



# Análisis y Diseño de Algoritmos.

**Sesión 8.** 9 de Octubre de 2014.

Maestría en Sistemas Computacionales.

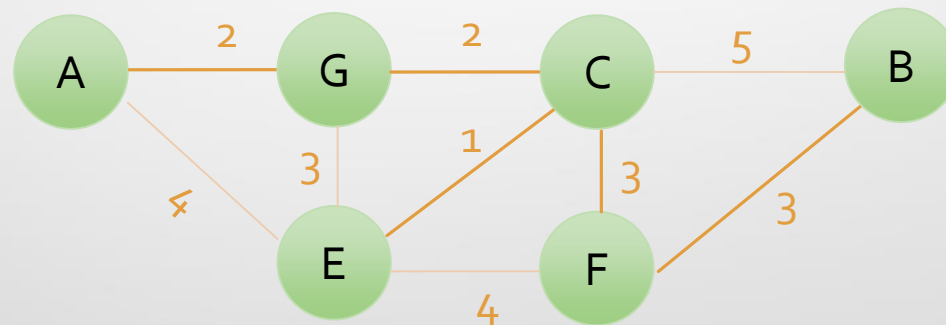
Por: Hugo Iván Piza Dávila.

# Árbol recubridor mínimo

- Un árbol recubridor de un grafo conexo ponderado  $G$  es un subgrafo acíclico que une todos los vértices de  $G$ .
- Pueden existir muchos árboles recubridores de  $G$ .
- Un árbol recubridor mínimo (ARM) es aquél cuya suma de los pesos de sus aristas es la menor (**Minimum Spanning Tree**).
- A una compañía de cable le interesaría obtener un ARM que conecte a todos sus clientes con el mínimo uso de cobre.
- Minimizar el peso total considerando la mejor opción conocida localmente: algoritmo voraz.

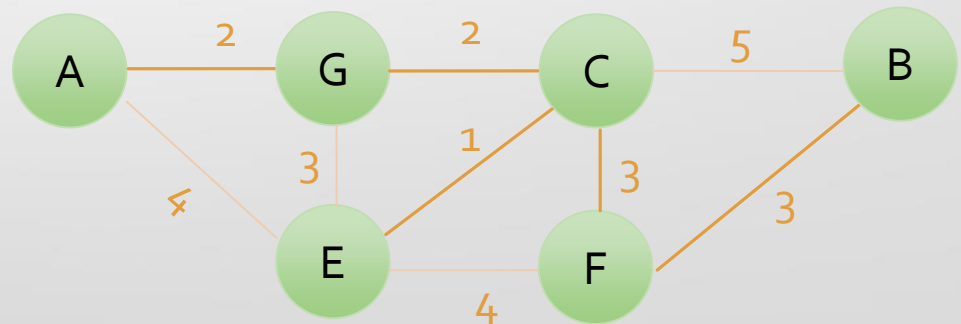
# Árbol recubridor mínimo

- En el ejemplo, el ARM está compuesto por las aristas:  
AG, GC, CE, CF, FB



# Algoritmo de Prim

- Sea  $n_1$  el nodo de partida
  - Sea  $ARM = \{n_1\}$  un conjunto de nodos que ya forman parte del *árbol recubridor mínimo*.
  - Desde  $k = 2$  hasta el número de nodos del grafo, hacer:
    - Encontrar el nodo  $n_k$  que esté unido a ARM con el menor peso
    - Ojo:  $n_k \notin ARM$ ,  $n_k$  es vecino de algún nodo  $n \in ARM$
    - Agregar  $n_k$  a ARM
- 1)  $ARM = \{A\}$
  - 2)  $ARM = \{A, G\}$ 
    - a)  $Peso(AE) = 4$
    - b)  **$Peso(AG) = 2$**
  - 3)  $ARM = \{A, G, C\}$ 
    - a)  $Peso(AE) = 4$
    - b)  **$Peso(GC) = 2$**
    - c)  $Peso(GE) = 3$

