného stredu? O(N)
 - Celková zložitosť: O(N²)

Najdlhší palindróm (4)

- Je možné to ešte zrýchliť?
- Všimneme si, že každý palindróm v sebe obsahuje vnorené menšie palindrómy: AABBACCDDCCABBAA
- Dajme si najvyššiu métu:
 Vytvoríme O(N) algoritmus
- Čo to znamená?
- Nejaké základné predstavy ako prvý návrh:
 - Musíme prejsť písmená každé práve raz
 - Prechádzať budeme zľava doprava
 - Budeme určovať polomer P[i] palindrómu so stredom v t_i
 - Uvažujme len palindrómy so stredom v nejakom písmene (spravíme transformáciu, aby stredy neboli medzi písmenami)

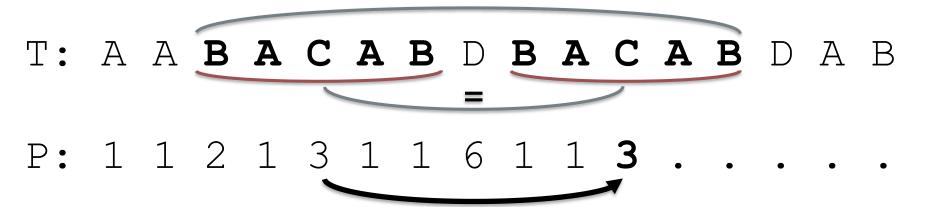
Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus

■ Predpokladajme, že sme už určili P[0], P[1], ..., P[i-1], chceme teraz určiť P[i]. Využijeme princíp **zrkadiel**:

- Všimneme si palindróm polomeru P[j] pre stred j < i, ktorý zasahuje najďalej do nasledujúceho textu:
- Sú dve možnosti:
 - P[j] zasahuje aj do i-teho znaku využijeme hodnotu polomeru palindrómu zo stredom v zrkadlovom obraze z podľa znaku j: P[j-(i-j)]
 - P[j] nezasahuje do i-teho znaku (končí skôr) nevyužijeme ho

Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus (2)

Pri určovaní P[i] začneme od hodnoty polomeru palindrómu v zrkadlenom písmene, ktorá je ešte v najďalej-zasahujúcom palindróme:
palindróm



- Kontrolujeme ďalšie písmená rozširujeme stred palindrómu
- Ak najďalej-zasahujúci palindróm zasahuje aj do i-teho znaku: tak začneme porovnávať písmená od hodnoty polomeru v zrkadlenom písmene, ktorá je pokrytá v najďalejzasahujúcom palindróme)

Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus (3)

Pri určovaní P[i] začneme od hodnoty polomeru palindrómu v zrkadlenom písmene, ktorá je ešte v najďalej-zasahujúcom palindróme:

```
T: A A B A C A B D B A C A B D A B
P: 1 1 2 1 3 1 1 6 1 1 4 . . . . .
```

- Kontrolujeme d'alšie písmená
- Rozširujeme stred palindrómu ...

Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus (4)

Pri určovaní P[i] začneme od hodnoty polomeru palindrómu v zrkadlenom písmene, ktorá je ešte v najďalej-zasahujúcom palindróme:
Starý najďalej-zasahujúci palindróm

- Kontrolujeme d'alšie písmená
- Nový palindróm presahuje doteraz najďalej-zasahujúci, a teda ho dokážeme neskôr viac (ako starý) využiť pri určovaní hodnôt P pre ďalšie písmená

Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus (5)

 Palindróm so stredom v zrkadlovom obraze z=j-(i-j) môže smerom doľava presahovať najďalej-zasahujúci palindróm, príklad nižšie:

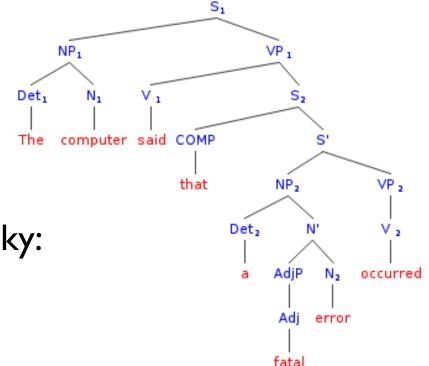
V takomto prípade, začneme od hodnoty polomeru, **ktorá je ešte pokrytá najďalej-zasahujúcim palindrómom,** teda: od hodnoty, o ktorej máme ešte informácie z predchádzajúcich porovnaní. (V ukážke začneme od hodnoty 3, napriek tomu, že v zrkadlovom obraze je polomer palindrómu 4.)

Najdlhší palindróm – Lineárny algoritmus (6)

- Lineárny algoritmus: Pre každý stred t_i určíme polomer palindrómu P[i] so stredom v t_i, využijeme: najďalej-zasahujúci palindróm a princíp zrkadiel:
 - pre d'alšie spracované písmeno t_i vieme zo zrkadlového obrazu zistiť minimálny polomer palindrómu so stredom t_i taký, že je ešte pokrytý najďalej-zasahujúcim palindrómom
 - Od tejto hodnoty začneme porovnávať písmená rozširovať palindróm okolo t_i od okraja najďalej-zasahujúceho palindrómu
- Prečo má tento algoritmus lineárnu zložitosť O(n)?
- Pretože v každom písmene nastane jedna z možností:
 - alebo urobíme len jedno porovnanie písmen (nerozšírime stred)
 - alebo rozšírime najďalej-zasahujúci palindróm (čo môže nastať celkovo v texte najviac n krát)

Spracovanie prirodzeného textu

- Všeobecný problém syntaktická analýza (parsing):
 Daná je gramatika jazyka a slovo (postupnosť písmen) určiť strom odvodenia slova v tejto gramatike
- Napr. slovo:
 The computer said that a fatal error occured.



Pre bezkontextové gramatiky:
 Cocke-Younger-Kasami
 (CYK) algoritmus

Cocke-Younger-Kasami (CYK) algoritmus

- Daná je bezkontextová gramatika v Chomského normálnom tvare (A \rightarrow BC, A \rightarrow a, S \rightarrow ϵ)
- Slovo: a₁a₂...a_n.
- Neterminálne symboly R₁, ... R_r
- Pre každú súvislú podpostupnosť slova určiť, či je možné ju odvodiť z R_k:

$$P(i,j,k) = \begin{cases} 1, & \text{ak slovo } a_i...a_j \text{ je možn\'e} \\ & \text{odovodit' z } R_k \\ 0, & \text{inak.} \end{cases}$$

Cocke-Younger-Kasami (CYK) algoritmus (2)

- Slovo: a₁a₂...a_n. Neterminálne symboly R₁, ... R_r
- Pre každú súvislú podpostupnosť slova určiť, či je možné ju odvodiť z R_k: P(i,j,k).
- Postup: určiť hodnoty P(i,j,k) pre podslová dĺžky postupne 1, 2, ... n.
 - Pre podslová dĺžky 1 je to triviálne.
 - Pre podslová dĺžky 2 a viac skúsiť každé možné
 rozdelenie na dve časti X a Y: pričom, ak existuje
 produkčné pravidlo P → QR, také, že X sa dá odvodiť z
 Q a zároveň Y sa dá odvodiť z R, tak potom aj celé
 slovo XY sa dá odvodiť z P.

