1 Einlesen

1.1 read_csv - read_csv2

Erzeugt Tibble

read_csv: Komma zum Zeilentrennen und Punkt für Dezimalzahlen

read_csv2: Semicolon zum Zeilentrennen und Komma für Dezimalzahlen

```
read_csv(file = "", col_types = "")
read_csv2(file = "", col_types = "")
```

Mit col_types können wir als String wo jede Position für die jeweilige Spalten steht den Typ bestimmen

Typen:

- c = character
- $\mathbf{i} = \text{integer}$
- \mathbf{n} = number
- $\mathbf{d} = \text{double}$
- **l** = logical
- $\mathbf{f} = \text{factor}$
- **D** = date
- T = date time
- **t** = time
- **?** = guess
- _ **oder -** = skip

1.2 read.csv - read.csv2

Erzeugt Dataframe

- **sep** = Das Zeichen welches die Spalten trennt.
- dec = Gibt den trenner für Dezimalzahlen an

1.3 read_delim - read_delim2

Erzeugt Tibble

Der Rest wie bei _

```
read_delim(file = , delim = ,col_types = "")
```

Mit der Option **delim** können wir festlegen, mit welchem Zeichen die Zeilen getrennt werden.

1.4 Tidy Data

Typen:

- Jede Spalte muss eine Variable sein,
- Eine Observation ist eine Zeile,
- Eine Variable ist Z.b das Alter,
- Die einzelnen Daten sind die Beobachtungen

2 Tidying Data

2.1 pivot_longer()

Wir haben eine Tabelle wo es Spalten gibt die als Variablen selber Observationen haben. Wir wollen diese Observationen auch als Observationen hinschreiben

student <chr></chr>	algebra «dbl»	analysis <dbl></dbl>	diskrete.math
Adam	NA	2	3
Bernd	5	NA	NA
Cristian	3	1	2
Doris	4	3	4

Wir sehen, dass algebra etc eigentlich Observations sind.

- **cols** = ein c() mit allen spalten oder spalte_1 : spalte_n.,
- names_to = In welche Spalte die Namens aus cols.,
- values_to = In Welche Spalte die Werte die in den Spalten aus cols waren,
- values_drop_na = T falls wir NAs droppen wollen

student <chr></chr>	classes <chr></chr>	grade «dbl»
Adam	algebra	NA
Adam	analysis	2
Adam	diskrete.math	3
Bernd	algebra	5
Bernd	analysis	NA
Bernd	diskrete.math	NA
C : 1:	1 1	2

Hier haben wir jetzt in jeder Spalte eine Variable

2.2 pivot_longer

Wir haben in einer Spalte für jede Observation zwei Variablen und in einer anderen Spalte die Observation für jede Variable

name <chr></chr>	type <chr></chr>	measure <dbl></dbl>
Adam	height	1.83
Adam	weight	81.00
Bernd	height	1.75
Rornd	weight	71.00

Jede Variable in Type soll eine eigene Spalte bekommen

```
student2 %>% pivot_wider(names_from = type,
     values_from = measure)
```

- names_from = Die Spalte in der die Variablen stehen.,
- values_from = Die Spalte wo die Observationen drinne stehen.

name <chr></chr>	height <dbl></dbl>	weight <dbl></dbl>
Adam	1.83	81
Bernd	1.75	71
Christian	1 69	55

Jetzt hat jede Variable eine Spalte

3 separate

Wir haben in einer Spalte Zwei Observations in einer Zelle

name <chr></chr>	reatio <chr></chr>
Adam	81/1.83
Bernd	71/1.75
Christian	55/1.69
Doris	62/1.57

Nun wollen wir diese Spalte aufteilen

```
student3 %>% separate(col = reatio, sep = "/",
        into = c("weight", " height"))
```

- **col** = Die Spalte in der die Observations sind.
- **sep** = Das Zeichen, welches die Observations trennt.
- **into** = Ein Array in welches die Observations nun geschrieben werden sollen.

name <chr></chr>	weight <chr></chr>	height <chr></chr>
Adam	81	1.83
Bernd	71	1.75
Christian	55	1.69
Doris	62	1.57

