

第2章：线性表

2.2 线性表的顺序表示

2010：将一个线性表中的元素循环左移p个位置

- 题目描述

设将 n ($n > 1$) 个整数存放于一维数组 R 中。试设计一个在时间和空间两方面都尽可能高效的算法。将 R 中保存的序列循环左移 p ($0 < p < n$) 个位置，即将 R 中的数据由 $(X_0, X_1, \dots, X_{n-1})$ 变换为 $(X_p, X_{p+1}, \dots, X_0, X_1, \dots, X_{p-1})$ 。

- 算法思想

可以将这个问题看做把数组 ab 转换成数组 ba (a 代表数组的前 p 个元素， b 代表数组中余下的 $n-p$ 个元素)，先将 a 逆置得到 $a^{-1}b$ ，最后将整个 b 逆置得到 $a^{-1}b^{-1}$ ，最后将整个 $a^{-1}b^{-1}$ 逆置得到 $(a^{-1}b^{-1})^{-1} = ba$ 。设Reverse函数将数组元素逆置的操作，对abcdefgh向左循环移动3($p=3$)个位置如下：

Reverse(0,p-1)得到cbadefgh

Reverse(p,n-1)得到cbahgfed

Reverse(0,n-1)得到defghabc

Reverse中的两个参数分别表示数组中待逆置元素的始末位置。

- 算法实现

```
void Reverse(int R[],int from,int to){
    int i,temp;
    for(i=0;i<=(to-from)/2;i++){
        temp = R[from+i];
        R[from+i] = R[to-i];
        R[to-i] = temp;
    }
}

void Converse(int R[],int n,int p){
    Reverse(R,0,p-1);
    Reverse(R,p,n-1);
    Reverse(R,0,n-1);
}
```

- 复杂度分析

上述算法中三个Reverse函数的时间复杂度分别为 $O(p/2)$, $O((n-p)/2)$, $O(n/2)$ ，故算法的复杂度为 $O(n)$ ，空间复杂度为 $O(1)$

- 另解1

创建大小为 p 的辅助数组 S ，将 R 前 p 个整数依次暂存在 S 中，同时将 R 中后 $n-p$ 个整数左移，然后将暂存在 S 中的 p 个元素依次放回 R 中的后续单元。

时间复杂度： $O(n)$ ，空间复杂度： $O(n)$

- 另解2

创建大小为 n 的辅助数组 S ，将 R 的前 p 个元素暂存在 S 的后 p 个单元中，后 $n-p$ 个元素暂存在 S 的前 $n-p$ 个单元中，最后将 S 中的所有元素——赋值回 R 。

时间复杂度： $O(n)$ ，空间复杂度： $O(n)$

2011：求两个线性表的中位数

• 题目描述

一个长度为 $L(L \geq 1)$ 的升序序列 S ，处在第 $\lceil L/2 \rceil$ 个位置的数称为 S 中的中位数。例如，若序列 $S_1 = (11, 13, 15, 17, 19)$ ，则 S_1 的中位数是15，两个序列的中位数是含它们所有元素的升序序列的中位数。例如，若 $S_2 = (2, 4, 6, 8, 20)$ ，则 S_1 和 S_2 的中位数是11。现有两个等长升序序列 A 和 B ，试设计一个在时间和空间两方面都尽可能高效的算法，找出两个序列 A 和 B 的中位数。

• 算法设计思想

分别求出序列 A 和 B 的中位数，设为 a 和 b ，求序列 A 和 B 的中位数过程如下：

- 1) 若 $a=b$ ，则 a 或 b 即为所求的中位数，算法结束
- 2) 若 $a < b$ ，则舍弃序列 A 中较小的一半，同时舍弃序列 B 中较大的一半，要求舍弃的长度相等
- 3) 若 $a > b$ ，则舍弃序列 A 中较大的一半，同时舍弃序列 B 中较小的一半，要求舍弃的长度相等