CYK algoritmus – Ukážka

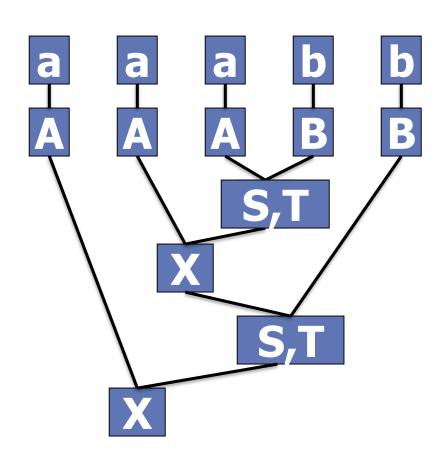
Napr. gramatika G:

$$S \rightarrow \varepsilon \mid AB \mid XB$$

 $T \rightarrow AB \mid XB$
 $X \rightarrow AT$
 $A \rightarrow a$
 $B \rightarrow b$

Slovo: aaabb

■ Výsledok: aaabb ∉ L(G) (lebo aaabb NIE JE možné odvodiť z počiatočného S)



CYK algoritmus – Ukážka (2)

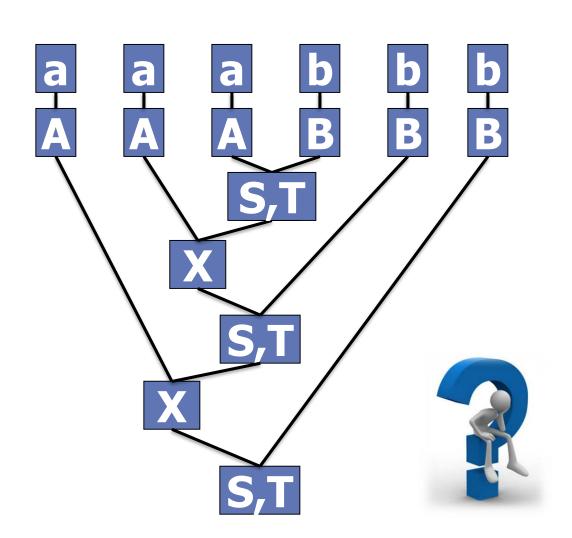
Napr. gramatika G:

$$S \rightarrow \varepsilon \mid AB \mid XB$$

 $T \rightarrow AB \mid XB$
 $X \rightarrow AT$
 $A \rightarrow a$
 $B \rightarrow b$

■ Slovo: aaabbb

■ Výsledok: aaabbb ∈ L(G) (lebo aaabbb JE možné odvodiť z počiatočného S)



CYK algoritmus - Reprezentácia v tabulke

končí v začína v	1: aaabbb	2: aaabbb	3: aaabbb	4: aaabbb	5: aaabbb	6: aaabbb
0:aaabbb	$A^{}$	-	-	-	X	-S,T
1:aaabbb		A -	-	-X	S,T	-
2:aaabbb			A -	S,T	-	-
3:aaabbb				В	-	-
4:aaabbb					В	-
5:aaabbb						B

Implementácia: Dynamické programovanie O(N³)

Problém vyhľadania vzorky (string matching)

- Základný (hlavný) problém spracovania reťazcov
- Daný je text T a vzorka P, nájdi všetky výskyty P v T
- Označenie:
 - n dĺžka T, m dĺžka P
 - Znaky: abeceda ∑ (konštantnej veľkosti), písmená a, b, c, ... slová (postupnosti písmen) x, y, z
 - i-ty znak vzorky P_i (indexujeme od 1)
- Príklad:

```
T = AGCATGCTGCAGTCATGCTTAGGCTA
```

P = GCT

P sa vyskytuje tri krát v T:

AGCATGCTGCAGTCATGCTTAGGCTA

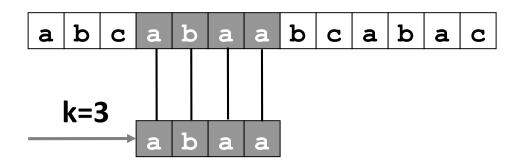
Základné pojmy

- Slovo (ret'azec) S = AGCTTGA
- |S|=7, dĺžka slova (reťazca) S
- Podslovo (súvislý podreťazec): S_{i,j} = S_iS_{i+1}...S_j napr. S_{2,4} = GCT (AGCTTGA)
- Podpostupnosť reťazca S: vymazaním niekoľkých (vrátane žiadneho) znakov z S napr. ACT (AGCTTGA), GCTT (AGCTTGA)

Základné pojmy – Výskyt vzorky

- Uvažujme teraz reťazce:
 - Text T[1...n], ktorý má dĺžku n
 - Vzorku P[1...m], ktorá má dĺžku m
- Vzorka P sa nachádza v texte T s posunutím k ak platí:
 - T[k+1...k+m] = P[1...m]

```
napr.T = abcabaabcabac, P = abaa
m=4, n=13, k=3
```

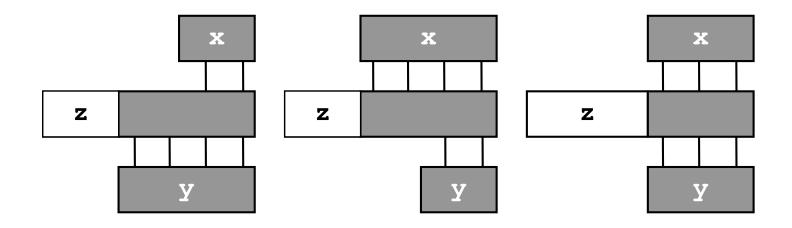


Základné pojmy – Prefix a sufix

- Prefix (predpona) S: podreťazec tvaru S_{1,k}
 napr. AGCT (<u>AGCT</u>TGA)
 - Ret'azec w je predponou ret'azca x, ak (existuje ret'azec y taký, že) x = wy, kde y je akýkoľvek ret'azec z použitej abecedy Σ , t.j. prvok z množiny Σ^* Napr: pre(ab,abcca)
- Sufix (prípona) S: podreťazec tvaru S_{h,|S|} napr. CTTGA (AGCTTGA)
 - Ret'azec w je príponou ret'azca x, ak (existuje ret'azec y taký, že) x = yw, kde y je akýkoľvek ret'azec z použitej abecedy Σ , t.j. prvok z množiny Σ^* Napr: suf(cca,abcca)