4 Probability

4.1 Basic Rules

$P(A^c)$	1-P(A)	Probability that A will not happen
$P(\emptyset)$	0	Probability of a null Event
$P(A \cap B)$	P(A) * P(B) $P(A B) * P(B)$	Probability of A and B occurring
$P(A \setminus B)$	$P(A) - P(A \cap B)$	Probability of A without B
$P(A \cup B)$	$P(A) + P(B) - P(A \cap B)$	Probability of <i>A</i> or <i>B</i> occurring
P(A B)	$\frac{P(A \cap B)}{P(B)}$	Probability of A if B already happened

Table 1: A, B = Events; P(x) = Probability of Event x

 $A \subseteq B \implies P(A) \le P(B)$

4.2 Crossproduct

 $A \times B$

```
omega \leftarrow expand.grid(x = 1:6, y = 1:6)
```

4.3 Union

 $A \cup B$

```
union(x = a, y = b)
```

4.4 Intersection

 $A \cap B$

```
intersect(x = a, y = b)
```

4.5 Difference

 $A \setminus B$

```
setdiff(x = a, y = b)
```

4.6 Examples

```
# Cases where first die is 1
omega %>% filter(x = 1)
# Cases where sum of dice equals 7
omega %>% filter(x + y = 7)
# Probability of dice equal 12
count(omega %>% filter(x + y = 12)) / count(omega)
```

5 probability distributions functions

- "d" returns the height of the probability density function
- 2. "p" returns the cumulative density function
- 3. "q" returns the inverse cumulative density function ₂ (quantiles)
- 4. "r" returns randomly generated numbers

dgenom

5.1 Normalverteilung

```
pnorm(q = , mean = , sd = )
pnorm(q = 1.96, mean = 0, sd = 1)
```

q = Der Wert, bis zu dem wir $P(X \le q)$ berechnen. Die Ausgabe ist die Wahrscheinlichkeit, dass $X \le q$ gilt. **Beispiel:** berechnet $P(X \le 1.96)$ für die Standardnormalverteilung.)

```
dnorm(x = , mean = , sd = )
dnorm(x = 0, mean = 0, sd = 1)
```

x = Der Wert, an dem die Dichte berechnet wird.

Beispiel: gibt die Dichte der Standardnormalverteilung bei x = 0 zurück.)

```
qnorm(p = , mean = , sd = )
qnorm(p = 0.975, mean = 0, sd = 1)
```

p = Das Quantil, also der Wahrscheinlichkeitswert (zwischen 0 und 1).

Die Ausgabe ist der *x*-Wert, sodass $P(X \le x) = p$ gilt.

Beispiel: liefert das 97,5%-Quantil der Standardnormalverteilung.)

```
rnorm(n = , mean = , sd = )
rnorm(n = 10, mean = 0, sd = 1)
```

n = Anzahl der zu erzeugenden Zufallswerte.

Die Ausgabe sind n Zufallswerte aus der Normalverteilung. **Beispiel:** erzeugt 10 Zufallswerte aus einer Standardnormalverteilung.)

5.2 Binomialverteilung

size = number of trials (zero or more) prob = probability of success on each trial.

```
pbinom(q = , size = , prob = )
pbinom(q = 5, size = 10, prob = 0.3)
```

q = Die Anzahl der Erfolge, bis zu der $P(X \le q)$ berechnet wird.

Die Ausgabe ist die Wahrscheinlichkeit, dass in *size* Versuchen höchstens *q* Erfolge erzielt werden.

Beispiel: Berechnet $P(X \le 5)$ für eine Binomialverteilung mit 10 Versuchen und einer Erfolgswahrscheinlichkeit von 0.3.)

```
dbinom(x = , size = , prob = )
dbinom(x = 3, size = 10, prob = 0.3)
```

x = Die Anzahl der Erfolge, für die die Wahrscheinlichkeit berechnet wird.

Beispiel: Gibt die Wahrscheinlichkeit zurück, genau 3 Erfolge in 10 Versuchen zu erzielen.)

```
qbinom(p = , size = , prob = )
qbinom(p = 0.975, size = 10, prob = 0.3)
```

p = Das Quantil, also der Wahrscheinlichkeitswert (zwischen 0 und 1).

