inchamento\_24h.R

Annie de Lima

2021-09-20

# Inchamento e absorção de água 24h  
library(agricolae)  
library(ExpDes.pt)

##   
## Attaching package: 'ExpDes.pt'

## The following objects are masked from 'package:agricolae':  
##   
## lastC, order.group, tapply.stat

#inchamento em espessura  
inchamento <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/iespessura.txt",  
 header = T)  
x <- inchamento$tratamento  
y <- inchamento$sw24  
dados <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 282.37 56.475 8.1323 2.2843e-06  
## Residuo 90 625.00 6.944   
## Total 95 907.38   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 17.74 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 9.879673e-05   
## ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.05253711   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## Teste de Tukey  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Grupos Tratamentos Medias  
## a T1 17.62562   
## ab T3 15.87625   
## ab T6 15.3175   
## bc T5 14.71813   
## bc T4 13.16437   
## c T2 12.43875   
## ------------------------------------------------------------------------

#inchamento LATERAL  
inchamentol <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/ilateral.txt",  
 header = T)  
x <- inchamentol$tratamento  
y <- inchamentol$sw24  
dadosl <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 1.2224 0.24448 3.9343 0.0028466  
## Residuo 90 5.5926 0.06214   
## Total 95 6.8150   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 23.22 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 1.638668e-05   
## ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.002235454   
## ATENCAO: a 5% de significancia, as variancias nao podem ser consideradas homogeneas!  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## Teste de Tukey  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Grupos Tratamentos Medias  
## a T1 1.256875   
## ab T5 1.18875   
## ab T6 1.03875   
## ab T3 1.034375   
## b T2 0.9875   
## b T4 0.934375   
## ------------------------------------------------------------------------

#absorção  
absorcao <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/absorcao.txt",  
 header = T)  
x <- absorcao$tratamento  
y <- absorcao$sw24  
dadosab <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 2226 445.20 3.2439 0.0097151  
## Residuo 90 12352 137.24   
## Total 95 14578   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 19.52 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.6641128   
## De acordo com o teste de Shapiro-Wilk a 5% de significancia, os residuos podem ser considerados normais.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.6780988   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## Teste de Tukey  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Grupos Tratamentos Medias  
## a T1 67.10125   
## ab T5 63.8575   
## ab T6 61.99188   
## ab T3 58.63688   
## ab T4 55.51562   
## b T2 53.08   
## ------------------------------------------------------------------------