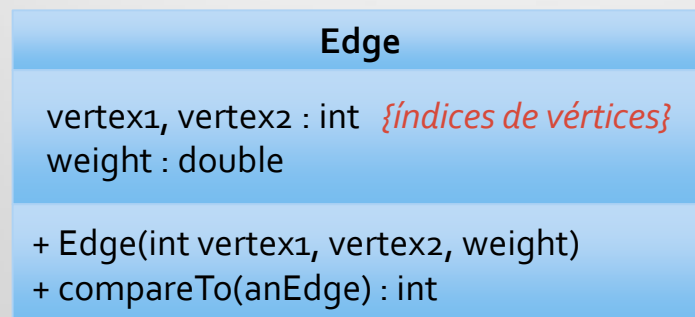


# Implementación de Prim

- Estructuras de datos a utilizar:
  1. Grafo definido por una matriz de adyacencia de números reales.
    - Para aristas inexistentes almacenaremos el máximo valor posible.
  2. Una lista con capacidad para  $N - 1$  aristas que almacenará la solución: el árbol recubridor mínimo (ARM).
  3. Un arreglo que determine si cada vértice ya fue visitado o no.
    - Ya forma parte del ARM una arista que sale del vértice visitado.
  4. Una cola de prioridad que almacene aristas candidatas a formar parte del árbol recubridor mínimo.
    - Va a contener sólo aquellas que sean vecinas de algún nodo ya visitado, es decir, deben ser aristas vecinas del ARM.
    - Las aristas estarán siempre ordenadas por su peso.

# Implementación de Prim

- La lista y la cola almacenan aristas.
- La cola exige que la arista pueda compararse con otra, utilizando el peso, para poderse ordenar.
- ¿Cómo definimos una arista?



*<interface>*  
*Comparable<Edge>*



# Implementación de Prim

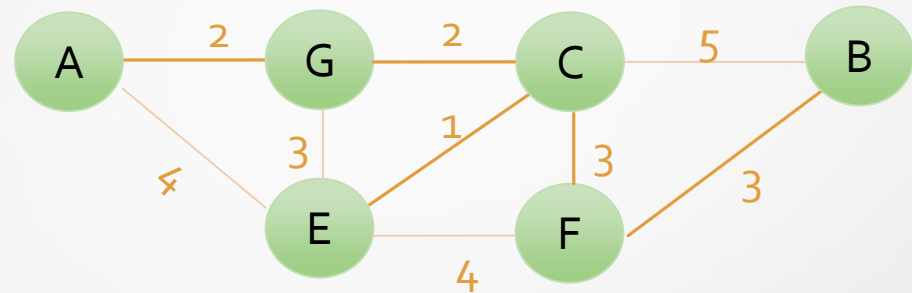
1. El nodo de inicio será el 0: marcarlo como visitado.
2. Añadir a la cola de candidatos todas las aristas que partan del nodo de inicio (el peso es menor al máximo posible).
3. Repetir mientras el ARM sea menor a  $N - 1$ :
  - a) Sacar la arista al frente de la cola (la que tiene menor peso).
  - b) Si la arista conecta a un nodo del ARM con uno fuera del ARM:
    - i. Añadir la arista a la solución.
    - ii. Marcar como visitado al nodo que estaba fuera del ARM.
    - iii. Añadir todas las aristas que parten del nodo nuevo a la cola de candidatos.

# Algoritmo de Kruskal

1. Se crea un conjunto  $E$  que almacena todas las aristas del grafo
2. Se crea un bosque  $F$  (un conjunto de árboles), donde cada nodo del grafo es un árbol separado
3. Mientras  $F$  tenga más de un árbol,
  - a. Eliminar una arista  $a$  de peso mínimo de  $E$ ,
  - b. Si  $a$  conecta dos árboles diferentes de  $F$ , se combinan los dos árboles en uno sólo, y se añade la arista  $a$  al MST
  - c. En caso contrario, se desecha  $a$
4. Al finalizar el algoritmo,  $F$  tiene un solo componente, y MST tendrá todas las aristas que forman el árbol de expansión mínimo