Die Ausgabe ist die kleinste Anzahl von Erfolgen, sodass $P(X \le x) \ge p$ gilt.

Beispiel: Liefert das 97,5%-Quantil der Binomialverteilung.)

```
rbinom(n = , size = , prob = )
rbinom(n = 10, size = 10, prob = 0.3)
```

n = Anzahl der zu erzeugenden Zufallszahlen.

Die Ausgabe sind n Zufallszahlen, die jeweils die Anzahl der Erfolge in size Versuchen darstellen.

Beispiel: Erzeugt 10 Zufallszahlen aus einer Binomialverteilung mit 10 Versuchen und einer Erfolgswahrscheinlichkeit von 0.3.)

5.3 Hypergeometrische Verteilung

n = Nummer der Erfolge

M = Nummer der Misserfolge

k = Wie viele Versuche es gibt

```
phyper(q = , m = , n = , k = )
phyper(q = 5, m = 20, n = 30, k = 10)
```

q = Die Anzahl der Erfolge, bis zu der $P(X \le q)$ berechnet wird.

Die Ausgabe ist die Wahrscheinlichkeit, dass bei k Ziehungen aus einer Urne mit m Erfolgen und n Misserfolgen höchstens q Erfolge erzielt werden.

Beispiel: Berechnet $P(X \le 5)$ für eine Hypergeometrische Verteilung mit m = 20, n = 30 und k = 10.

```
dhyper(x = , m = , n = , k = )
dhyper(x = 3, m = 20, n = 30, k = 10)
```

x = Die Anzahl der Erfolge, für die die Wahrscheinlichkeit berechnet wird.

Beispiel: Gibt die Wahrscheinlichkeit zurück, genau 3 Erfolge bei 10 Ziehungen zu erzielen.

```
qhyper(p = , m = , n = , k = )
qhyper(p = 0.975, m = 20, n = 30, k = 10)
```

p = Das Quantil, also der Wahrscheinlichkeitswert (zwischen 0 und 1).

Die Ausgabe ist die kleinste Anzahl von Erfolgen, sodass $P(X \le x) \ge p$ gilt.

Beispiel: Liefert das 97,5%-Quantil der Hypergeometrischen Verteilung.

```
rhyper(nn = , m = , n = , k = )
rhyper(nn = 10, m = 20, n = 30, k = 10)
```

nn = Anzahl der zu erzeugenden Zufallszahlen.

Die Ausgabe sind nn Zufallszahlen, die jeweils die Anzahl der Erfolge in k Ziehungen darstellen.

Beispiel: Erzeugt 10 Zufallszahlen aus einer Hypergeometrischen Verteilung mit m = 20, n = 30 und k = 10.

6 Expected Value und Varianz

6.1 Discrete Random Variablen

Erwartungswert(Mean) und Varianz einer diskreten Zufallsvariablen X mit Wahrscheinlichkeitsfunktion p(x)

$$E[X] = \sum_{x} x \cdot p \cdot (x)$$

$$Var(X) = E[X^2] - (E[X])^2$$

```
no_car <- 0.2
one_car <- 0.7
two_cars <- 0.1
expected_value <- (0*no_car) + (1*one_car) +
- (2*two_cars)
var <- ((0^2*no_car) + (1^2*one_car) +
- (2^2*two_cars)) - expected_value^2
```

Hier Berechnen wir erst Mean und dann die Var. Um zur SD zu gelangen müssen wir sqrt()

Um jetzt herauszufinden Wieviele Parkplätze wir bauen müssen um 99% der Autos parken zu können. Müssen wir die Anzahl der Häuser mal dem expected Value und Var rechnen

```
n <- 1000
qnorm(.99, mean = n*expected_value,

sd=sqrt(n*var))
```

6.2 X ist Binomialy distributed

$$E[X] = n \cdot p$$
 , $Var(X) = n \cdot p \cdot (1 - p)$

6.3 Brauche ich hier wohl uniformly und hyper???

7 Central Limit Theorem

7.1 Nach Maximum Sample size Umstellen *n*

⚠ Hier sollte alpha 0.5 sein, sonst Brute force ⚠

Quantilgleichung die bei der Normalapproximation der Binominalverteilung angewendet wird:

$$k + 0.5 = n \cdot p + \text{qnorm}(\alpha) \cdot \sqrt{n \cdot p \cdot (1 - p)}$$

Wir wissen, das wenn alpha = 0.5, ist qnorm(0.5) = 0. Damit können wir $\sqrt{n \cdot p \cdot (1-p)}$ ignorieren!