在保留的两个升序序列中，重复1)、2)、3)，直到两个序列中只含一个元素为止，较小者即为所求的中位数。

• 算法实现

```
int M_Search(int A[], int B[], int n){
    int s1=0, d1=n-1, m1, s2=1, d2=n-1, m2;
    //分别表示序列A和B的首位数、末位数和中位数
    while(s1!=d1 || s2!=d2){
        m1=(s1+d1)/2;
        m2=(s2+d2)/2;
        if(A[m1]==B[m2]){
            return A[m1]; //满足条件1)
        }
        if(A[m1]<B[m2]){ //满足条件2)
            if((s1+d1)%2==0){ //元素个数为奇数
                s1=m1; //舍弃A中间点以前的部分且保留中间点
                d2=m2; //舍弃B中间点以后的部分且保留中间点
            }
            else{ //元素个数为偶数
                s1=m1+1; //舍弃A中间点及中间点以前部分
                d2=m2; //舍弃B中间点以后部分且保留中间点
            }
        }
        else{ //满足条件3)
            if((s1+d1)%2==0){ //元素个数为奇数
                d1=m1; //舍弃A中间点以后的部分且保留中间点
                s2=m2; //舍弃B中间点以前的部分且保留中间点
            }
            else{ //元素个数为偶数
                d1=m1+1; //舍弃A中间点及中间点以后部分
                s2=m2; //舍弃B中间点以前的部分且保留中间点
            }
        }
    }
}
```

```

    return A[s1]<B[s2]?A[s1]:B[s2];
}

```

• 时间复杂度分析

算法的时间复杂度为 $O(\log_2 n)$,空间复杂度为 $O(1)$ 。

• 另解1

给序列A和B设定两个浮标i和j分别指向A、B的第一个元素，即初始值为0。A、B中的元素根据浮标所对应的元素不停的比较，若 $A[i] > B[j]$ ，则 $i+1$ ，否则 $j+1$ 。当 $i+j==n-1$ 时停止比较，此时的A和B的中位数已经找到，中位数为 $\min\{A[i], B[j]\}$ 。

时间复杂度为： $O(n)$ ，空间复杂度为： $O(1)$

2013：找出序列主元素

• 题目描述

已知一个整数序列 $A = (a_0, a_1, \dots, a_{n-1})$ ，其中 $0 \leq a_i \leq n(0 \leq i \leq n)$ 。若存在 $a_{p1} = a_{p2} = \dots = a_{pm} = x$ 且 $m > n/2(0 \leq p_k < n, 1 \leq k \leq m)$ ，则称 x 为主元素。例如 $A = (0, 5, 5, 3, 5, 7, 5, 5)$ ，则5为主元素；又如 $A = (0, 5, 5, 3, 5, 1, 5, 7)$ ，则A没有主元素。假设A的n个元素保存在一个一维数组中，请设计一个尽可能高效的算法，找出A的主元素。若存在主元素，则输出该元素；否则输出-1。

• 算法思想

算法的策略是从前向后扫描数组元素，标记出一个可能成为主元素的元素num，然后重新计数，确认num是否是主元素。

算法可分为如下两步：

① 选取候选主元素：依次扫描所给数组中的每个整数，将第一个遇到的整数num保存到c中，记录num的出现次数为1；若遇到下一个整数仍等于num，则计数加1，否则计数减1；当计数减到0时，将遇到的下一个整数保存到c中，计数重新记为1，开始新一轮的计数，即从当前位置开始重复上述过程，知道扫描完全部数组元素。

② 判断c中元素是否是真正的主元素；再次扫描该数组，统计c中元素出现的次数，若大于 $n/2$ ，则为主元素；否则，序列中不存在主元素。

• 算法实现

```

int Majority(int A[],int n){
    int i,c,count = 1;           //c用来保存候选主元素，count用来计数
    c = A[0];                    //设置A[0]为候选主元素
    for(i=1;i<n;i++){
        if(A[i]==c)
            count++;             //对A中的候选主元素计数
        else
            if(count>0)           //处理不是候选主元素
                count--;
            else{
                c = A[i];
                count = 1;
            }
    }
    if(i=count=0;i<n;i++)
        if(A[i]==c)

```

```

        count++;
    if(count>n/2)
        return c;           //确定候选主元素
    else
        return -1;          //不存在主元素
}

```

- 复杂度分析

算法时间复杂度: $O(n)$, 空间复杂度: $O(1)$

- 另解1

使用一个和序列同等长度的辅助数组(其下标就是序列的元素, 下标对应的值即序列元素出现的次数)存储序列中的不同元素出现的个数, 然后再扫描一遍辅助数组选出元素的下标, 返回该下标, 否则返回-1。

