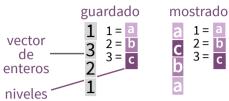
Factores con forcats:: HOJA DE REFERENCIA

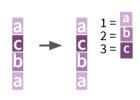
El paquete forcats provee herramientas para trabajar con factores, la estructura de datos de R para datos categóricos.



R representa datos categóricos con factores. Un **factor** es un vector de enteros con un atributo de **niveles** que guarda mapeos entre ente-



ros y valores categóricos. Cuando ves un factor, R no muestra enteros, sino los valores asociados con ellos.

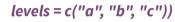


a b c

2 = 3 =

Crear un factor con factor()

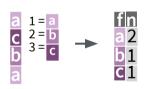
factor(x = character(), levels,
labels = levels, exclude = NA, ordered =
is.ordered(x), nmax = NA) Convierte
un vector a un factor. También as_factor.
f <- factor(c("a", "c", "b", "a"),</pre>



Devolver sus niveles con levels()
levels(x) Devuelve/fija los niveles de un
factor. levels(f); levels(f) <- c("x","y","z")

Usa unclass() para ver su estructura

Examina Factores

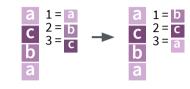




fct_count(f, sort = FALSE) Cuenta el número de valores de cada nivel. *fct_count*(f)

fct_unique(f) Devuelve los valores únicos, removiendo duplicados. *fct_unique*(f)

Cambia el orden de los niveles



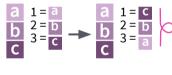
fct_relevel(.f, ..., after = 0L)
Reordena niveles manualmente.
fct_relevel(f, c("b", "c", "a"))



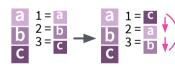
fct_infreq(f, ordered = NA)
Reordena niveles por la
frecuencia con la que aparecen en
los datos (mayor frecuencia
primero).
f3 <- factor(c("c", "c", "a"))
fct_infrea(f3)</pre>



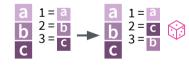
fct_inorder(f, ordered = NA)
Reordena niveles por el orden en
el cual aparecen en los datos.
fct_inorder(f2)



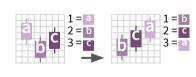
fct_rev(f) Ordena los niveles en
reversa.
f4 <- factor(c("a","b","c"))
fct rev(f4)</pre>



fct_shift(f) Desplaza niveles a
izquierda o derecha en forma
envolvente.
fct shift(f4)

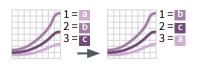


fct_shuffle(f, n = 1L) Permuta el orden de los niveles al azar. fct shuffle(f4)



fct_reorder(.f, .x, .fun=median, ..., .desc = FALSE) Reordena los niveles según su asociación con otra variable. boxplot(data = iris, Sepal.Width ~

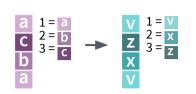
fct reorder(Species, Sepal.Width))



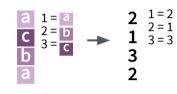
fct_reorder2(.f, .x, .y, .fun = last2, ..., .desc = TRUE) Reordena niveles por su valor final cuando se grafican con otras dos variables. qqplot(data = iris,

ggplot(data = iris, aes(Sepal.Width, Sepal.Length, color = fct_reorder2(Species, Sepal.Width, Sepal.Length))) + geom_smooth()

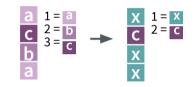
Cambia el valor de los niveles



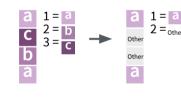
fct_recode(.f, ...) Cambia manualmente los niveles. También fct_relabel que tiene sintaxis de purrr::map para aplicar una función o expresión a cada nivel. fct_recode(f, v = "a", x = "b", z = "c") fct_relabel(f, ~ paste0("x", .x))



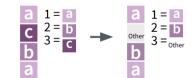
fct_anon(f, prefix = ""))
Anonimiza niveles con números enteros al azar. *fct_anon(f)*



fct_collapse(.f, ...) Colapsa niveles en grupos definidos manualmente. fct_collapse(f, x = c("a", "b"))

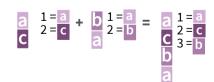


fct_lump(f, n, prop, w = NULL, other_level = "Other", ties.method = c("min", "average", "first", "last", "random", "max")) Combina niveles menos o más comunes en un único nivel. También **fct_lump_min**. fct lump(f, n = 1)

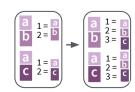


fct_other(f, keep, drop, other_level =
"Other") Reemplaza niveles con
"other." fct_other(f, keep = c("a", "b"))

Combina Factores



fct_c(...) Combina factores
con niveles distintos.
f1 <- factor(c("a", "c"))
f2 <- factor(c("b", "a"))
fct_c(f1, f2)</pre>



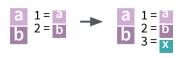
fct_unify(fs, levels =
lvls_union(fs)) Estandariza
niveles en una lista de
factores.
fct_unify(list(f2, f1))

Agrega o descarta niveles



fct_drop(f, only) Descarga niveles no usados.

f5 <- factor(c("a","b"),c("a","b","x")) f6 <- fct_drop(f5)



fct_expand(f, ...) Agrega niveles a un factor. *fct_expand*(*f*6, "x")



fct_explicit_na(f, na_level="(Missing)")
Asigna un nivel a NAs para incluirlos,
por ejemplo en gráficos.
fct_explicit_na(factor(c("a", "b", NA)))