- Jetzt haben wir also:

$$k + 0.5 = n \cdot p \implies n = \frac{k + 0.5}{p}$$

Beispiel: Aus den Fakultäten B (25%) und C (30%) stammen insgesamt 55% aller Studierenden. Bei einer zufällig gezogenen Stichprobe der Größe n ist die Anzahl X der Studierenden aus B und C binomialverteilt, also X Bin(n, 0,55). Ein Raum bietet 80 Plätze, weshalb die Bedingung. Der Raum soll mit eine Chance von 50% ausreichen

 $P(X \le 80) >= 0.5$ erfüllt sein muss. Bestimme das maximale n, für das diese Anforderung gilt.

$$k = 80$$
, $p = 0.55$, $\alpha = 0.5$, qnorm(0.5) = 0
$$n = \frac{80.5}{0.55} \approx 146.36.$$

```
n <- 80.5 / 0.55 #146.3636
```

Hier ist mein Bureforce Ansatz:

```
new_p <- b + c
new_n <- 130:150
x <- pbinom(80, new_n, new_p)
x
new_n[max(which(x >= 0.5))] #146
```

8 Distributions

1.1)Binominale Distribution mit zurücklegen

^ Mit zurücklegen ∧ ∧

$$P(X = k) = \binom{n}{k} p^k (1 - p)^{n - k}$$

Beispiel: Wir haben 7 Weiße Bälle und 3 Rote Bälle: Wie Wie groß ist die Wahrscheinlichkeit, dass wir in n=5 Zügen k=2 rote Bälle ziehen? p ist 7/10

$$P(X=2) = {5 \choose 2} \left(\frac{3}{10}\right)^2 \left(\frac{7}{10}\right)^3.$$

dbinom(x = 2, size = 5, prob = 3/10)
#0.1029193

x: Wie viele Rote Bälle wir bekommen wollen,

size: Wie Oft wir ziehen,

prob: Die prob einen Roten Ball zu ziehen

1.2) Hypergemoetric Distribution ohne zurücklegen

$$P(X = k) = \frac{\binom{M}{k} \binom{N-M}{n-k}}{\binom{N}{n}}$$

N: Gesamtanzahl aller Elemente(z.B alle Kugeln),

M: Anzahl der Roten Kugeln gesamt,

n: Wie oft wir Ziehen,

k: Wie viele Roten wir Ziehen

x: wie viele von den gezogenen Bällen Rot sein sollen,

M: wie viele Rote Bälle,

n: wie viele nicht Rote,

k: wie viele Bälle wir ziehen

1.3) Multinomial Distribution mit zurücklegen

Beispiel: Angenommen, wir haben n=5 Versuche. drei mögliche Ergebnisse (z.B. rot, blau, schwarz) mit $Rot = \frac{15}{20}$, $Gr\ddot{u}n = \frac{4}{20}$, $Blau = \frac{1}{20}$. Wir fragen: Wie groß ist die Wahrscheinlichkeit, dass genau Rot=2, $Gr\ddot{u}n=2$, Blau=1 auftritt?

