inchamento\_2h.R

Annie de Lima

2021-09-20

# Inchamento e absorção de água 2h  
library(agricolae)  
library(ExpDes.pt)

##   
## Attaching package: 'ExpDes.pt'

## The following objects are masked from 'package:agricolae':  
##   
## lastC, order.group, tapply.stat

#inchamento em espessura  
inchamento <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/iespessura.txt",  
 header = T)  
x <- inchamento$tratamento  
y <- inchamento$sw2  
dados <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 32.961 6.5922 4.2351 0.0016709  
## Residuo 90 140.093 1.5566   
## Total 95 173.054   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 24.57 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.03072193   
## ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.6521323   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## Teste de Tukey  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Grupos Tratamentos Medias  
## a T1 5.64375   
## a T3 5.526875   
## a T6 5.496875   
## ab T5 5.251875   
## ab T4 4.400625   
## b T2 4.143125   
## ------------------------------------------------------------------------

#inchamento LATERAL  
inchamentol <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/ilateral.txt",  
 header = T)  
x <- inchamentol$tratamento  
y <- inchamentol$sw2  
dadosl <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 0.535 0.107009 3.1178 0.012155  
## Residuo 90 3.089 0.034322   
## Total 95 3.624   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 42.12 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.5348605   
## De acordo com o teste de Shapiro-Wilk a 5% de significancia, os residuos podem ser considerados normais.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.629572   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## Teste de Tukey  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Grupos Tratamentos Medias  
## a T1 0.591875   
## ab T6 0.460625   
## ab T5 0.43125   
## b T3 0.400625   
## b T4 0.391875   
## b T2 0.3625   
## ------------------------------------------------------------------------

#absorção  
absorcao <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/absorcao.txt",  
 header = T)  
x <- absorcao$tratamento  
y <- absorcao$sw2  
dadosab <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 771.1 154.212 2.0128 0.084308  
## Residuo 90 6895.5 76.617   
## Total 95 7666.6   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 39.72 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.0003373373   
## ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.702943   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Niveis Medias  
## 1 T1 23.46438  
## 2 T2 17.76187  
## 3 T3 19.78375  
## 4 T4 21.08750  
## 5 T5 23.71438  
## 6 T6 26.40563  
## ------------------------------------------------------------------------