Dôležitá vlastnosť sufixov (aj prefixov)

- Predpokladajme, že x, y a z sú reťazce, pre ktoré platí suf(x, z) a suf(y, z), potom:
 - ak $|x| \le |y|$, tak suf(x,y)
 - ak $|x| \ge |y|$, tak suf(y,x)
 - ak |x| = |y|, tak x = y



Prvé riešenie

P = GCT

Formulácia problému:

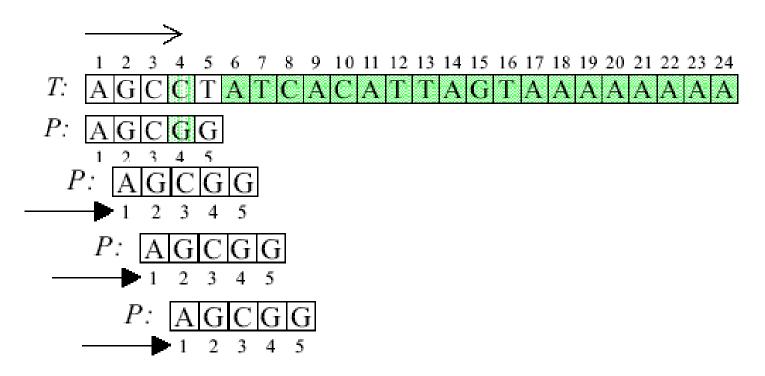
Daný je text T a vzorka P, nájdi všetky výskyty P v T: $T = AGCAT\underline{GCT}GCAGTCAT\underline{GCT}TAG\underline{GCT}A$

- Prvé riešenie (tzv. naivné):
 - Pre každé písmeno textu T vyskúšaj porovnať vzorku P, či v ňom začína.

 - Celková zložitosť: O(nm)

Prvé riešenie (2)

Naivný algoritmus sa pri nájdení rozdielu posunie vždy o 1 doprava:



Vedeli by sme sa posunúť aj o viac ako o 1?

Knuth-Morris-Prattov (KMP) algoritmus

- Hlavná myšlienka: Preskočiť nejaké porovnávania využitím prechádzajúcich výsledkov porovnávaní
- Využíva predpočítané pole π[1..m] definované : π[i] je najväčšie číslo menšie ako i také, že prefix P₁...P_i je sufixom P₁...P_i

i	- 1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
P_i	a	b	a	b	a	b	a	b	С	а
$\pi[i]$	0	0	1	2	3	4	5	6	0	1

 $\pi[6]$ =4 pretože abab je najdlhší (kratší) sufix ababab $\pi[9]$ =0 – neexistuje prefix kratší ako 9 znakov končiaci v c

KMP algoritmus – ukážka

- T = ABC ABCDAB ABCDABCDABDE P = ABCDABD, $\pi = (0,0,0,0,1,2,0)$
- Začneme porovnávať na prvom znaku T₁:

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

- Nezhoda na 4. znaku vzorky P:
 - Súhlasia k=3 znaky, pričom $\pi[k]=0$, a teda nemá zmysel porovnávať od druhého T_2 ani tretieho znaku T_3 .
 - Posunieme P o k-π[k]=3 znaky dopredu...

KMP algoritmus – ukážka (2)

■ Posunieme P o $k-\pi[k]=3$ znaky dopredu...

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

- Opäť nezhoda na 4. znaku vzorky P:
 - Súhlasí k=0 znakov, posunieme P o k- π [k]=1 znak dopredu... (definujeme π [0]=-1)

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

KMP algoritmus – ukážka (3)

• $\pi[6]=2$ znamená že prefix P_1P_2 je (najdlhším kratším) sufixom $P_1P_2P_3P_4P_5P_6$

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE

ABCDABD

II ABCDABD

1234567

 Nemá zmysel posúvať o 1, 2 alebo 3 znaky, posunieme o 6-π[6]=4 znaky ...

KMP algoritmus – ukážka (4)

Znovu nezhoda na T₁₁:

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

■ Teraz súhlasia k=2 znaky, posunieme o: 2-π[2]=2 znakov

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

• Posunieme o $0-\pi[0]=1$

KMP algoritmus – ukážka (5)

Ďalšia nezhoda na T₁₈:

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABCDABDE ABCDABD

1234567

Súhlasí k=6 znakov, posunieme o: 6-π[6]=4 znaky

12345678901234567890123

ABC ABCDAB ABCDABDE ABCDABD

1234567

 Našli sme výskyt, posunieme vzorku o 7-π[7]=7 znakov, a hľadáme ďalší možný výskyt ...

KMP algoritmus – výpočet π

- Pozorovanie č.1 (zjavné): ak $P_1...P_{\pi[i]}$ je sufix $P_1...P_i$, potom $P_1...P_{\pi[i]-1}$ je sufix $P_1...P_{i-1}$
- Pozorovanie č.2: všetky prefixy P, ktoré sú zároveň aj sufixami P₁...P_i, môžeme získať opakovaným (rekurzívnym) aplikovaním funkcie π na i. P₁...P_{π[i]}, P₁...P_{π[π[i]]} , P₁...P_{π[π[i]]} , ... sú sufixy P₁...P_i
 - Označme $\pi^{(k)}[i]$ k-krát aplikované π na i, napr. $\pi^{(2)}[i] = \pi[\pi[i]]$
 - Potom: $\pi[i] = \pi^{(k)}[i-1] + 1$ pre najmenšie také k, pre ktoré platí: $P_{\pi^{(k)}[i-1]+1} = P_i$
- Intuitívne (určenie hodnoty $\pi[i]$):
 Najdlhší taký prefix P, ktorý je sufixom $P_1...P_{i-1}$ taký, že nasledujúce písmenko v texte súhlasí s P_i

KMP algoritmus - Implementácia

Výpočet π:

```
\pi[0] = -1
k = -1
for (i = 1...m) do
while (k >= 0 && P[k+1] != P[i]) do
k = \pi[k]
\pi[i] = ++k
```

Vyhľadanie výskytov vzorky:

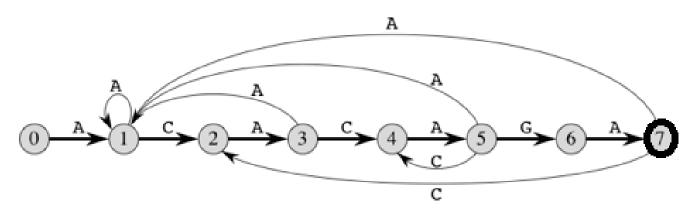
```
k = 0
for (i = 1...n) do
  while (k >= 0 && P[k+1] != T[i]) do
    k = π[k]
  k++
  if (k == m) then
    OUTPUT: P matches T[i-m+1..i]
    k = π[k]
```

KMP algoritmus – Zložitosť

- Vstup: text T[1...n] a vzorka P[1...m]
- Výpočet funkcie π
 - Hlavný for cyklus sa opakuje m krát
 - Vnorený while cyklus sa vracia celkovo najviac toľko krát, koľko krát sme sa "posunuli dopredu" (k++)
 - Celkovo sme sa posunuli m-krát dopredu
 - Celkovo O(m)
- Vyhľadanie výskytov vzorky P v texte T
 - Hlavný for cyklus sa opakuje n krát
 - Vnorený while cyklus sa vracia celkovo najviac toľko krát, koľko krát sme sa "posunuli dopredu" (n krát)
 - Celkovo O(n)
- Celková zložitosť O(m+n)

Konečný automat

 Vyhľadávanie výskytu vzorky deterministickým konečno-stavovým automatom



	znak textu						
stav	Α	С	G	Т			
0	1	0	0	0			
1	1	2	0	0			
2	3	0	0	0			
3	1	4	0	0			
4	5	0	0	0			
5	1	4	6	0			
6	7	0	0	0			
7	1	2	0	0			

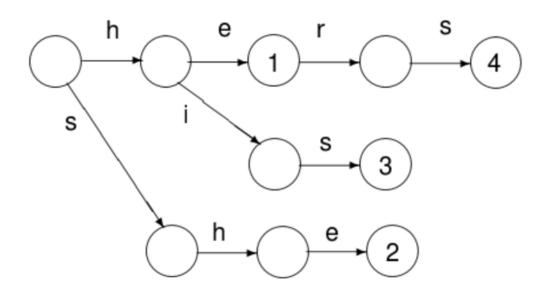
- Princíp:
 - čítame písmená (z textu)
 - stavy automatu zodpovedajú dĺžke
 najdlhšieho prekryvu vzorky v mieste práve čítaného textu
 - prechody zostrojíme podľa funkcie π

Aho-Corasickovej (AC) algoritmus

- Daný text T a vzorky $P_1, P_2, ..., P_k$ nájdi všetky výskyty všetkých vzoriek v texte T, pričom $m=|P_1|+|P_2|+...+|P_k|$
- Ak by sme použili k-krát KMP, máme zložitosť O(nk+m)
- Mohli by sme použiť hashovanie (Rabin-Karpov algoritmus) ale tam je najhoršia zložitosť podobná...
- AC algoritmus beží v zložitosti O(n+m+z), kde z je celkový počet výskytov slov v texte.
- Hlavná myšlienka (AC algoritmu): Zostrojíme jeden konečný automat pre všetky slová:)
- Prechod v automate je potom v zložitosti O(n+z)

AC algoritmus - Konštrukcia automatu

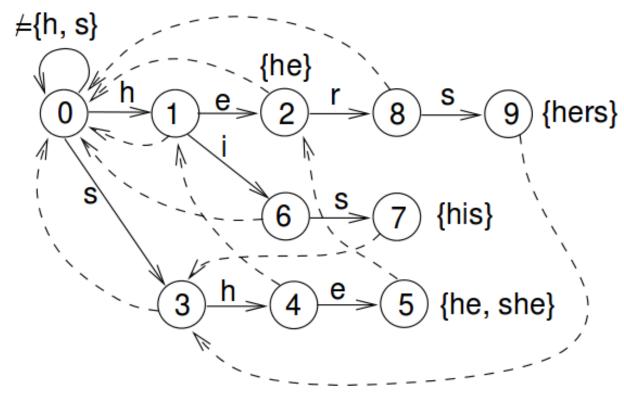
- Konštrukcia prebehne v dvoch krokoch
- Prvý krok: zostrojíme písmenkový strom (trie) Napr. pre {he, she, his, hers}



AC algoritmus - Konštrukcia automatu (2)

Druhý krok: Prehľadávaním do šírky doplníme spätné hrany (prechody automatu), ktoré sa použijú v prípade nezhody písmena: najdlhší prefix, ktorý je zároveň

sufixom...



Existuje ešte niečo rýchlejšie?

- Text T dĺžky n znakov
- Vzorka (resp. vzorky) dĺžky celkovo m znakov
- Knuth-Morris-Prattov / Aho-Corasickovej algoritmy majú zložitosť O(n+m) – teda, preskúmam každé písmeno "raz" ...
- Na zamyslenie: Je možné, aby existovalo niečo rýchlejšie?
- Áno je to možné!! Ako?



Existuje ešte niečo rýchlejšie? (2)

- Ak to má byť rýchlejšie, musí to preskúmať MENEJ ako každé písmenko raz
- Niektoré písmenká teda nemôže preskúmať
- Huh?
- Je možné, že nepreskúmam celý vstup, a napriek tomu nájdem správne riešenie vzhľadom k celému vstupu?
- Samozrejme ...
- Dokonca: Šokujúco, čím dlhšia vzorka tým
 rýchlejšie algoritmus pracuje!! (zvykne pracovať)

Boyer-Moorov (BM) algoritmus

- Začneme porovnávať vzorku od začiatku textu
- Pre konkrétne posunutie vzroky porovnávaj znaky
 SPRAVA DOĽAVA

- Dve pravidlá pre posun:
 - Pravidlo zlého znaku
 - Pravidlo dobrého sufixu

BM algoritmus – pravidlo zlého znaku

- Uvažujeme znak, na ktorom sa porovnávanie nezhoduje
- Nájdeme nasledujúci výskyt tohto znaku vo vzorke vľavo a vzorka posunieme (dopredu) na tento znak:
 - - - X - K - -ANPANMANAM-
 - NNAAMAN---
 - - NNAAMAN -
- Ak sa znak nenachádza vľavo vo vzorke, posunieme o CELÚ dĺžku vzorky! (niektoré posuny sme preskočili)

BM algoritmus – pravidlo dobrého sufixu

- Pre nejaký posun, sa zhoduje sufix t, ale nezhoda nastáva pri nasledujúcom znaku vľavo.
- Nájdi najpravejšiu kópiu ť podreťazca t v P, ktorá nie je sufixom P a znak vľavo od t' je iný ako znak vľavo od t.
- A) Posuň vzorku dopredu,
 B) Ak neexistuje, tak posuň aby t' sa zarovnalo s t v T: tak, aby najdlhší prefix P

```
---X--K----
MANPANAMANAP -
ANAMPNAM - - - -
- - - - A N A M P N A M -
```

súhlasil so sufixom t:

```
---X--K----
MANPANAMANAP - -
AMAMPNAM - - - - -
  ---AMAMPNAM
```

C) Ak to nie je možné, posuň o m znakov dopredu.