Formel:
$$\frac{n!}{x_1! x_2! \cdots x_k!} p_1^{x_1} p_2^{x_2} \cdots p_k^{x_k}$$

$$\frac{5!}{2!2!1!} \left(\frac{15}{20}\right)^2 \left(\frac{4}{20}\right)^2 \left(\frac{1}{20}\right)^1 = 0.3375.$$

(factorial(5) / (factorial(2) * factorial(2) *

→ factorial(1))) *

((15/20)^2 * (4/20)^2 * (1/20)^1) #0.03375

#Hier auch als Funktion
dmultinom(c(2, 2, 1),prob=c(15/20,4/20, 1/20))

1.4) Multivariate Hypergeometric Distribution

OHNE zurücklegen

Beispiel:

Angenommen, wir haben n=5 Versuche. drei mögliche Ergebnisse (z.B. rot, blau, schwarz) mit $Rot=\frac{15}{20}$, $Gr\ddot{u}n=\frac{4}{20}$, $Blau=\frac{1}{20}$. Wir fragen: Wie groß ist die Wahrscheinlichkeit, dass genau Rot=2, $Gr\ddot{u}n=2$, Blau=1 auftritt?

Formel:
$$P(X_1 = k_1, X_2 = k_2, ..., X_r = k_r) = \frac{\binom{K_1}{k_1} \binom{K_2}{k_2} ... \binom{K_r}{k_r}}{\binom{N}{n}}$$

$$\frac{\binom{15}{2}\binom{4}{2}\binom{1}{1}}{\binom{20}{5}} \approx 0.04063467.$$

(choose(15,2) * choose(4,2) * choose(1,1)) → /choose(20,5) #0.04063467

1.4) Sequentielle Ziehung mit Zurücklegen

Wir haben insgesamt 20 Bälle, davon sind 15 Bälle nicht rot und 5 Bälle sind rot. Wir wollen die Wahrscheinlichkeit erst 4 nicht rote Bälle zu ziehen und dann ein roten Ball zu ziehen. - Geometrische Verteilung

P(Keinen roten Ball) = $\frac{15}{20}$ P(Einen roten Ball) = $\frac{5}{20}$

$$P(X=5) = \left(1 - \frac{5}{20}\right)^4 \cdot \frac{5}{20}$$

Erst nehmen wir die chance (gegenwahrscheinlichkeit) keinen roten zu ziehen hoch 4 und dann mal die chance einen roten zu ziehen

1.6) Sequentielle Ziehung <mark>ohne</mark> Zurücklegen

Wir haben insgesamt 20 Bälle, davon sind 15 Bälle nicht rot und 5 Bälle sind rot. Wir wollen die Wahrscheinlichkeit erst 4 nicht rote Bälle zu ziehen und dann ein roten Ball zu ziehen. Negative hypergeometrische Verteilung

$$\begin{split} &P(\text{Keinen roten Ball}) = \frac{15}{20} \\ &P(\text{Einen roten Ball}) = \frac{5}{20} \\ &P(\text{einen roten Ball nach 4 Zügen}) = \frac{5}{16} \end{split}$$

$$P(X=5) = \frac{\binom{15}{4}\binom{5}{0}}{\binom{20}{5}} \cdot \frac{5}{16}$$

Wir berechnen die Wahrscheinlichkeit 4 nicht rote Bälle zu ziehen Multipliziert mit der Wahrscheinlichkeit einen roten aus den verbleibenden Bällen zu Ziehen.

((choose(15,4)*choose(5,0))/choose(20,4)) * 5/16 #0.0880418

9 Type I and II Errors

	True state of H_0	
Statistical decision	H_0 True	H₀ False
Reject H_0	Type I Error	Correct
Do not reject H_0	Correct	Type II Error

Definitions:

- α : Probability of rejecting H_0 given that H_0 is true.
- β : Probability of not rejecting H_0 given that H_0 is false.

10 Relevante Übersetzungen

- 1. Dispersion: Streuung (vermutlich SD gemeint)
- 2. Scatter: Streuung (vermutlich SD gemeint)

11 P-Value

Hypothese	Test-Typ	p-Wert Berechnung
$H_0: \mu \geq \mu_0$	Einseitig (links)	p = pnorm(z)
$H_0: \mu \leq \mu_0$	Einseitig (rechts)	$p = 1 - \mathtt{pnorm}(z)$
$H_0: \mu = \mu_0$	Zweiseitig	$p = 2 \cdot \mathtt{pnorm}(- z)$

12 Library

library(TeachingDemos)

- Der Index 0 z.b. μ_0 bedeutet, dass es sich um einen gegebenen Wert, und nicht um einen geschätzten Wert handelt.