# Algoritmo de Kruskal



Ignorar el orden de los elementos en E y F de este ejemplo

- $F = \{\{A\}, \{G\}, \{E\}, \{C\}, \{F\}, \{B\}\}, \text{MST} = \{\}$
- $E = \{(A, E, 4), (A, G, 2), (G, E, 3), (G, C, 2), (C, E, 1), (E, F, 4), (C, F, 3), (C, B, 5), (B, F, 3)\}$
- Mínimo = (C, E, 1)
- $F = \{\{A\}, \{G\}, \{E, C\}, \{F\}, \{B\}\}, \text{MST} = \{(C, E, 1)\}$
- $E = \{(A, E, 4), (A, G, 2), (G, E, 3), (G, C, 2), (E, F, 4), (C, F, 3), (C, B, 5), (B, F, 3)\}$
- Mínimo = (A, G, 2)
- $F = \{\{A, G\}, \{E, C\}, \{F\}, \{B\}\}, \text{MST} = \{(C, E, 1), (A, G, 2)\}$
- $E = \{(A, E, 4), (G, E, 3), (G, C, 2), (E, F, 4), (C, F, 3), (C, B, 5), (B, F, 3)\}$

# Implementación de **Kruskal**

- Se crea un conjunto  $E$  que almacena todas las aristas del grafo
  - Se utiliza la estructura Edge previamente creada.
  - Se crea una arista por cada celda  $(i, j)$  de la matriz de adyacencia  $\neq \text{MAX}$ .
  - Como es un grafo no dirigido, si se agrega  $(i, j)$ , no agregar  $(j, i)$ .
  - Añadir cada arista a una cola de prioridad que ordena de menor a mayor.
- ¿Cómo creamos y actualizamos el bosque  $F$ ?
  - Utilizamos la técnica *union-find* para unir conjuntos disjuntos.
  - El sello de esta técnica es contar con un arreglo que almacena en la posición  $k$  el vértice **padre** del vértice  $k$ , en un árbol simulado.
  - El **padre** es el que agregó al vértice  $k$  (y sus descendientes) a su grupo.
  - Utiliza un valor **rank** para determinar cuál vértice agrega al otro.
  - Si el **padre** es igual a  $k$ , ese vértice es la raíz del árbol o el **líder del grupo**.
  - Cada arista  $(i, j)$  que une dos conjuntos disjuntos se añade al ARM.

# Técnica *union-find*

- $F = \{ \{0\}, \{1\}, \{2\}, \{3\}, \{4\}, \{5\} \}$

- $\text{Parents} = \{0, 1, 2, 3, 4, 5\}$

- $\text{Rank} = \{1, 1, 1, 1, 1, 1\}$

- Arista elegida = (2, 3, 1).

- Unir vértices (2, 3)

- $\text{Líder}(2) = 2 \neq \text{Líder}(3) = 3$  Pertenecen a diferentes grupos (diferentes líderes).

- $\text{Rank}[2] = \text{Rank}[3] = 1$  Mismo tamaño.

- $\text{Parents}[2] = 3$  El vértice 3 integra al 2 a su grupo ( $3 > 2$ ).

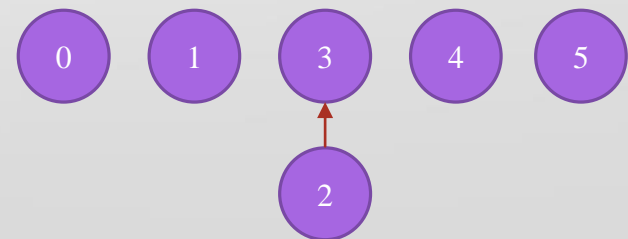
- $\text{Rank}[3] = \text{Rank}[3] + 1 = 2$  Al tamaño del grupo 3 se le sumará el del grupo 2.