BM algoritmus - Pseudokód

```
k = 1
while (k < |T| - |P| + 1) do
  porovnaj po znakoch P s T[k..|P|] sprava doľava
  s = \max \{ \text{ pravidlo zlého znaku, pravidlo dobrého sufixu, } 1 \}
k += s
```

- Najhorší prípad O(nm)
- Veľa rôznych rozšírení a optimalizácií
 - Boyer-Moore-Horspool, Apostolico-Giancarlo, Raita, ...
- Rozšírenia (napr. Galilovo pravidlo) zaručujú najhorší prípad O(n+m)
- V praxi je to najrýchlejší algoritmus, pretože väčšinu textu preskočí ... O(n/m)
- Pomalší, keď je malá abeceda.



Bioinformatika – Zostavovanie genómov

Genóm kravy:2,86 miliardy písmen

TATGGAGCCAGGTGCCTGGGGCAACAAGACTGTGG
TCACTGAATTCATCCTTCTTGGTCTAACAGAGAAC
ATAGAACTGCAATCCATCCTTTTTTGCCATCTTCCT
CTTTGCCTATGTGATCACAGTCGGGGGCAACTTGA
GTATCCTGGCCGCCATCTTTGTGGAGCCCAAACTC
CACACCCCCATGTACTACTTCCTGGGGAACCTTTC
TCTGCTGGACATTGGGTGCATCACTGTCACCATTC
CTCCCATCTGGCCTGTCTCCTGACCCACCAATGCC



Bioinformatika – Zostavovanie genómov (2)

- Naraz vieme prečítať len krátku sekvenciu (cca 1000) písmen z náhodného miesta
- Analógia pre knihu Alica v krajine zázrakov:

```
good-natured, she thought: still
when it saw Alice. It looked
ought to be treated
good-natured, she thought, still
Cat only
a greet many
It looked good-
The Cat only grinned when it saw Alice.
be treated with respect.
still it had very long claws
claws and a great many teeth, so she
so she felt that it ought
```

Bioinformatika – Zostavovanie genómov (3)

Potrebujeme algoritmy, ktoré to dajú dokopy:

```
The Cat only grinned when it saw Alice.

Cat only when it saw Alice. It looked

It looked good-

good-natured, she thought: still
good-natured, she thought, still

still it had very long claws

claws and a great many teeth, so she
a greet many so she felt that it ought

ought to be treated
be treated with respect.
```

Formulácia v zmysle spracovania reťazcov

Najkratšie spoločné nadslovo

(shortest common superstring): Daných je niekoľko reťazcov (čítaní), nájdite najkratší reťazec, ktorý obsahuje všetky vstupné reťazce ako

Napr.

Vstup: GCCAAC, CCTGCC, ACCTTC

Výstup: CCTGCCAACCTTC

súvislé podreťazce.

- V skutočnosti je to výrazne komplikovanejšie:
 - Chyby pri čítaní, neznáma orientácia čítaní, kontaminácia, ...

Bioinformatika - Objavovanie génov

- Objavovanie génov* v dlhých sekvenciách
 - Hľadanie sekvencií, ktoré sú podobné iným známym génom
 - Hľadanie sekvencií, ktoré "vyzerajú ako gény"
- Využitie algoritmov na spracovanie reťazcov
 - Potrebné vyhľadávať reťazce veľmi rýchlo, pričom sa môžu vyskytovať chyby v dátach (približné vyhľadávanie)
 - Vyhľadávať často sa opakujúce sekvencie znakov
 - Spracovanie veľmi dlhých postupností znakov

^{*} Gén je úsek DNA (alebo RNA), ktorý kóduje informáciu pre tvorbu nejakého produktu (zvyčajne bielkovín). Gén je základná funkčná jednotka dedičnosti.

Porovnanie ret'azcov

- Dané sú dva reťazce: a=a₁a₂...a_m b=b₁b₂...b_n
- Abeceda napr. {A,C,G,T} (bioinformatika)
- Vypočítaj nakoľko sú podobné.

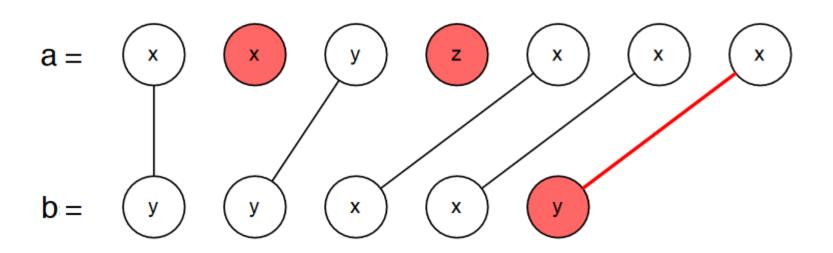
- Editačná vzdialenosť (Levenshteinova vzdialenosť) najmenší počet operácií potrebných na transformovanie a → b, uvažujeme nasledovné operácie:
 - Zmena znaku (mutácia)
 - Odstránenie znaku
 - Pridanie znaku

$$riddle \longrightarrow ridle \longrightarrow riple \longrightarrow triple$$

Zarovnávanie sekvencií – ukážka

```
prin-ciple
                          prin-cip-le
prinncipal
                          prinncipal-
(1 gap, 2 mm)
                          (3 gaps, 0 mm)
                         prehistoric
misspell
                         ---historic
mis-pell
(1 gap)
                          (3 gaps)
aa-bb-ccaabb
                          al-go-rithm-
                          alKhwariz-mi
ababbbc-a-b-
(5 gaps, 1 mm)
                          (4 gaps, 3 mm)
```

Zarovnávanie sekvencií ako párovanie



Cena párovania:

$$gap \times \#unmatched + \sum_{(a_i,b_j)} cost(a_i,b_j)$$

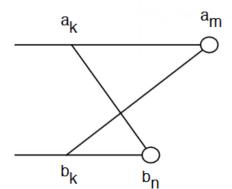
Zarovnávanie sekvencií – algoritmus

Uvažuje posledný znak z každého reťazca:

$$a_1 a_2 ... a_{m-1} a_m$$

 $b_1 b_2 ... b_{n-1} b_n$

- Nastane niektorá z nasledovných možností:
 - 1. Znaky sú spárované (cena hrany závisí od toho, či sú rovnaké)
 - 2. Znak a_m nie je spárovaný
 - 3. Znak b_n nie je spárovaný
 - Iná možnosť (4.) nemôže nastať, lebo by sa hrany párovania (priradené znaky) krížili.
 Znak a_m je spárovaný s nejakým b_j (j ≠ n) a znak bn je spárovaný s nejakým a_k (k ≠ m).