I) Gauß Test:

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über den Mittelwert (μ) getestet

Mean μ ist unbekannt, wir kennen SD σ

Gegeben muss sein:

$$H_0: \mu = \mu_0, \quad H_0: \mu \le \mu_0, \quad H_0: \mu \ge \mu_0$$

Symbol	Bedeutung
n	Stichprobengröße
σ_0	Standardabweichung der gesamtheit
$\overline{X}_{(n)}$	Sample Mean

Decision Rule *R*:

$$T = \frac{\overline{X} - \mu_0}{\frac{\sigma_0}{\sqrt{n}}} \in R \implies \text{reject } H_0$$

Rejection Region R:

H_0	rejection region R
$\mu = \mu_0$	$(-\infty, -u_{1-\frac{\alpha}{2}}) \cup (u_{1-\frac{\alpha}{2}}, \infty)$
$\mu \leq \mu_0$	$(u_{1-\alpha},\infty)$
$\mu \geq \mu_0$	$(-\infty, -u_{1-\alpha})$

$$u_{1-\frac{\alpha}{2}} = \text{qnorm}(1 - (\text{alpha } / 2))$$

Beispiel:

```
n <- 100
     sd <- 0.3
     sample_mean <- 10.1</pre>
     alpha <- 0.1
     #HO: mu = 10, H1: mu != 10
     mu0 <- 10
     #Rejection region
     ru <- qnorm(1 - (alpha / 2))
     rl <- -qnorm(1 - (alpha / 2))
     #[-inf , -1.644854] or [1.644854, inf]
     #teststatistic
11
     t <- (sample_mean - mu0) /(sd / sqrt(n))
     #3.333333
     t > ru
14
15
                                                              11
      #we reject h0 because we are in the rejection
16
      → region
                                                              13
     p_value <- 2* pnorm(-abs(t))</pre>
17
                                                              14
     #0.0008581207
18
                                                              15
     p_value < alpha
19
      #True we reject HO
20
```

hier vielleichtg noch z test einfpgen

II) t-Test:

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über den Mittelwert (μ) getestet.

Mean μ und SD σ_0 sind unbekannt

 \bigwedge Mean μ_0 wird durch H_0 gegeben \bigwedge

Gegeben muss sein:

$$H_0: \mu = \mu_0, \quad H_0: \mu \le \mu_0, \quad H_0: \mu \ge \mu_0$$

Symbol Bedeutung	
n	Stichprobengröße
$S_{(n)}$	Sample SD
$\overline{X}_{(n)}$	Sample Mean

Decision Rule:

$$T = \frac{\overline{X} - \mu_0}{\frac{s_{(n)}}{\sqrt{n}}} \in R \implies \text{reject } H_0$$

Rejection Region *R*:

H_0	Rejection Region R
$\mu = \mu_0$	$(-\infty, -t_{n-1,1-\frac{\alpha}{2}}) \cup (t_{n-1,1-\frac{\alpha}{2}}, \infty)$
$\mu \leq \mu_0$	$(t_{n-1,1-lpha},\infty)$
$\mu \geq \mu_0$	$(-\infty, -t_{n-1,1-\alpha})$

$$t_{n-1,1-\frac{\alpha}{2}} = \text{qt}(1-\text{alpha}/2, \text{n-1})$$

exact ∧ (nur möglich wenn wir Sample habe) ∧:

```
t.test(x = sample, mu = mu0, alternative =
    "two.sided", conf.level = 1-alpha)
```

Approx Beispiel:

```
#HO: mu >= 250, h1: < 250
n <- 82
sample_mu <- 248
sample_sd <- 5</pre>
alpha <- 0.05
muO <- 250
R \leftarrow -qt(1-alpha, n-1)
#[ , -1.663884]
t <- (sample_mu - mu0) / ((sample_sd) / sqrt(n))
#-3.622154
#We reject the HO
p_value \leftarrow pt(t,n-1)
#0.0002540167
p_value < alpha</pre>
#True We reject the HO
```

P-value Berechnen:

```
pt(t, n-1) #HO: mu \ge muO
1-pt(t, n-1) #HO: mu <= muO
2*pt(-abs(t), n-1) #HO: mu = muO
```

10

12

16

III) Test für Varianz σ_0^2 :

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über die Varianz (σ_0^2) getestet.