时间复杂度: $O(n)$, 空间复杂度: $O(n)$

2018: 找出数组的未出现的最小正数

- 题目描述

给定一个含 n ($n \geq 1$) 个整数的数组, 请设计一个在时间上尽可能高效的算法, 找出数组中未出现的最小正整数。例如, 数组{-5, 3, 2, 3}中未出现的最小正整数是 1; 数组{1, 2, 3}中未出现的最小正整数是 4。

- 算法思想

题目要求算法时间上尽可能高效, 因此采用空间换时间的办法。分配一个用于标记的数组 $B[n]$, 用来记录 A 中是否出现了 $1 \sim n$ 中的正整数, $B[0]$ 对应正整数 1, $B[n-1]$ 对应正整数 n , 初始化 B 中全部为 0。由于 A 中含有 n 个整数, 因此可能返回的值是 $1 \sim n+1$, 当 A 中 n 个数恰好为 $1 \sim n$ 时返回 $n+1$ 。当数组 A 中出现了小于等于 0 或大于 n 的值时, 会导致 $1 \sim n$ 中出现空余位置, 返回结果必然在 $1 \sim n$ 中, 因此对于 A 中出现了小于等于 0 或大于 n 的值可以不采取任何操作。

经过以上分析可以得出算法流程: 从 $A[0]$ 开始遍历 A , 若 $0 < A[i] \leq n$, 则令 $B[A[i]-1] = 1$; 否则不进行操作。对 A 遍历结束后, 开始遍历数组 B , 若能查找到第一个满足 $B[i] == 0$ 的下标 i , 返回 $i+1$ 即为结果, 此时说明 A 中未出现的最小正整数在 $1 \sim n$ 之间。若 $B[i]$ 全部不为 0, 返回 $i+1$ (跳出循环时 $i = n$, $i+1$ 等于 $n+1$), 此时说明 A 中未出现的最小正整数是 $n+1$ 。

- 算法实现

```

int findMissMin(int A[], int n)
{
    int i, *B; //标记数组
    B=(int *)malloc(sizeof(int)*n); //分配空间
    memset(B,0,sizeof(int)*n); //赋初值为 0
    for(i=0;i<n;i++)
        if(A[i]>0&&A[i]<=n) //若 A[i]的值介于 1~n, 则标记数组 B
            B[A[i]-1]=1;
    for(i=0;i<n;i++) //扫描数组 B, 找到目标值
        if (B[i]==0) break;
    return i+1; //返回结果
}

```

- 算法性能分析

时间复杂度：遍历 A 一次，遍历 B 一次，两次循环内操作步骤为 $O(1)$ 量级，因此时间复杂度为 $O(n)$ 。

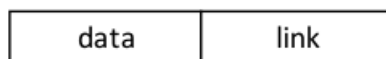
空间复杂度：额外分配了 $B[n]$ ，空间复杂度为 $O(n)$ 。

2.3 线性表的链式表示

2009：寻找单链表的倒数第 k 个结点

- 题目描述

已知一个带有头结点的单链表，结点结构为：



假设该链表只给出了头指针 $list$ 。在不改变链表的前提下，请设计一个尽可能高效的算法，查找链表中倒数第 k 个位置上的结点 (k 为正整数)。若查找成功，算法输出该结点的 $data$ 域值，并返回 1；否则，返回 0。

- 算法思想

定义两个指针变量 p 和 q ，初始时均指向头结点的下一个结点 (链表的第一个结点)。 p 指针沿链表移动；当 p 移动到第 k 个结点时， q 指针开始与 p 指针同步移动；当 p 指针移动到最后一个结点时， q 指针所指示结点为倒数第 k 个结点。以上过程对链表仅进行一遍扫描。

- 算法步骤

- ① $count = 0$ ， p 和 q 指向链表表头结点的下一个结点；
- ② 若 p 为空，转⑤；
- ③ 若 $count$ 等于 k ，则 q 指向下一个结点；否则， $count = count + 1$ ；
- ④ p 指向下一个结点，转②
- ⑤ 若 $count$ 等于 k ，则查找成功，输出该结点的 $data$ 域值，返回 1；否则，说明 k 值超过了线性表的长度，查找失败，返回 0；
- ⑥ 算法结束。

