ligacao\_interna.R

Annie de Lima

2021-09-21

library(agricolae)  
library(ExpDes.pt)

##   
## Attaching package: 'ExpDes.pt'

## The following objects are masked from 'package:agricolae':  
##   
## lastC, order.group, tapply.stat

#Ligação Interna - Tração  
tração <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/ligacao.txt",  
 header = T)  
x <- tração$tratamento  
y <- tração$tracao  
dados <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 29487 5897.4 2.1291 0.069064  
## Residuo 90 249293 2769.9   
## Total 95 278780   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 24.98 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.3638536   
## De acordo com o teste de Shapiro-Wilk a 5% de significancia, os residuos podem ser considerados normais.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.4911834   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Niveis Medias  
## 1 T1 240.8375  
## 2 T2 190.5062  
## 3 T3 224.7500  
## 4 T4 211.6062  
## 5 T5 201.2250  
## 6 T6 195.2438  
## ------------------------------------------------------------------------

#Ligação Interna - MOR  
módulo <- read.table(  
 "C:/Users/Annie de Lima/Downloads/Estatística/stat\_debs/ligacao.txt",  
 header = T)  
x <- módulo$tratamento  
y <- módulo$MOR  
data <- data.frame(x,y)  
  
dic(  
 x,  
 y,  
 quali = TRUE,  
 nl = FALSE,  
 hvar = "bartlett",  
 sigT = 0.05,  
 sigF = 0.05  
)

## ------------------------------------------------------------------------  
## Quadro da analise de variancia  
## ------------------------------------------------------------------------  
## GL SQ QM Fc Pr>Fc  
## Tratamento 5 47.20 9.4408 2.214 0.059653  
## Residuo 90 383.78 4.2642   
## Total 95 430.98   
## ------------------------------------------------------------------------  
## CV = 25.03 %  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )   
## Valor-p: 0.3439068   
## De acordo com o teste de Shapiro-Wilk a 5% de significancia, os residuos podem ser considerados normais.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## ------------------------------------------------------------------------  
## Teste de homogeneidade de variancia   
## valor-p: 0.5099449   
## De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.  
## ------------------------------------------------------------------------  
##   
## De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.  
## ------------------------------------------------------------------------  
## Niveis Medias  
## 1 T1 9.46875  
## 2 T2 7.46875  
## 3 T3 8.80000  
## 4 T4 8.28750  
## 5 T5 7.85000  
## 6 T6 7.62500  
## ------------------------------------------------------------------------