

Master BioInformatique

Année: 2012/2013Semestre de décembre 2012

PARCOURS: Master 1

UE J1BS7202: Algorithmique et Programmation

Épreuve: Examen

Date: Lundi 17 décembre 2012

Heure: 10 heures Durée: 2 heures Documents : autorisés

Épreuve de M. Alain GRIFFAULT

SUJET + CORRIGE

Avertissement

- La plupart des questions sont indépendantes.
- Vous pouvez au choix utiliser un langage algorithmique ou bien le langage python pour répondre aux questions.
- L'espace laissé pour les réponses est suffisant (sauf si vous utilisez ces feuilles comme brouillon, ce qui est fortement déconseillé).

Question	Points	Score
ABR : algorithmes et complexités	20	
Total:	20	

Exercice 1 : ABR : algorithmes et complexités

(20 points)

Rappels: Les Arbres Binaires de Recherche (ABR) sont des arbres binaires qui satisfont la propriété suivante : $\forall N$ un nœud de l'arbre, $\forall G$ un nœud du sous arbre gauche de N, $\forall D$ un nœud du sous arbre droit de N, $G.info \leq N.info \leq D.info$, où info est une valeur entière servant à comparer les nœuds. Voici pour mémoire une version python de deux algorithmes vus en cours sur les ABR.

```
def successeurABR(A,P):
                                       # P doit etre un noeud non nil de A
def minimumABR(A):
                                       if P.fd!=None:
    if A==None:
                                           return minimumABR(P.fd)
        return None
                                       else:
    else:
                                           Aux = P
        Aux = A
                                           AuxPere = P. pere
        while Aux.fg!=None:
                                           while AuxPere!=None and AuxPere.fd=Aux:
            Aux = Aux.fg
                                               Aux = AuxPere
        return Aux
                                               AuxPere = Aux.pere
                                           return AuxPere
```

(a) (2 points) En vous inspirant de la fonction minimumABR(A) vue en cours, écrire une fonction itérative maximumABR(A) qui retourne un pointeur sur le nœud de l'arbre A possédant la plus grande valeur entière s'il existe, la valeur nil sinon.

```
Solution:
def maximumABR(A):
    if A==None:
        return None
        Aux = A
        while Aux.fd!=None:
            Aux = Aux.fd
        return Aux
```

(b) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction maximumABR(A) en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre A.

Solution:

- Meilleur des cas : $\Omega(1)$ lorsque A n'a pas de fils droit.
- Pire des cas : $(\mathcal{O})(\setminus)$ lorsque A n'a qu'une descendance par ses fils droits. La hauteur h de l'arbre est alors égale à n.
- (c) (3 points) En vous inspirant de la fonction successeurABR(A,P) vue en cours, écrire une fonction predecesseur(A,P) qui retourne un pointeur sur le nœud possédant la valeur qui précède la valeur contenue dans P.

```
Solution:
def predecesseurABR(A,P):
    # P doit etre un noeud non nil de A
    if P. fg!=None:
        return maximumABR(P. fg)
    else:
        Aux = P
        AuxPere = P. pere
        while AuxPere!=None and AuxPere.fg=Aux:
        Aux = AuxPere
        AuxPere = Aux.pere
        return AuxPere
```

(d) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction predecesseurABR(A,P) en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre A.

Solution:

- Meilleur des cas : $\Omega(1)$ lorsque P a un fils gauche qui n'a pas de fils droit.
- Pire des cas : $(\mathcal{O})(\setminus)$ lorsque P est la racine, qu'il n'a pas de fils droit, qu'il a un fils gauche qui n'a qu'une descendance par ses fils droits. La hauteur h de l'arbre est alors égale à n.
- (e) (3 points) En utilisant les fonctions minimumABR(A) et successeurABR(A,P) vues en cours, écrire une fonction itérative afficherCroissantABR(A) qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche A en ordre croissant.

```
Solution:

def afficherCroissantABR(A):
    if A!=None:
        Aux = minimumABR(A)
        while Aux!=None:
        print(Aux.info)
        Aux = successeurABR(A, Aux)
```

(f) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction afficherCroissantABR(A) en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre A.

```
Solution:

- Meilleur des cas : \Omega(n).

- Pire des cas : (\mathcal{O})(\setminus).

- Soit : Theta(n)
```

(g) (2 points) En utilisant les fonctions maximumABR(A) et predecesseurABR(A,P) vues en cours, écrire une fonction itérative afficherDecroissantABR(A) qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche A en ordre décroissant.

```
Solution:

def afficherDecroissantABR(A):
    if A!=None:
        Aux = maximumABR(A)
        while Aux!=None:
```

```
print(Aux.info)
Aux = predecesseurABR(A,Aux)
```

(h) (2 points) Écrire une fonction récursive afficherDecroissantRecursifABR(A) qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche A en ordre décroissant.

```
Solution:

def afficherDecroissantRecursifABR(A):
    if A!=None:
        afficherDecroissantRecursifABR(A.fd):
        print(A.info)
        afficherDecroissantRecursifABR(A.fg):
```

(i) (2 points) Soit A un ABR contenant au moins deux nœuds P1 et P2, et les deux séquences de calculs :

```
\begin{array}{lll} B1 = supprimerABR(A,P1) & B2 = supprimerABR(A,P2) \\ B1 = supprimerABR(B1,P2) & B2 = supprimerABR(B2,P1) \end{array}
```

A-t-on toujours B1 = B2 après ces calculs? Si oui, justifier. Si non, donner un exemple.

Solution: Non.