

Analyse von RAD-Seq-Daten unter Berücksichtigung von Sequenzierfehlerraten und Heterozygotiewahrscheinlichkeiten

Antonie Vietor

19. Februar 2021

Technische Universität Dortmund Fakultät für Informatik Lehrstuhl 11 Bioinformatics for High-Throughput Technologies http://ls11-www.cs.tu-dortmund.de/

In Kooperation mit: Universität Duisburg-Essen Genome Informatics http://genomeinformatics.uni-due.de/

Aufbau von DNA und RNA

Aufbau der DNA

- besteht aus Nukleotiden
- jedes Nukleotid besteht aus einem Zuckermolekül (Desoxyribose), einem Phosphatrest und einer Base
- Basen: A (Adenin), T (Thymin), G (Guanin), C (Cytosin)
- meist doppelsträngig
- dient vor allem der Informationsspeicherung (Erbinformation)

Aufbau von DNA und RNA

Aufbau der DNA

- besteht aus Nukleotiden
- jedes Nukleotid besteht aus einem Zuckermolekül (Desoxyribose), einem Phosphatrest und einer Base
- Basen: A (Adenin), T (Thymin), G (Guanin), C (Cytosin)
- meist doppelsträngig
- dient vor allem der Informationsspeicherung (Erbinformation)

Unterschiede im Aufbau der RNA

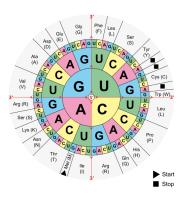
- Nukleotide: das Zuckermolekül ist Ribose
- Basen: Uracil (U) statt Thymin
- meist einzelsträngig
- viele Funktionen, dient unter anderem der Informationsübertragung bei der Proteinbiosyntese

Struktur der DNA

- Doppelhelixstruktur
- Komplementarität: selektive Basenpaarung von A und T und ebenso von G und C
- Antiparallelität: in der Doppelhelix sind die beiden DNA-Stränge gegenläufig zu einander
- Gene: Wechsel von codierenden (Exons) und nicht-codierenden Abschnitten (Introns)
- zwischen den Genen nicht-codierende Bereiche, z.T. mit regulatorischen Funktionen
- ca. 98 % der DNA sind nicht-codierend

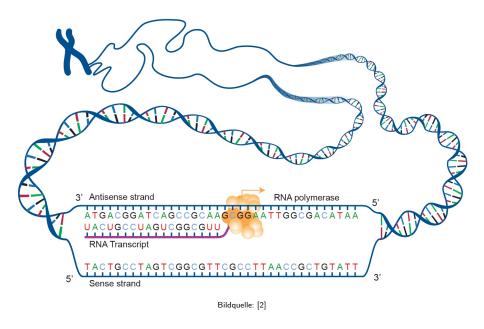
Genetischer Code

- Codierung der DNA-Sequenz in eine Aminosäuresequenz, welche die Primärstruktur der Proteine darstellt
- Basentripletts (Codons) codieren für i.d.R. 20
 Aminosäuren sowie ein Startund drei Stop-Codons
- Degeneration: mehrere Basentripletts können für die gleiche Aminosäure codieren



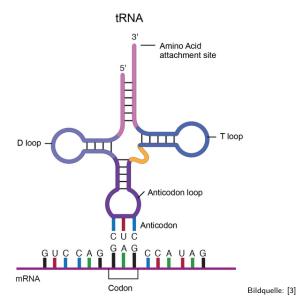
Bildquelle: [1]

- Transkription:
 - ⇒ **Umschreiben** eines DNA-Abschnitts zu Arbeitskopien in Form von **mRNA** (messenger RNA)



- Transkription:
 - ⇒ **Umschreiben** eines DNA-Abschnitts zu Arbeitskopien in Form von **mRNA** (messenger RNA)
- 2 Translation:
 - ⇒ **Übersetzen** der Basensequenz in die Aminosäuresequenz mit Hilfe von **tRNA** (transfer RNA)