- $\text{Parents} = \{0, 1, 3, 3, 4, 5\}$

- $\text{Rank} = \{1, 1, 1, 2, 1, 1\}$

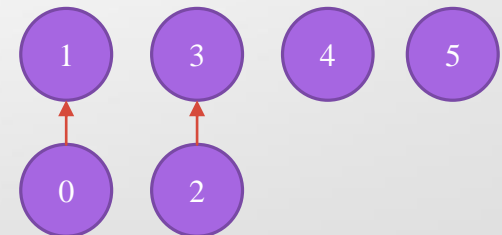


$\text{Rank}[k] = \text{tamaño del árbol con raíz en } k.$



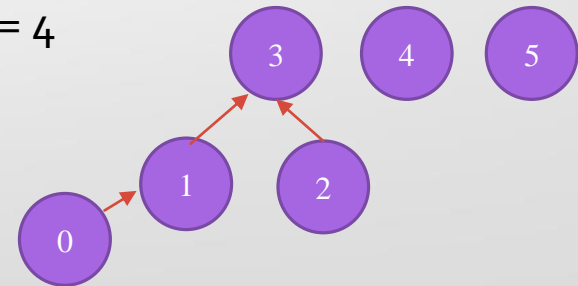
# Técnica *union-find*

- Arista elegida = (0, 1, 2).
  - $\text{Líder}(0) = 0 \neq \text{Líder}(1) = 1$  Pertenecen a diferentes grupos.
  - $\text{Rank}[0] = \text{Rank}[1] = 1$  Mismo tamaño: el vértice 1 integra al 0 a su grupo.
  - $\text{Parents}[0] = 1$
  - $\text{Rank}(1) = \text{Rank}(1) + \text{Rank}(0) = 1 + 1 = 2$
- $\text{Parents} = \{1, 1, 3, 3, 4, 5\}$
- $\text{Rank} = \{1, 2, 1, 2, 1, 1\}$



# Técnica *union-find*

- Arista elegida = (1, 2, 2).
  - $\text{Líder}(1) = 1 \neq \text{Líder}(2) = 3$  Pertenecen a diferentes grupos.
  - $\text{Rank}[1] = \text{Rank}[3] = 2$  Mismo tamaño: el vértice 3 integra al vértice 1 a su grupo.
  - $\text{Parents}[1] = 3$
  - $\text{Rank}(3) = \text{Rank}(3) + \text{Rank}(1) = 2 + 2 = 4$
- $\text{Parents} = \{1, 3, 3, 3, 4, 5\}$
- $\text{Rank} = \{1, 2, 1, 4, 1, 1\}$