- 算法实现

```
typedef int ElemType;
typedef struct LNode{
    ElemType data;          //数据域
    struct LNode *next;    //指针域
}*LinkList, LNode;

int Search_k(LinkList list, int k){
    LinkList p = list->next, q = list->next;    //指针p, q指向链表第一个结点
    int count = 0;                               //计数器，记录是否到达第k个结点
    while(p != NULL){
        if(count < k)    count++;                //继续向前移动，表示未到达k
        else
            q = q->next;                          //与指针p同步移动
        p = p->next;
    }
    if(count < k)
        return 0;                                //查找失败
    else{

```

```

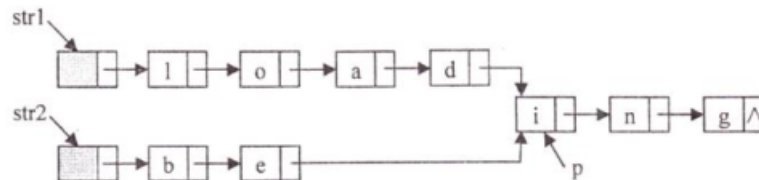
    printf("%d",q->data);           //输出数据域
    return 1;
}
}

```

2012：寻找保存单词的单链表的共享后缀

• 题目描述

假定采用带头结点的单链表保存单词，当两个单词有相同的后缀时，则可共享相同的后缀存储空间，例如，“loading”和“being”的存储映像如下图所示。



设str1和str2分别指向两个单词所在单链表的头结点，链表结点结构为

data	next
------	------

，请设计一个时间上尽可能高效的算法，找出由str1和str2所指向两个链表共同后缀的起始位置(如图中字符i所在结点的位置p)。

• 算法思想

顺序遍历两个链表到尾结点时，并不能保证两个链表同时到达尾结。这是因为两个链表的长度不同。

假设一个链表比另一个链表长k个结点，我们先在长链表上遍历k个结点，之后同步遍历两个链表，这样就能保证它们同时到达最后一个结点。由于两个链表从第一个公共结点到链表的尾结点都是重合的，所以它们肯定能同时到达第一个公共结点。算法的基本设计思想如下：

① 分别求出str1和str2所指的两个链表的长度m和n；

② 将两个链表以表尾对齐：令指针p、q分别指向str1和str2的头结点，若 $m \geq n$ ，则使p指向链表中的第 $m-n+1$ 个结点；若 $m < n$ ，则使q指向链表中的第 $n-m+1$ 个结点，即使指针p和q所指的结点到表尾的长度相等。

③ 反复将指针p和q同步向后移动，并判断它们是否指向同一个结点。若p和q指向同一个结点，则该结点即为所求的公共后缀的起始位置。

• 算法实现

```

LinkNode *Find_1st_Common(LinkList str1,LinkList str2){
    int len1 = Length(str1),len2 = Length(str2);
    LinkNode *p,*q;
    for(p=str1;len1>len2;len1--)    //使p指向链表q与指向的链表等长
        p=p->next;
    for(q=str2;len1<len2;len2--)    //使q指向链表p与指向的链表等长
        q=q->next;
    while(p->next!=NULL&& p->next!=q->next){ //查找公共后缀起始点
        p=p->next;
        q=q->next;
    }
    return p->next; //返回公共后缀的起始点
}

```

- 算法复杂度

时间复杂度为: $O(\max(len1, len2))$, 空间复杂度为: $O(1)$

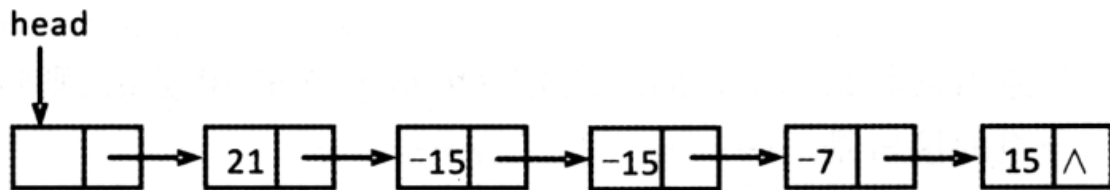
2015: 删除单链表中绝对值相等的结点

- 题目描述

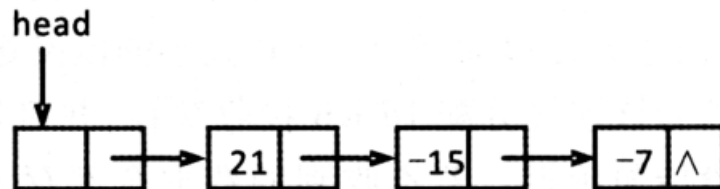
用单链表保存 m 个整数, 结点的结构为:

data	next
------	------

, 且 $|data| \leq n$ (n 为正整数)。现要求设计一个时间复杂度尽可能高效的算法, 对于链表中 $data$ 的绝对值相等的结点, 仅保留第一个出现的结点而删除其余绝对值相等的结点。例如, 若单链表 $head$ 如下:



则删除结点后的 $head$ 为:



- 算法思想

算法的核心思想是用空间换时间。使用辅助数组记录链表中已经出现的数字, 从而只需对链表进行一趟扫描。

因为 $|data| \leq n$, 故辅助数组 q 的大小为 $n + 1$, 各元素的初值为 0。依次扫描链表中的各结点, 同时检查 $q[|data|]$ 的值, 如果为 0, 则保留该结点, 并令 $q[|data|] = 1$; 否则, 将该结点从链表中删除。

- 算法实现

结点的数据类型定义:

```
typedef struct node{
    int data;
    struct node *link;
}NODE;
typedef NODE *PNODE;
```

算法实现:

```
void func(PNODE h, int n){
    PNODE p = h, r;
    int *q, m;
    q = (int*)malloc(sizeof(int)*(n+1)); //申请n+1个位置的辅助空间
    for(int i=0; i<n+1; i++)
        *(q+i) = 0;
    while(p->link!=NULL){
        m = p->link->data>0?p->link->data:-p->link->data;
        if(*(q+m)==0){ //判断该结点的data是否已出现过
```

```

        *(q+m) = 1; //保留
        p = p->link;
    }else{
        r = p->link;
        free(r);
    }
}
free(q);
}

```

- 算法性能分析

时间复杂度： $O(m)$ ，空间复杂度： $O(n)$ 。

2019：重新排列单链表的各结点

- 题目描述

设线性表 $L = \{a_1, a_2, a_3, \dots, a_{n-2}, a_{n-1}, a_n\}$ 采用带头结点的单链表保存，链表中的结点定义如下：

```

typedef struct node{
    int data;
    struct node *next;
}NODE;

```

请设计一个空间复杂度为 $O(1)$ 且时间上尽可能高效的算法，重新排列 L 中的各结点，得到线性表 $L' = \{a_1, a_n, a_2, a_{n-1}, a_3, a_{n-2} \dots\}$ 。

- 算法思想

先观察 L 和 L' ，发现 L' 是由 L 摘取第一个元素，再摘取倒数第一个元素……依次合并而成的。为了方便链表后半段取元素，需要先将 L 后半段原地逆置【题目要求空间复杂度为 $O(1)$ ，不能借助栈】，否则每取最后一个结点都需要遍历一次链表。

①先找出链表 L 的中间结点，为此设置两个指针 p 和 q ，指针 p 每次走一步，指针 q 每次走两步，当指针 q 到达链尾时，指针 p 正好在链表的中间结点；

②然后将 L 的后半段结点原地逆置。

③从单链表前后两段中依次各取一个结点，按要求重排。

- 算法实现

```

void change_list(NODE *h)
{
    NODE *p, *q, *r, *s;
    p=q=h;
    while(q->next!=NULL) //寻找中间结点
    {
        p=p->next;          //p 走一步
        q=q->next;
        if(q->next!=NULL) q=q->next; //q 走两步
    }
    q=p->next;          //p 所指结点为中间结点，q 为后半段链表的首结点
    p->next=NULL;
    while(q!=NULL) //将链表后半段逆置

```



```

{
    r=q->next;
    q->next=p->next;
    p->next=q;
    q=r;
}
s=h->next; //s 指向前半段的第一个数据结点，即插入点
q=p->next; //q 指向后半段的第一个数据结点
p->next=NULL;
while(q!=NULL) //将链表后半段的结点插入到指定位置
{
    r=q->next; //r 指向后半段的下一个结点
    q->next=s->next; //将 q 所指结点插入到 s 所指结点之后
    s->next=q;
    s=q->next; //s 指向前半段的下一个插入点
    q=r;
}
}

