Белорусский Государственный Университет Информатики и Радиоэлектроники

Факультет компьютерных систем и сетей

Кафедра ЭВМ

Лабораторная работа №4

Тема «Классификация»

Выполнил: Проверил:

Студент группы 7М2432 Марченко В.В.

Пашковский А.А.

Задание:

Требуется исследовать работу алгоритма классификации объектов по ближайшему соседу. Для каждого набора данных требуется выполнить следующие задания:

- 1. Случайным образом разделить имеющуюся выборку примерно пополам на обучающую выборку и контрольную выборку.
- 2. Произвести классификацию объектов контрольной выборки, используя данные о классах объектов из обучающей выборки, с помощью алгоритма классификации по ближайшему соседу.
- 3. Изобразить объекты графически в трёхмерном пространстве. Для объектов разных классов и разных выборок следует использовать разные обозначения. Отдельно представить графики, на одном из которых объекты из контрольной выборки имеют свои настоящие классы, а на другом классы, к которым их отнес классификатор.
- 4. Оценить вероятность ошибочной классификации.

Все описанные задания выполнить для двух наборов данных.

Данные для моделирования представлены в таблице 1, где независимые случайные векторы (X, Y), n1 из которых относятся к первому классу, а n2 — ко второму классу. Векторы, относящиеся к первому классу, распределены по гауссовскому закону с математическим ожиданием a1 и корреляционной матрицей R1, а векторы, относящиеся ко второму классу — по гауссовскому закону с математическим ожиданием a2 и корреляционной матрицей. R2.

Таблица 1 - Исходные данные:

Вариант	n_1	a_1	R_1			n_2	a_1	R_2		
3	1000	$\binom{5}{7}$	$\begin{pmatrix} 2 \\ -1 \\ 0.1 \end{pmatrix}$	-1 4	$\begin{pmatrix} 0.1 \\ -1 \\ 2 \end{pmatrix}$	2000	$\begin{pmatrix} 9\\11\\7 \end{pmatrix}$	$\begin{pmatrix} 4 \\ 1 \\ 1 \end{pmatrix}$	1 2	$\begin{pmatrix} -1\\1\\2 \end{pmatrix}$

Реальные статистические данные из заданного набора (выдаются преподавателем).

26. Parkinsons Disease Data Set

Название файла: 26-parkinsons.txt

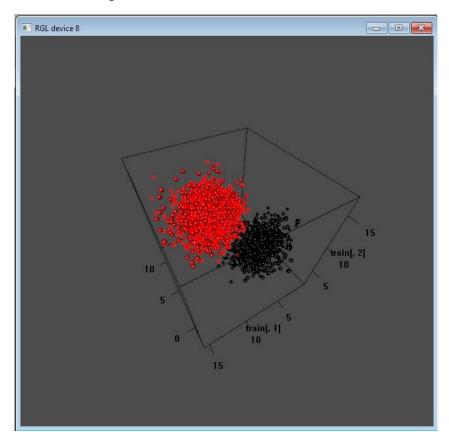
Ссылка: http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Parkinsons

Первый признак: MDVP:Fhi(Hz) (столбец № 3) Второй признак: MDVP:Flo(Hz) (столбец № 4)

Третий признак: DFA (столбец № 20) Класс: status (столбец № 18)

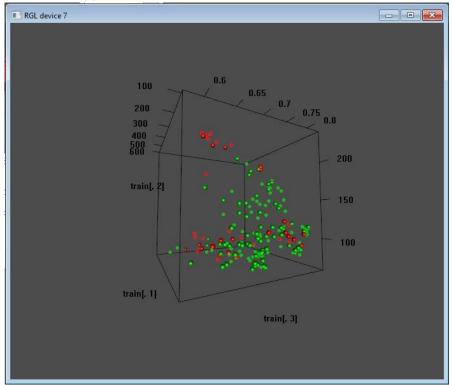
Результаты:

1. Смоделированные данные:



Вероятность ошибочной классификации: 0.004333333

2. Реальные данные:



Вероятность ошибочной классификации: 0.1076923

Листинг программы:

```
install.packages("rgl")
require(class)
require (MASS)
require (rgl)
plot points <- function(train, test, clazz.train,</pre>
                          clazz.test) {
  rgl.open()
  plot3d(train[, 1], train[, 2], train[, 3],
          col=clazz.train, type='p', size=5, add=FALSE)
  plot3d(test[, 1], test[, 2], test[, 3],
         col=clazz.test, type='s', size=1, add=TRUE)
}
analyse knn <- function(dat, clazz) {</pre>
  n <- nrow(dat)</pre>
  rnd.num <- sample(1 : n)</pre>
  train.num <- rnd.num[1 : (n %/% 2)]</pre>
  test.num <- rnd.num[(n %/% 2 + 1) : n]
  train <- dat[train.num,]</pre>
  test <- dat[test.num,]</pre>
  clazz.train <- clazz[train.num]</pre>
  clazz.test <- clazz[test.num]</pre>
  clazz.knn <- knn(train, test, clazz.train)</pre>
  print(sum(clazz.test != clazz.knn) / n)
 plot points(train, test, clazz.train, clazz.test)
  plot points(train, test, clazz.train, clazz.knn)
}
dat <- read.table("parkinsons.data.txt", sep=",")</pre>
analyse knn(cbind(dat$V3, dat$V4, dat$V20), unclass(dat$V18))
n1 <- 1000
a1 < -c(5, 7, 3)
r1 \leftarrow cbind(c(2, -1, 0.1), c(-1, 4, -1), c(0.1, -1, 2))
n2 < -2000
a2 < -c(9, 11, 7)
r2 \leftarrow cbind(c(4, 1, -1), c(1, 2, 1), c(-1, 1, 2))
dat <- rbind(mvrnorm(n1, a1, r1), mvrnorm(n2, a2, r2))</pre>
analyse knn(dat, c(rep(1, n1), rep(2, n2)))
```