Mean μ und SD σ sind unbekannt

 \bigwedge Kein σ_0 da σ gegeben durch $H_0 \bigwedge$ ∧ Also kein Schätzwert ∧

Gegeben muss sein:

$$H_0: \sigma^2 = \sigma_0^2$$
, $H_0: \sigma^2 \le \sigma_0^2$, $H_0: \sigma^2 \ge \sigma_0^2$

Symbol	Bedeutung
$S_{(n)}$	Sample SD
$\overline{X}_{(n)}$	Sample Mean

Decision Rule:

$$T = \frac{(n-1)S_{(n)}}{\sigma_0^2} \in R \implies \text{reject } H_0.$$

Rejection Region *R*:

H_0	rejection region R
$\sigma^2 = \sigma_0^2$	$(0, \chi^2_{n-1, \frac{\alpha}{2}}) \cup (\chi^2_{n-1, 1-\frac{\alpha}{2}}, \infty)$
$\sigma^2 \leq \sigma_0^2$	$\left(\chi^2_{n-1,1-lpha},\infty ight)$
$\sigma^2 \ge \frac{\sigma_0^2}{\sigma_0^2}$	$(0,\chi^2_{n-1,\alpha})$

Beispiel:

```
#h0: sd >= 7, h1: sd <7
      n <- 82
      sample_mu <- 248
      sample_sd <- 5</pre>
      alpha <- 0.05
      sd0 < -7
      #Rejection region
      R <- qchisq(alpha, n-1)
      #[ , 61.26148
10
      #Teststatistics
      t \leftarrow ((n - 1) * sample_sd)/sd0
11
      #57.85714
12
      \# We \ reject \ HO, \ in \ R \ area
      p_value <- pchisq(t, n-1)</pre>
      #0.02419782
     p_value < alpha
17
      #we reject HO
```

IIII) Bernoulli Test für Probability p_0 :

Hauptziel: Zu prüfen, ob die beobachtete Erfolgsrate \hat{p} signifikant von der vorgegebenen Wahrscheinlichkeit po abweicht

Probability p_0 ist unbekannt

Number of successes:
$$X = \sum_{i=1}^{n} X_i \sim B(n, p)$$
, d.h. $\mathbb{E}(X) = np$

$$Var(X) = np(1-p).$$
 Gegeben muss sein:

$$H_0: p = p_0, \quad H_0: p \le p_0, \quad H_0: p \ge p_0$$

Symbol	Bedeutung
n	Stichprobengröße
X	Number of successes
\hat{p}	$\frac{X}{n}$ Example Probability

Teststatistic

$$T = \frac{\hat{p} - p_0}{\sqrt{\frac{p_0(1 - p_0)}{n}}}, \quad \text{mit } \hat{p} = \frac{X}{n}.$$

Rejection Region R

H_0	Rejection Area R
$p = p_0$	$(-\infty, -u_{1-\frac{\alpha}{2}}) \cup (u_{1-\frac{\alpha}{2}}, \infty)$
$p \leq p_0$	$(u_{1-\alpha},\infty)$
$p \ge p_0$	$(-\infty, -u_{1-\alpha})$

Normal Approximation:

```
#a) 80% immunity rate
     #b) H0: p \le 80, H1: p > 80
     p0 <- 0.8; n <- 200; x <- 172
     alpha <- 0.05
     phut <- x / n
     #Rejection region
     R <- qnorm(1 - alpha)</pre>
     #r <- [0.8289439, ]
      #teststatistic
9
     t <- (phut-p0)/sqrt((p0 * (1 - p0)) / n)
10
11
     #2.12132
     t > R
12
      #We reject HO
     p_value <- 1 - pnorm(t)</pre>
14
     #0.01694743
15
     p_value < alpha</pre>
      #We reject HO
```

Exact test:

```
binom.test(172, p = 0.8, n = n, alternative =
#0.01793
```

13

I) 2-Sample Gauss Test:

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über die Mittelwerte (μ_1, μ_2) getestet