```

- 算法性能分析

第 1 步找中间结点的时间复杂度为 $O(n)$ ，第 2 步逆置的时间复杂度为 $O(n)$ ，第 3 步合并链表的时间复杂度为 $O(n)$ ，所以该算法的时间复杂度为 $O(n)$ 。

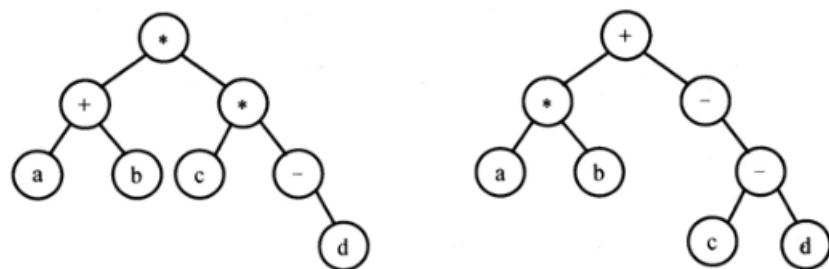
第4章：树与二叉树

4.3 二叉树的遍历和线索树

2017：二叉树转换为中缀表达式

- 题目描述

请设计一个算法，将给定的表达式树(二叉树)转换为等价的中缀表达式(通过括号反映操作符的计算次序)并输出。例如，当下列两棵表达式树作为算法的输入时：



输出的等价中缀表达式分别为 $(a+b) * (c * (-d))$ 和 $(a * b) + (-(-c-d))$ 。

二叉树结点定义如下：

```

typedef struct node
{
    char data[10]; //存储操作数或操作符
    struct node *left,*right;
}BTree

```

- 算法思想

表达式树的中序序列加上必要的括号即为等价的中缀表达式。可以基于二叉树的中序遍历策略得到所需的表达式。表达式树中分支结点所对应的子表达式的计算次序，由该分支结点所处的位置决定。为得到正确的中缀表达式，需要在生成遍历序列的同时，在适当位置增加必要的括号。显然，表达式的最外层(对应根结点)及操作数(对应叶结点)不需要添加括号。

- 算法实现

```
void BtreeToE(BTree *root){
    BtreeToExp(root,1);           //根的高度为1
    void BtreeToExp(BTree *root,int deep){
        if(root == NULL) return;    //树空
        else if(root->left == NULL && root->right == NULL) //若为叶子结点
            printf("%s",root->data); //输出操作数
        else{
            if(deep>1) print("(");    //若有子表达式则加1层括号
            BtreeToExp(root->left,deep+1);
            printf("%s",root->data);    //输出操作符
            BtreeToExp(root->right,deep+1);
            if(deep>1) printf(")");    //若有子表达式则加1层括号
        }
    }
}
```

4.5 树与二叉树的应用

2014：求二叉树的带权路径长度WPL

- 题目描述

二叉树的带权路长度(WPL)是二叉树所有叶结点的带权路径长度之和。给定一颗二叉树T，采用二叉树链表存储，结点结构为：

left	weight	right
------	--------	-------

其中叶结点的weight域保存该结点的非负权值。设root为指向T的根结点指针，请设计T的WPL的算法。

- 算法思想

① 基于先序递归遍历的算法是用一个static变量记录wpl，把每个结点的深度作为递归函数的一个参数传递，算法步骤如下：

若该结点是叶子结点，那么变量wpl加上该结点的深度与权值之积；

若该结点是非叶子结点，那么若左子树不为空，对左子树调用递归算法，若右子树不为空，对右子树调用递归算法，深度参数均为本结点的深度参数加一。

最后返回计算出的wpl即可。

② 基于层次遍历的算法是使用队列进行层次遍历，并记录当前的层数，

当遍历到叶子结点时，累计wpl；

当遍历到非叶子结点时对该结点的把该结点的子树加入队列；

当某结点为该层的最后一个结点时，层数自增1；

队列空时遍历结束，返回wpl。

- 二叉树结点数据类型定义

```
typedef struct BiTNode{
    struct Node *left,*right;
    int weight;
}BiTNode,*BiTree;
```