Zarovnávanie sekvencií – algoritmus (2)

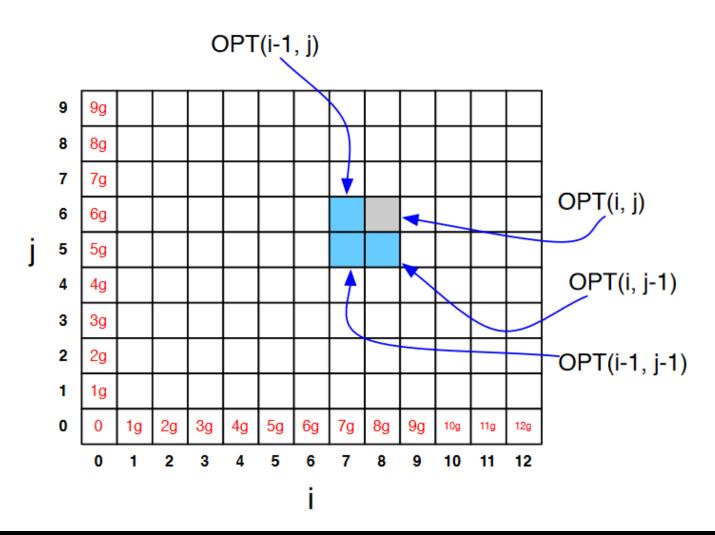
Rekurzívna definícia riešenia:

$$OPT(i,j) = \min egin{cases} \cos t(a_i,b_j) + OPT(i-1,j-1) & a_i = b_j \ \operatorname{gap} + OPT(i-1,j) & a_i \operatorname{nesp\'{a}rovan\'{y}} \ \operatorname{gap} + OPT(i,j-1) & b_j \operatorname{nesp\'{a}rovan\'{y}} \ \operatorname{optim\'{a}lne} \ a_1...a_i \ a_i \ b_1...b_j & vyjadren\'{e} \ ako \ \operatorname{men\'{s}ie} \ \operatorname{probl\'{e}my} \end{cases}$$

Pri výpočte vždy vyberieme ten lepší (min) ...

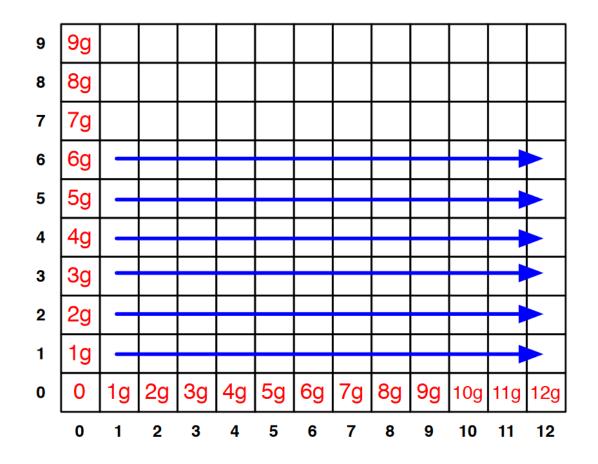
Zarovnávanie sekvencií – algoritmus (3)

Riešenie reprezentované v tabuľke:



Zarovnávanie sekvencií – algoritmus (4)

Tabuľku vypĺňame po riadkoch od najnižších indexov:



Zarovnávanie sekvencií – pseudokód

Zložitosť výpočtu:O(nm)

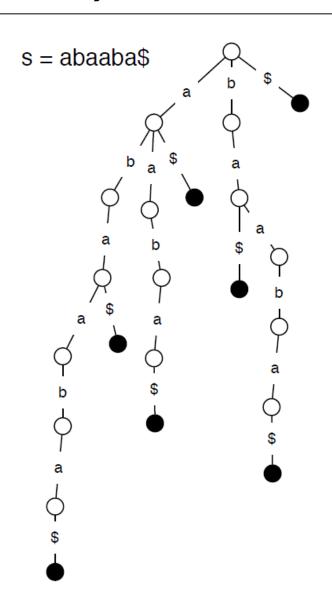


Predspracovanie textu

- Typický scenár: dlhý nemeniaci sa reťazec-text (napr. genóm) a veľa rôznych (vopred neznámych) meniacich sa reťazcov-dopytov (query)
- Hlavná myšlienka: predspracovať text, tak aby sme vedeli rýchlo spracúvať dopyty nad týmto textom
- Ukážeme si dve základné dátové štruktúry
 - Sufixové stromy
 - Sufixové polia

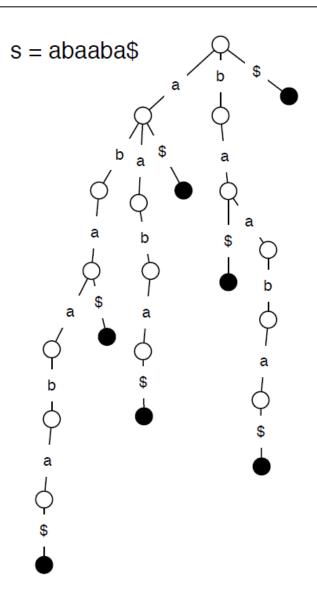
Sufixový strom (Suffix tree/trie)

- Písmenkový strom obsahujúci všetky sufixy textu S
- Ak by boli kľúče celé reťazce: binárny vyhľadávací strom by porovnával celé reťazce
- Písmenkový strom skúma reťazec po písmenkách
- Hrany sú znaky z abecedy ∑
- Každá cesta do listu reprezentuje nejaký sufix S
- Každý sufix je v strome



Sufixový strom (2)

- Daný je sufixový strom pre text S a reťazec q, ako:
 - zistíme, či q je podreťazec S?
 - zistíme, či q je sufixom reťazca S?
 - spočítame počet výskytov q v reťazci S?
 - nájdeme najdlhší opakujúci sa podreťazcec v S?
- Hlavná myšlienka: každý podreťazec S je prefixom nejakého sufixu S.



