### Mappeoppgave 2

#### Andre Langvik

#### 26 January 2022

#### Contents

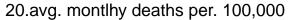
Mappeoppgave 2	1
Oppgave 1	1
Oppgave 2	3
Plotten	3

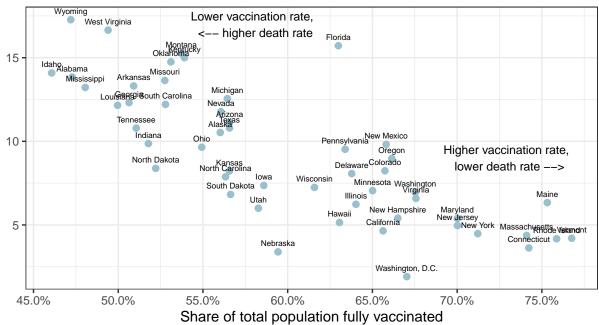
#### Mappeoppgave 2

#### Oppgave 1

```
jsondata <-
  from JSON (file = "https://static01.nyt.com/newsgraphics/2021/12/20/us-coronavirus-deaths-2021/ff0adde2
my_df <- do.call(rbind.data.frame, jsondata)</pre>
my_df <- my_df %>%
 rename(fully = fully_vaccinated_pct_of_pop)
ggplot(my_df, aes(x=fully, y=deaths_per_100k, label = name)) +
  geom_point(color = "#9ACOCD", size = 2) + theme_bw() +
  geom_text(hjust=0.5, vjust=-1, size = 2) +
  annotate(geom="text", x=0.73, y=9,
           label="Higher vaccination rate, \n lower death rate -->",
           color="black", size = 3) +
  annotate(geom="text", x=0.58, y=17,
           label="Lower vaccination rate, n \leftarrow higher death rate",
           color="black", size = 3) +
  scale_x_continuous(labels = scales::percent,
                     breaks = seq(from = 0,
                                  to = 1,
                                  bv = 0.05)) +
 labs(title = "Covid-19 deaths since universal adult vaccine eligibility compared\n
       20.avg. montlhy deaths per. 100,000",
       x = "Share of total population fully vaccinated",
       y = "")
```

## Covid–19 deaths since universal adult vaccine eligibility compared with vaccination rates





I plottet så ser man at det er en klar sammenheng mellom grad av vaksiniasjon i befolkningen og dødsfall. Man ser at dem som har en høy vaksinasjonsgrad i befolkningen har lavere dødsrate per 100 000 enn dem som ikke har like høy vaksiniasjonsgrad.

#### Oppgave 2

```
print(lm(fully ~deaths_per_100k, data = my_df))

##

## Call:
## lm(formula = fully ~ deaths_per_100k, data = my_df)

##

## Coefficients:
## (Intercept) deaths_per_100k
## 0.75211 -0.01665
```

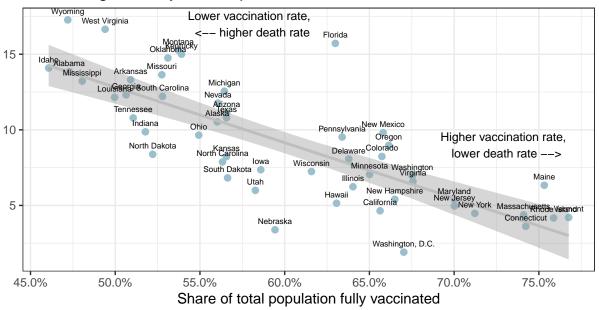
Her kan man se at avskjæringen er 0,75 og at kofferisenten for dødsraten er -0,016. Dette forteller oss at den antatte dødsraten vil synke fremover som en konsekvens av at flere bli vaksinert.

#### Plotten

```
ggplot(my_df, aes(x=fully, y=deaths_per_100k, label = name,
                  lm(fully ~ deaths_per_100k, data = my_df)))+
  geom_point(color = "#9ACOCD", size = 2) + theme_bw() +
  geom_smooth(method="lm", color = "grey") +
  geom_text(hjust=0.5, vjust=-1, size = 2) +
  annotate(geom="text", x=0.73, y=9,
           label="Higher vaccination rate, \n lower death rate -->",
           color="black", size = 3) +
  annotate(geom="text", x=0.58, y=17,
           label="Lower vaccination rate, \n <-- higher death rate",</pre>
           color="black", size = 3) +
  scale_x_continuous(labels = scales::percent,
                     breaks = seq(from = 0,
                                  to = 1,
                                  by = 0.05)) +
  labs(title = "Covid-19 deaths since universal adult vaccine eligibility compared with\n
                                                    vaccination rates \n
       20.avg. montlhy deaths per. 100,000",
       x = "Share of total population fully vaccinated",
       y = "")
```

# Covid–19 deaths since universal adult vaccine eligibility compared with vaccination rates





I plottet med en l<br/>m at dødsfallene faller jo høyere vaksinasjonsgrad det er. samtidig så ser vi<br/> variasjonsbredden i den linære linjene som tar med seg observasjonene som er langt vekke fra<br/> den fallende gjennomsnittet.