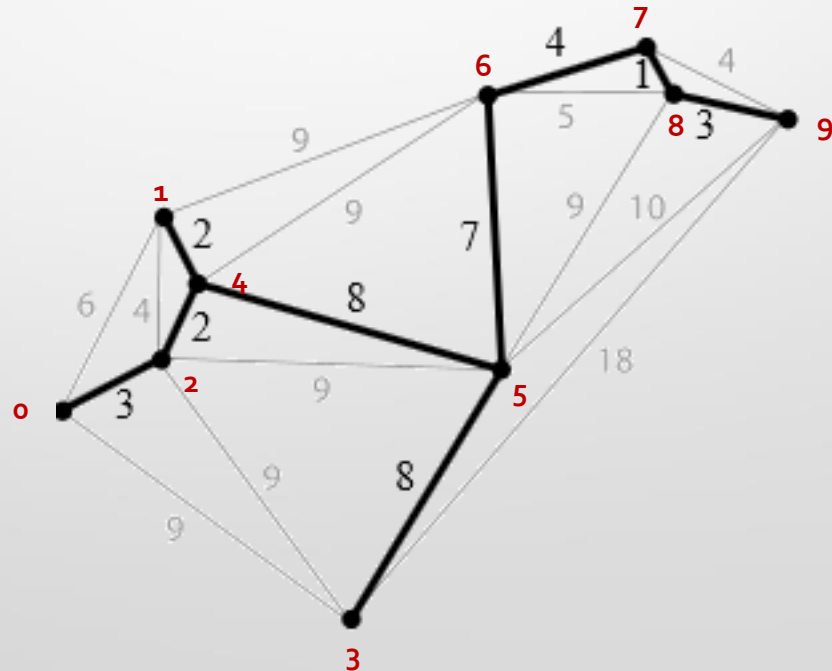


# Técnica *union-find*

- Métodos adicionales a implementar:
- `int findLeader(int Parents[], int x)`
  - Devuelve el índice del líder del grupo al que pertenece el vértice x.
  - Recibe el arreglo que almacena el padre directo de cada vértice.
  - Se puede implementar de forma recursiva.
- `boolean join(int parents[], int rank[], int i, int j)`
  - Lleva a cabo la unión de los grupos a los que pertenecen los vértices i, j.
  - Si ambos vértices tienen el mismo líder no efectúa la unión y devuelve *falso*.
  - En caso contrario,
    - Sean líder<sub>1</sub>, líder<sub>2</sub>, respectivamente, los líderes con menor y mayor rank.
    - El padre de líder<sub>1</sub> será líder<sub>2</sub>
    - Al rank de líder<sub>2</sub> se le sumará el rank de líder<sub>1</sub>.
- El algoritmo de **kruskal** deberá agregar las primeras  $N - 1$  aristas al ARM tal que el método **join** devuelva verdadero.

# Ejercicio

- Probar que funcionan los algoritmos de Prim y Kruskal con el siguiente grafo:
  - Prim:  $(0,2)$ ,  $(2,4)$ ,  $(4,1)$ ,  $(4,5)$ ,  $(5,6)$ ,  $(6,7)$ ,  $(7,8)$ ,  $(8,9)$ ,  $(5,3)$
  - Kruskal:  $(7,8)$ ,  $(1,4)$ ,  $(2,4)$ ,  $(0,2)$ ,  $(8,9)$ ,  $(6,7)$ ,  $(5,6)$ ,  $(3,5)$ ,  $(4,5)$

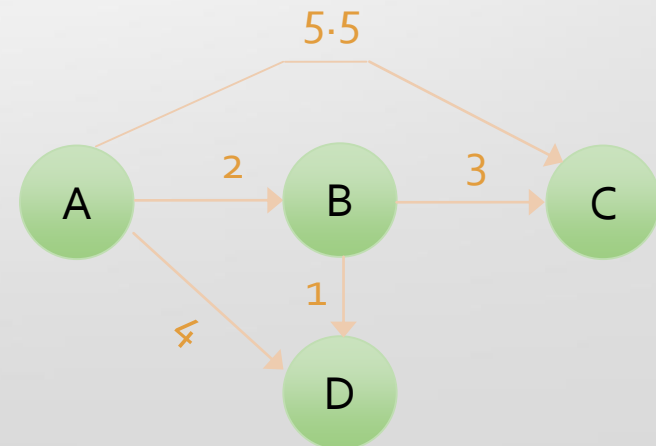


# Algoritmo de Dijkstra

- El algoritmo de Dijkstra calcula la distancia más corta entre un nodo  $n$  y todos los demás nodos del grafo.
- Puede utilizar búsqueda en profundidad o en anchura.
- Normalmente, el grafo es dirigido y ponderado (Red).

Nodo inicial = A

A	0.0
B	2.0
C	5.0
D	3.0





# Algoritmo de Dijkstra

- Como búsqueda en profundidad, tendrá una lista de nodos visitados y una pila de nodos por visitar.
- Además, tendrá una lista de la distancia más corta del nodo inicial a cada nodo visitado.
  - `distancias[i]` almacena la distancia más corta encontrada al momento entre el nodo inicial y el nodo visitado número  $i$ .
- Y una pila de distancias desde el nodo inicial al nodo que se encuentra en la pila.
  - Por cada vecino introducido a la pila de nodos, se introduce también su distancia desde el nodo inicial a la pila de distancias.

# Algoritmo de Dijkstra

1. Meter a la pila el nodo inicial.
2. Meter 0.0 a la pila de distancias.
3. Mientras la pila (que sea) no esté vacía:
  - a) Sean:  $n$  el último nodo de la pila, y  $d$  la última distancia de la pila
  - b) Si  $n$  ya se visitó y su distancia al nodo inicial registrada es  $\leq d$ , regresar al paso 3 (no se mejoró el camino: no hay nada que actualizar)
  - c) Si  $n$  ya se visitó y su distancia registrada es mayor que  $d$ , guardar  $d$  en **distancias** en la posición en la que  $n$  está en **odosVisitados**
  - d) Si  $n$  no se ha visitado, agregar  $n$  a **odosVisitados**, y  $d$  a **distancias**
  - d) Meter cada vecino  $v_k$  de  $n$  a la pila de nodos
  - e) Meter cada peso  $p_k + d$  a la pila de distancias

# Algoritmo de Dijkstra

## Pilas

Nodos	Distancias
<b>A</b>	<b>0.0</b>

A no ha sido visitado.  
Agregamos A, 0.0 a las listas respectivas.  
Agregamos sus vecinos y pesos a las pilas.