Sufixový strom – zložitosť

- Konštrukcia sufixového stromu je komplikovaná :(
 - Existujú algoritmy ktoré ho vytvoria v čase O(n), kde n je dĺžka reťazca, ale sú zložité...
- Pamäťová náročnosť reprezentácie stromu môže byť tiež relatívne vysoká: až 20 bytov / znak v reťazci
- Hľadáme úspornejšie alternatívy

Sufixové pole (Suffix array)

Pre daný reťazec (text) sufixy usporiadame abecedne:

```
attcatg$
2 ttcatg$
3 tcatg$
                                  attcatg$
 catg$
                                  catg$
                                  tcatg$
```

A ďalej použijeme len indexy sufixov: 8,5,1,4,7,3,6,2

Sufixové pole – hľadanie výskytov vzorky

- Napr. hľadáme "at"
- Koľko krát sa nachádza v reťazci?
- Všetky výskyty budú v sufixovom poli vedľa seba...
- Postup:
 - Binárne vyhľadávanie nejakého sufixu začínajúceho na "at"
 - Spočítaj susedné sufixy, ktoré začínajú na "at"

```
s = cattcat$
```

```
8 $
6 at$
2 attcat$
5 cat$
1 cattcat$
7 t$
4 tcat$
3 ttcat$
```

Sufixové pole – konštrukcia

- Jednoduchý O(n² log n) algoritmus
 - Usporiadaj n sufixov:
 O(n log n) porovnaní, každé porovnanie dvoch sufixov je O(n)
- Viaceré algoritmy bežia v čase O(n)
 - napr. aj využitím sufixového stromu :)

```
Σ = {$,a,c,t}

s = cattcat$

12345678

$ at cat

$ tcat$

$ tcat$

$ catb

$ 12345678
```

```
s = cattcat$
```

```
8 $
6 at$
2 attcat$
5 cat$
1 cattcat$
7 t$
4 tcat$
3 ttcat$
```

Typy predspracovania

Predspracovanie vzorky P

(vzorka P sa nemení, text T sa mení)

- Knuth-Morris-Prattov algoritmus (konštrukcia π)
- Aho-Corasickovej algoritmus (konštrukcia automatu)
- Boyer-Moorov algoritmus (konštrukcia indexov nad vzorkou pre výpočet pravidiel)
- Rabin-Karpov (výpočet hashovacej hodnoty vzorky)

Predspracovanie textu T (text T sa nemení, vzorka P sa mení)

- Sufixový strom
- Sufixové pole





Zhrnutie predmetu

12. 12. 2017

zimný semester 2017/2018

Zhrnutie predmetu - Čo sme preberali...(1)

- Vlastnosti algoritmov, zložitosť, asymptotické odhady
 - Odhady: Veľké "O" (horný), Θ (tesný), Ω (dolný)
 - · Najhorší prípad, priemerný, najlepší
- Abstraktná dátová štruktúra
 - Špecifikácia vs. Implementácia
- Správa pamäte pri vykonávaní programu
- Triedenie Usporadúvanie
 - Porovnávaním
 - Spočítavaním

Zhrnutie predmetu - Čo sme preberali... (2)

Vyhľadávanie

- Lineárne, binárne, interpolačné
- Tabuľka, strom, binárny vyhľadávací strom
- Prehľadávanie stromov
- Binárna halda (prioritný rad)
- Vyvažovanie stromov (AVL, Splay, Red-Black)
- B-stromy, Písmenkové stromy (trie),
 Binárne indexované stromy

Hashovanie

- Kolízie: Ret'azenie, Otvorené adresovanie
- Univerzálne, perfektné, konzistentné

Zhrnutie predmetu - Čo sme preberali... (3)

- Grafové algoritmy
 - Stupeň vrchola, Eulerov ťah
 - Prehľadávanie grafov, mosty, artikulácie
 - Topologické usporiadanie
 - Najkratšie cesty: relaxácia, Dijkstra, Bellman-Ford, Floyd
 - Najlacnejšie kostry: Kruskal (+ Union-Find), Prim
 - Bludiská: prechod (konštrukcie grafov), generovanie
 - Bipartitné párovanie: Hopcroft-Karp, maximálny tok
 - Hamiltonovské grafy, TSP
 - Triedy zložitosti NP a P: NP-úplnosť, redukcie NP-úplných problémov
 - Aproximačné algoritmy, heuristiky

Zhrnutie predmetu - Čo sme preberali... (4)

- Výpočtová geometria
 - Analytická geometria: bod, úsečka, priamka, uhol, ...
 - Obsah mnohouholníka
 - Bod v mnohouholníku
 - Triangulácia: orezávanie uší
 - Konvexný obal: obaľovanie balíčka, horný a dolný obal
 - Zametanie: obsah zjednotenia N obdĺžnikov, priesečníky N úsečiek
 - Rozdeľuj a panuj: najbližšia dvojica bodov
 - Voronoiove diagramy a Delaunayova triangulácia
 - Vyhľadávanie vo viacrozmerných dátach (kD stromy)

Zhrnutie predmetu - Čo sme preberali... (5)

- Dynamické programovanie
 - 1D, 2D, intervalové, stromové, podmnožiny
- Algoritmy s ret'azcami
 - Najdlhší palindróm
 - Syntaktická analýza: Cocke-Younger-Kasami
 - Vyhľadanie vzorky: Knuth-Morris-Pratt, konečný automat, Aho-Corasick, Rabin-Karp (hashovanie), Boyer-Moore
 - Bioinformatika: najkratšia spoločné nadslovo editačná vzdialenosť, zarovnávanie sekvencií
 - Sufixový strom
 - Sufixové pole

Zhrnutie predmetu - Čo si skúste odniesť...

- Prehľad nástrojov (algoritmov a dátových štruktúr) pre riešenie rozličných problémov
- Porozumieť vlastnostiam týchto nástrojov, najmä:
 - časovej efektívnosť (výpočtovej zložitosti)
 - pamäťovej efektívnosti (priestorovej zložitosti)
- Schopnosť aplikovať a prispôsobiť-upraviť tieto nástroje pre špecifické problémy (za účelom dosiahnutia čo najlepšej efektívnosti)
- Otvorenosť pre ďalšie štúdium nových algoritmov a použitie efektívnych algoritmov a dátových štruktúr vo vašej ďalšej práci

Podmienky absolvovania

- Môžete získať až 100 bodov
- Priebežne riešené úlohy (zadania) (max. 50 bodov: na cvičeniach 20 a doma 30):
 - na cvičení sa budú riešiť malé úlohy; (môže ich byť viac, každé najviac za 2 body), do konečného hodnotenia sa započítava najviac 20 bodov za všetky malé úlohy;
 - doma sa budú riešiť 3 zadania každé max. 10 bodov, min. 4.
- Priebežný test (max. 15 bodov, treba získať min. 10)
- Podmienky udelenia zápočtu:
 - minimálne 25 bodov z priebežne úloh (vrátane zadaní)
 - minimálne 5 bodov z priebežného testu
- Záverečná skúška (max. 35 bodov, treba získať min. 15)



Čo bude na skúške...