- 算法实现

① 基于先序遍历的算法：

```
int WPL(BiTree root){
    return wpl_PreOrder(root,0);
}
int wpl_PreOrder(BiTree root,int deep){
    static int wpl = 0;           //定义一个static变量存储wpl
    if(root->lchild == NULL && root->rchild == NULL)    //若为叶字结点，累计wpl
        wpl+=deep*root->weight;
    if(root->lchild != NULL)                //若左子树不空，对左子树递归
        wpl_PreOrder(root->lchild,deep+1);
    if(root->rchild != NULL)                //若右子树不空，对左子树递归
        wpl_PreOrder(root->rchild,deep+1);
    return wpl;
}
```

② 基于层次遍历的算法

```
#define MaxSize 100                //设置队列的最大容量
int wpl_LevelOrder(BiTree root){
    BiTree q[MaxSize];              //声明队列，end1 为头指针，end2 为尾指针
    int end1, end2;                 //队列最多容纳 MaxSize-1 个元素
    end1 = end2 = 0;                //头指针指向队头元素，尾指针指向队尾的后一个元素
    int wpl = 0, deep = 0;           //初始化 wpl 和深度
    BiTree lastNode;                //lastNode 用来记录当前层的最后一个结点
    BiTree newlastNode;             //newlastNode 用来记录下一层的最后一个结点
    lastNode = root;                //lastNode 初始化为根节点
    newlastNode = NULL;             //newlastNode 初始化为空
    q[end2++] = root;               //根节点入队
    while(end1 != end2){             //层次遍历，若队列不空则循环
        BiTree t = q[end1++];       //拿出队列中的头一个元素
        if(t->lchild == NULL & t->rchild == NULL){
            wpl += deep*t->weight;   //若为叶子结点，统计 wpl
        }
        if(t->lchild != NULL){       //若非叶子结点把左结点入队
            q[end2++] = t->lchild;
            newlastNode = t->lchild;
        }
        if(t->rchild != NULL){       //并设下一层的最后一个结点为该结点的左结点
            q[end2++] = t->rchild;
            newlastNode = t->rchild;
        }
        if(t == lastNode){           //若该结点为本层最后一个结点，更新 lastNode
            lastNode = newlastNode;
            deep += 1;               //层数加 1
        }
    }
}
```

```

    }
}
return wp1;           //返回 wp1
}

```

第7章：排序

7.3 交换排序

2016：划分集合

- 题目描述

已知由 $(n \geq 2)$ 个正整数构成的集合 $A = \{a_k\}, 0 \leq k < n$ ，将其划分为两个不相交的子集 A_1 和 A_2 ，元素个数分别为 n_1 和 n_2 ， A_1 和 A_2 中元素之和分别为 S_1 和 S_2 。设计一个尽可能高效的划分算法，满足 $|n_1 - n_2|$ 最小且 $|S_1 - S_2|$ 最大。

- 算法思想

将最小的 $\lfloor n/2 \rfloor$ 个元素放在 A_1 中，其余的元素放在 A_2 中，分组结果即可满足题目要求。仿照快速排序的思想，基于枢轴将 n 个整数划分为两个子集。根据划分后枢轴所处的位置 i 分别处理：

- ① 若 $i = \lfloor n/2 \rfloor$ ，则分组完成，算法结束；
- ② 若 $i < \lfloor n/2 \rfloor$ ，则枢轴及以前的所有元素均属于 A_1 ，继续对 i 之后的元素进行划分；
- ③ 若 $i > \lfloor n/2 \rfloor$ ，则枢轴及之后的所有元素均属于 A_2 ，继续对 i 之前的元素进行划分；

- 算法实现

```

int setPartition(int a[],int n){
    int pivotkey,low=0,low0=0,high=n-1,high0=n-1,flag=1,k=n/2,i;
    int s1=0,s2=0;
    while(flag){
        pivotkey = a[low];           //选择枢轴
        while(low<high){
            while(low<high && a[high]>=pivotkey)           //基于枢轴对数据进行划分
                --high;
            if(low!=high)    a[low] = a[high];
            while(low<high && a[low]<=pivotkey)
                ++low;
            if(low!=high)    a[high]=a[low];
        }
        a[low]=pivotkey;
        if(low==k-1)           //若枢轴是第n/2个元素，划分成功
            flag=0;
        else{
            if(low<k-1){
                low0=++low;
                high=high0;
            }
            else{
                high0=--high;
            }
        }
    }
}

```

```
        low=low0;
    }
}
}
```

- 算法性能分析

平均时间复杂度: $O(n)$, 空间复杂度为 $O(1)$