Nodos	Distancias
<b>D</b>	<b>4.0</b>
C	5.5
B	2.0

Nodos visitados

<b>A</b>	<b>D</b>
----------	----------

Distancias

<b>0.0</b>	<b>4.0</b>
------------	------------

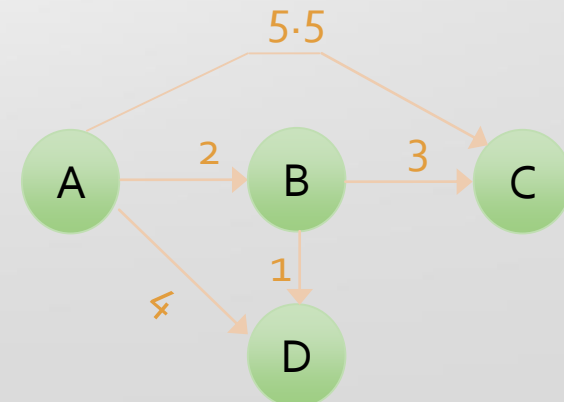
D no ha sido visitado.  
Agregamos D, 4.0 a las listas respectivas.  
D no tiene vecinos.

Nodos visitados

Distancias

Nodos visitados

Distancias



# Algoritmo de Dijkstra

Nodos	Distancias
<b>C</b>	<b>5.5</b>
B	2.0

Nodos visitados

A	D	C
---	---	---

Distancias

0.0	4.0	5.5
-----	-----	-----

C no ha sido visitado.

Agregamos C, 5.5 a las listas respectivas. C No tiene vecinos.

Nodos	Distancias
<b>B</b>	<b>2.0</b>

Nodos visitados

A	D	C	B
---	---	---	---

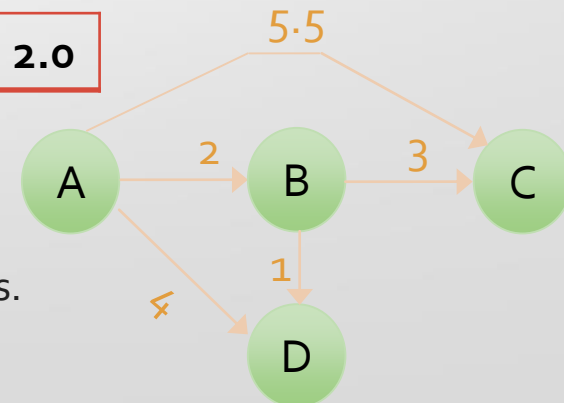
Distancias

0.0	4.0	5.5	2.0
-----	-----	-----	-----

B no ha sido visitado.

Agregamos B, 2.0 a las listas respectivas.

Agregamos sus vecinos (C, D) y pesos (2 + 3, 2 + 1) a las pilas.



# Algoritmo de Dijkstra

Nodos	Distancias
D	3.0
C	5.0

Nodos visitados

A	D	C	B
---	---	---	---

Distancias

0.0	3.0	5.5	2.0
-----	-----	-----	-----

D ya ha sido visitado. Su distancia registrada (4) es mayor que la actual (3). Reemplazamos 4.0 por 3.0 en la lista de distancias. D no tiene vecinos.

Nodos	Distancias
C	5.0

Nodos visitados

A	D	C	B
---	---	---	---

Distancias

0.0	3.0	5.0	2.0
-----	-----	-----	-----

C ya ha sido visitado.  
Su distancia registrada (5.5) es mayor que la actual (5.0).  
Reemplazamos 5.5 por 5.0 en la lista de distancias.  
C no tiene vecinos.