Means sind unbekannt, wir kennen σ_1 , σ_2

Gegeben muss sein:

$$H_0: \mu_1 = \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \le \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \ge \mu_2$$

Symbol	Bedeutung
n_1, n_2	Stichprobengrößen
σ_1,σ_2	SD der gesamtheiten
$\overline{X}_{(n_1)}$, $\overline{Y}_{(n_2)}$	Sample Means

Teststatistik:

$$T = \frac{\overline{X}_{(n_1)} - \overline{Y}_{(n_2)}}{\sqrt{\frac{\sigma_1^2}{n_1} + \frac{\sigma_2^2}{n_2}}} \sim N(0, 1)$$

Decision Rule *R*:

$$T \in R \implies \text{reject } H_0$$

Rejection Region *R*:

H_0	Rejection Region R
$\mu_1 = \mu_2$	$(-\infty, -u_{1-\frac{\alpha}{2}}) \cup (u_{1-\frac{\alpha}{2}}, \infty)$
$\mu_1 \leq \mu_2$	$(u_{1-\alpha},\infty)$
$\mu_1 \geq \mu_2$	$(-\infty, u_{\alpha})$

Beispiel:

```
m1 <- c(5.46, 5.34, ..., 5.82)
     m2 \leftarrow c(5.45, 5.31, 4.11, ..., 4.09)
     sd1 <- 0.5
     sd2 < - 0.6
     n1 <- length(m1)</pre>
     n2 <- length(m2)</pre>
     #test the HO: mu1 >= mu2
     alpha <- 0.05
     #rejection Region
     r <- qnorm(alpha)
10
     #[, -1.644854]
11
     #teststistic
12
     t \leftarrow (mean(m1) - mean(m2)) /
13
14
       sqrt((sd1^2 / n1) + (sd2^2 / n2))
15
      #1.027782
     p_value <- pnorm(t)</pre>
     #0.8479739
17
      #we fail to reject HO since we are outside of the
      → rejection area
```

II) 2-Sample t-Test (Varianzen gleich und unbekannt):

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über die Mittelwerte (μ_1, μ_2) getestet

Means μ_1 , μ_2 sind unbekannt und $\sigma_1 = \sigma_2$

Gegeben muss sein:

 $H_0: \mu_1 = \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \le \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \ge \mu_2$

★ Es muss für x und y ein Sample gegeben sein ★ Beispiel:

III) Welch test (Varianzen ungleich, aber unbekannt):

Hauptziel: Hier wird die Hypothese über die Mittelwerte (μ_1, μ_2) getestet

Means μ_1, μ_2 sind unbekannt und $\sigma_1 \neq \sigma_2$

Gegeben muss sein:

 $H_0: \mu_1 = \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \le \mu_2, \quad H_0: \mu_1 \ge \mu_2$

★ Es muss für x und y ein Sample gegeben sein ★ Beispiel:

IV) Two Paired Sample t-Test

σ ist unbekannt

Gegeben muss sein:

 $H_0: \mu_1 = 0$, $H_0: \mu_1 \le 0$, $H_0: \mu_1 \ge 0$

★ Es muss für x und y ein Sample gegeben sein ★ Beispiel:

```
#H0: mu = 0, H1: mu != 0

x <- c(16, 15, 11, 20, ..., 15, 14, 16)

y <- c(13, 13, 10,.., 10, 15, 11, 16)

t.test(x = x, y = y, alternative = 'two.sided',

- paired = T, var.equal = T, conf.level = 0.95,

- mu = 0)

#0.0007205
```

⚠ Das einzige was sich ändert ist: paired = T

V) Testing two Variances - F Test

Hauptziel: Wir vergleichen die beiden sample Varianzen.

σ ist unbekannt

Gegeben muss sein:

 $H_0: \sigma_1 = \sigma_2$, $H_0: \sigma_1 \leq \sigma_2$, $H_0: \sigma_1 \geq \sigma_2$

⚠ Es muss für x und y ein Sample gegeben sein ⚠ **Beispiel:**

Beispiel: Erst H0 dass vars gleich sind. Wenn nicht reject, dann müssten wir mein Mean test, var.equal auf True