- Transkription:
 - ⇒ **Umschreiben** eines DNA-Abschnitts zu Arbeitskopien in Form von **mRNA** (messenger RNA)
- 2 Translation:
 - ⇒ **Übersetzen** der Basensequenz in die Aminosäuresequenz mit Hilfe von **tRNA** (transfer RNA)
 - \Rightarrow die tRNA besitzt eine **mRNA-Bindungsstelle** bestehend aus einem Basentriplett
 - ⇒ die tRNA trägt zudem die nach dem genetischen Code korrespondierende Aminosäure (AS) ihrer mRNA-Bindungsstelle

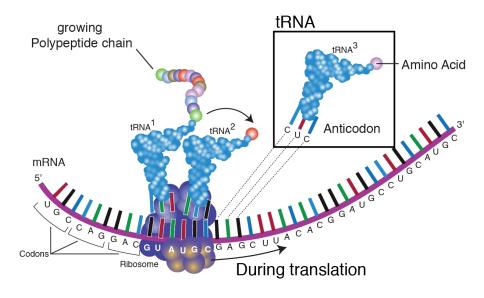


Transkription:

⇒ **Umschreiben** eines DNA-Abschnitts zu Arbeitskopien in Form von **mRNA** (messenger RNA)

2 Translation:

- ⇒ **Übersetzen** der Basensequenz in die Aminosäuresequenz mit Hilfe von **tRNA** (transfer RNA)
- \Rightarrow die tRNA besitzt eine **mRNA-Bindungsstelle** bestehend aus einem Basentriplett
- ⇒ die tRNA trägt zudem die nach dem genetischen Code korrespondierende Aminosäure (AS) ihrer mRNA-Bindungsstelle
- ⇒ von der Startsequenz ausgehend werden die tRNAs mit komplementärer Bindungsstelle nacheinander an die mRNA gebunden, dadurch wird ihre AS gelöst und an die AS der nachfolgenden tRNA gebunden
- ⇒ es entsteht eine **Aminosäuresequenz**

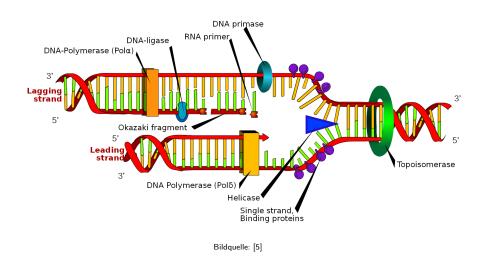


Bildquelle: [4]

Natürlicher Vorgang der Vervielfältigung der DNA bei der Zellteilung:

1 Topoisomerasen: die DNA wird entwunden

 $\Rightarrow xxx$



6 / 53

Natürlicher Vorgang der Vervielfältigung der DNA bei der Zellteilung:

- **1 Topoisomerasen**: die DNA wird entwunden
 - $\Rightarrow xxx$
- - $\Rightarrow xxx$

Natürlicher Vorgang der Vervielfältigung der DNA bei der Zellteilung:

- **1 Topoisomerasen**: die DNA wird entwunden
 - $\Rightarrow xxx$
- 2 xxx:
 - $\Rightarrow xxx$
 - $\Rightarrow xxx$
 - $\Rightarrow xxx$

Natürlicher Vorgang der Vervielfältigung der DNA bei der Zellteilung:

- **1 Topoisomerasen**: die DNA wird entwunden
 - $\Rightarrow xxx$
- 2 xxx:
 - $\Rightarrow xxx$
 - $\Rightarrow xxx$
 - $\Rightarrow xxx$
 - $\Rightarrow xxx$
 - \Rightarrow xxx

Mutationen und Varianten

PCR und Sequenzierung

RAD-Sequencing

Problemstellung und Lösungsansatz

Bildquellen

- [1] MOUAGIP: Aminoacids table.svg. 2021. source: https://commons.wikimedia.org/wiki/File:Aminoacids_table.svg
- [2] MARGULIES, Elliott: Transcription. source: https://www.genome.gov/genetics-glossary/Transcription
- [3] Leja, Darryl: Transfer RNA (tRNA). source: https://medlineplus.gov/genetics/understanding/basics/ noncodingdna/
- [4] MARGULIES, Elliott: Transfer RNA (tRNA). source: https://www.genome.gov/genetics-glossary/Transfer-RNA
- [5] Ruiz, Mariana: DNA replication. source: https: //commons.wikimedia.org/wiki/File:DNA_replication_en.svg