- Odhady zložitosti (10%)
- Základný prehľad a vlastnosti (20%)
 - Algoritmy usporadúvania
 - Binárne vyhľadávanie
 - Vyhľadávacie stromy (binárne, písmenkové, ...)
 - Hashovanie
- Podrobne (60%)
 - Grafové algoritmy
 - Dynamické programovanie
 - Výpočtová geometria
 - Algoritmy s ret'azcami
- Prehľad (10%)
 - NP, redukcie

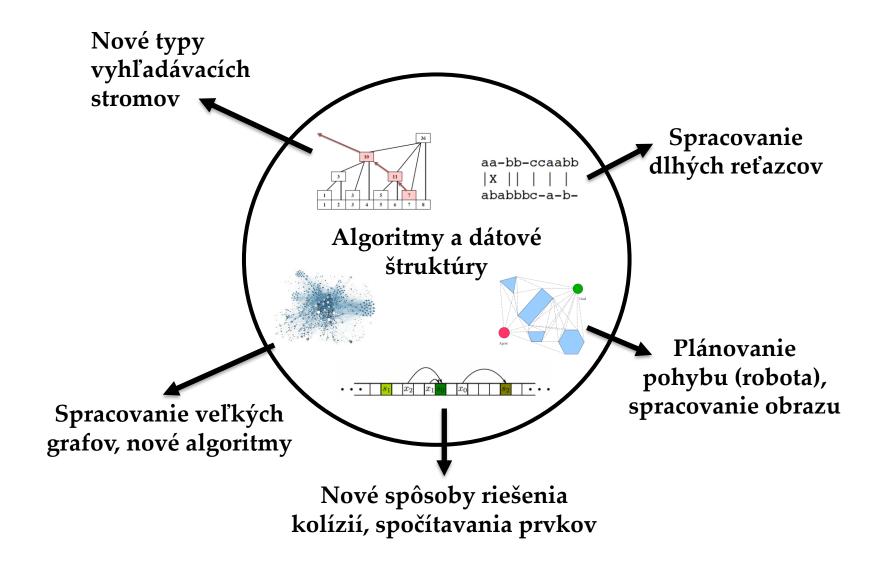


Quo vadis?

12. 12. 2017

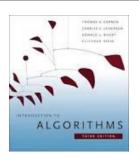
zimný semester 2017/2018

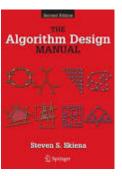
Kam ďalej? (1)



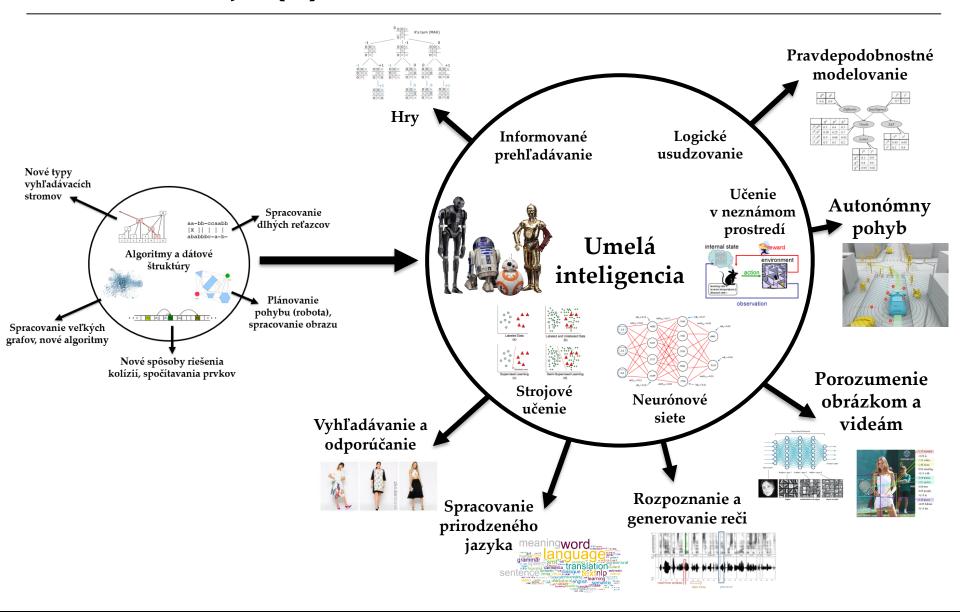
Kam ďalej? (2)

- Algoritmy
 - Introduction to Algorithms
 Book by Charles E. Leiserson, Clifford Stein,
 Ronald Rivest, and Thomas H. Cormen
 - The Algorithm Design Manual Book by Steven Skiena
- Programátorské súťaže
 - TopCoder, ACM ICPC, Spoj, ...
- Nadväzujúce predmety na FIIT:
 - Analýza a zložitosť algoritmov doc. Mária Lucká
 - Tvorba efektívnych algoritmov a programov prof. Rastislav Kráľovič



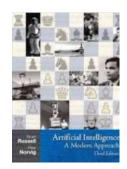


Kam ďalej? (3)

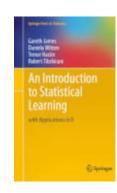


Kam ďalej? (4)

 Artificial Intelligence: A Modern Approach Book by Peter Norvig, Stuart J. Russel



An Introduction
 to Statistical Learning
 Book by Daniela Witten, Gareth James,
 Robert Tibshirani, Trevor Hastie



- Data Science súťaže
 - Kaggle, ...
- Nadväzujúci predmet na FIIT:
 Umelá inteligencia
 Dr. Peter Lacko

Dovidenia nabudúce... (end credits)



- Prednášky:Jozef Tvarožek
- Cvičiaci:
 Róbert Cuprík
 Michal Farkaš
 Tomáš Farkaš
 Ivan Kapustík
 Samuel Pecár
 Jakub Ševcech
 Petra Vrablecová

Koniec.